

GiViTI

Gruppo Italiano per la Valutazione degli Interventi In Terapia Intensiva

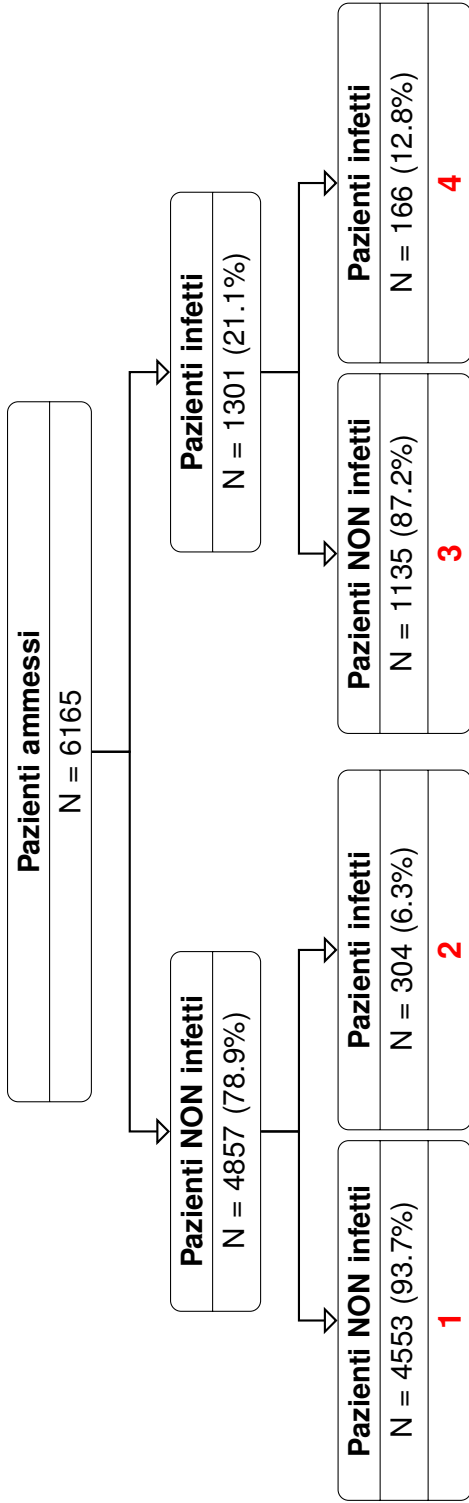
Rapporto
Progetto PROSAFE - Petalo INFEZIONI

Anno 2017

Popolazione complessiva (16 TI)

TI Polivalenti - Regione Veneto

Report nazionale (16 TI) - Anno 2017 [TI Polivalenti - Regione Veneto]
Flow-chart



AMMISSIONE:

DEGENZA:

	1	3	4	2	3+4	2+4
	Pazienti NON infetti N=4553 (73.9%)	Pazienti infetti SOLO all'ammissione N=1135 (18.4%)	Pazienti infetti all'ammissione e in degenza N=166 (2.7%)	Pazienti infetti SOLO in degenza N=304 (4.9%)	Pazienti infetti all'ammissione N=1301 (21.1%)	Pazienti infetti in degenza N=470 (7.6%)
Degenza in TI (giorni) Mediana; Q1-Q3	1; 1-3	5; 2-10	20; 9-34	18; 10-29	6; 2-12	18; 9-30
Degenza ospedaliera (giorni) Mediana; Q1-Q3	12; 7-21	18; 10-31	32; 18-53	30; 17-47	20; 10-34	31; 17-50
Mortalità in TI N; % {CI 95%}	493; 10.8% {9.9-11.8}	254; 22.4% {20.0-24.9}	61; 36.7% {29.4-44.6}	61; 20.1% {15.7-25.0}	315; 24.2% {21.9-26.6}	122; 26.0% {22.0-30.2}
Mortalità ospedaliera N; % {CI 95%}	724; 16.3% {15.3-17.5}	355; 32.7% {30.0-35.6}	71; 45.5% {37.5-53.7}	78; 27.1% {22.0-32.6}	426; 34.4% {31.7-37.1}	149; 33.6% {29.2-38.2}
Gravità massima dell'infezione N; % († Mortalità in TI; ‡ Mortalità ospedaliera)		0; 0.0% († 0.0; ‡ 0.0)	0; 0.0% († 0.0; ‡ 0.0)	0; 0.0% († 0.0; ‡ 0.0)	0; 0.0% († 0.0; ‡ 0.0)	0; 0.0% († 0.0; ‡ 0.0)
INFEZIONE SENZA SEPSI/SEPSI		707; 65.5% († 13.2; ‡ 24.6)	76; 46.1% († 27.6; ‡ 38.9)	248; 84.9% († 14.1; ‡ 21.6)	783; 62.9% († 14.6; ‡ 26.0)	324; 70.9% († 17.3; ‡ 25.6)
SHOCK SETTICO		373; 34.5% († 39.1; ‡ 46.8)	89; 53.9% († 43.8; ‡ 50.6)	44; 15.1% († 52.3; ‡ 60.0)	462; 37.1% († 40.0; ‡ 47.5)	133; 29.1% († 46.6; ‡ 53.7)

Sono considerate come aderenti le sole TI con almeno 4 mesi di compilazione valida.

Pazienti ammessi

Pazienti ammessi (N): 6165

Sesso	N	%
Maschio	3685	59.8
Femmina	2480	40.2
Missing	0	

Eta (anni)	N	%
<17	42	0.7
17-45	685	11.1
46-65	1473	23.9
66-75	1593	25.8
>75	2372	38.5
Missing	0	

Degenza pre TI (giorni)	N	%
Media	4.3	
DS	10.5	
Mediana	1	
Q1-Q3	0-3	
Missing	11	

Provenienza (Reparto)	N	%
Reparto medico	894	14.6
Reparto chirurgico	2889	47.2
Pronto soccorso	1633	26.7
Altra TI	574	9.4
Terapia subintensiva	137	2.2
Neonatologia	0	0.0
Missing	38	

Trauma	N	%
No	5388	87.5
Sì	770	12.5
Missing	7	

Stato chirurgico	N	%
Medico	2974	48.3
Chirurgico d'elezione	1827	29.7
Chirurgico d'urgenza	1357	22.0
Missing	7	

Motivo di ammissione	N	%
Monitoraggio/Svezzamento	2958	48.0
Ricovero per presidi o trattamenti	0	0.0
Trattamento intensivo	3168	51.5
Sedazione Palliativa	23	0.4
Accertamento morte/Prelievo d'organo	8	0.1
Missing	8	

Insufficienza neurologica	N	%
Nessuna	4355	86.1
Coma cerebrale	443	8.8
Coma metabolico	124	2.5
Coma postanossico	119	2.4
Coma tossico	18	0.4
Missing o non valutabile	1106	

GCS (prime 24 ore)	N	%
Media	12.9	
DS	3.8	
Mediana	15	
Q1-Q3	13-15	
Non valutabile	753	
Missing	7	

Insufficienza neurologica insorta	N	%
Nessuna	6124	99.4
Coma cerebrale	20	0.3
Coma metabolico	11	0.2
Coma postanossico	3	0.0
Missing	7	

Mortalità in TI	N	%
Vivi	5289	85.9
Deceduti	869	14.1
Missing	7	

Mortalità ospedaliera *	N	%
Vivi	4732	79.4
Deceduti	1229	20.6
Missing	23	

Degenza in TI (giorni)	N	%
Media	5.5	
DS	10.1	
Mediana	2	
Q1-Q3	1-6	
Missing	6	

Degenza ospedaliera (giorni) *	N	%
Media	19.8	
DS	21.1	
Mediana	14	
Q1-Q3	7-25	
Missing	25	

Pazienti infetti (N=1605)

Gravità massima dell'infezione	N	%
-	0	0.0
INFEZIONE SENZA SEPSI/SEPSI	1031	67.1
SHOCK SETTICO	506	32.9
Missing	68	

Mortalità per gravità dell'inf. (%)	In TI	In H
-	0.0	0.0
INFEZIONE SENZA SEPSI/SEPSI	14.5	24.9
SHOCK SETTICO	41.1	48.5

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=5984).

Report nazionale (16 TI) - Anno 2017 [TI Polivalenti - Regione Veneto]

Pazienti NON infetti

Pazienti NON infetti (N): 4553

Sesso	N	%
Maschio	2655	58.3
Femmina	1898	41.7
Missing	0	

Eta (anni)	N	%
<17	32	0.7
17-45	548	12.0
46-65	1074	23.6
66-75	1144	25.1
>75	1755	38.5
Missing	0	

Degenza pre TI (giorni)	N	%
Media	3.6	
DS	9.4	
Mediana	1	
Q1-Q3	0-2	
Missing	4	

Provenienza (Reparto)	N	%
Reparto medico	454	10.0
Reparto chirurgico	2452	53.9
Pronto soccorso	1202	26.4
Altra TI	350	7.7
Terapia subintensiva	87	1.9
Neonatologia	0	0.0
Missing	8	

Trauma	N	%
No	3914	86.0
Sì	639	14.0
Missing	0	

Stato chirurgico	N	%
Medico	1915	42.1
Chirurgico d'elezione	1751	38.5
Chirurgico d'urgenza	887	19.5
Missing	0	

Motivo di ammissione	N	%
Monitoraggio/Svezzamento	2709	59.5
Ricovero per presidi o trattamenti	0	0.0
Trattamento intensivo	1816	39.9
Sedazione Palliativa	21	0.5
Accertamento morte/Prelievo d'organo	6	0.1
Missing	1	

Insufficienza neurologica	N	%
Nessuna	3253	88.2
Coma cerebrale	275	7.5
Coma metabolico	58	1.6
Coma postanossico	88	2.4
Coma tossico	16	0.4
Missing o non valutabile	863	

GCS (prime 24 ore)	N	%
Media	13.2	
DS	3.6	
Mediana	15	
Q1-Q3	14-15	
Non valutabile	523	
Missing	0	

Insufficienza neurologica insorta	N	%
Nessuna	4535	99.6
Coma cerebrale	11	0.2
Coma metabolico	5	0.1
Coma postanossico	2	0.0
Missing	0	

Mortalità in TI	N	%
Vivi	4060	89.2
Deceduti	493	10.8
Missing	0	

Mortalità ospedaliera *	N	%
Vivi	3708	83.7
Deceduti	724	16.3
Missing	7	

Degenza in TI (giorni)	N	%
Media	3.2	
DS	6.6	
Mediana	1	
Q1-Q3	1-3	
Missing	0	

Degenza ospedaliera (giorni) *	N	%
Media	16.9	
DS	18.4	
Mediana	12	
Q1-Q3	7-21	
Missing	10	

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=4439).

Pazienti infetti all'ammissione

Pazienti infetti all'ammissione (N): 1301

Provenienza (Reparto)	N	%
Reparto medico	391	30.6
Reparto chirurgico	377	29.5
Pronto soccorso	324	25.4
Altra TI	144	11.3
Terapia subintensiva	41	3.2
Neonatologia	0	0.0
Missing	24	

Trauma	N	%
No	1258	96.7
Sì	43	3.3
Missing	0	

Stato chirurgico	N	%
Medico	880	67.6
Chirurgico d'elezione	58	4.5
Chirurgico d'urgenza	363	27.9
Missing	0	

Motivo di ammissione	N	%
Monitoraggio/Svezzamento	206	15.8
Ricovero per presidi o trattamenti	0	0.0
Trattamento intensivo	1092	83.9
Sedazione Palliativa	2	0.2
Accertamento morte/Prelievo d'organo	1	0.1
Missing	0	

Infezioni all'ammissione (top 10)	N	%
Polmonite	397	30.5
Peritonite secondaria NON chir.	121	9.3
Infezione vie urinarie NON post-chir.	121	9.3
Inf. basse vie respiratorie NON polmonite	115	8.8
Colecistite/colangite	79	6.1
Peritonite post-chirurgica	70	5.4
Infezione cute/tessuti molli NON chir.	69	5.3
Batteriemia primaria sconosciuta	67	5.1
Sepsi clinica	46	3.5
Infezione del S.N.C. NON post-chirurgica	45	3.5
Missing	0	

Infezioni multisito	N	%
No	1192	91.6
Sì	109	8.4
Missing	0	

Gravità dell'infezione all'amm.	N	%
-	0	0.0
INFEZIONE SENZA SEPSI/SEPSI	821	66.0
SHOCK SETTICO	422	34.0
Missing	58	

Pazienti con PERITONITE all'ammissione (N): 232

Tipologia	N	%
Peritonite primaria	33	14.2
Peritonite secondaria NON chir.	121	52.2
Peritonite terziaria	8	3.4
Peritonite post-chirurgica	70	30.2
Missing	0	

Tipo di infezione	N	%
Extraospedaliera	99	42.7
Ospedaliera (non in TI)	131	56.5
Acquisita in altra Terapia Intensiva	2	0.9
Missing	0	

Batteriemia	N	%
No	201	86.6
Sì	31	13.4
Missing	0	

Infezioni multisito	N	%
No	207	89.2
Sì	25	10.8
Missing	0	

Gravità dell'infezione all'amm. °	N	%
-	0	0.0
INFEZIONE SENZA SEPSI/SEPSI	108	52.2
SHOCK SETTICO	99	47.8
Missing	0	

Mortalità in TI	N	%
Vivi	176	75.9
Deceduti	56	24.1
Missing	0	

Mortalità ospedaliera *	N	%
Vivi	133	63.6
Deceduti	76	36.4
Missing	2	

Degenza in TI (giorni)	
Media (DS)	8.5 (13.2)
Mediana (Q1-Q3)	4 (2-9)
Missing	0

Degenza ospedaliera (giorni) *	
Media (DS)	30.9 (28.9)
Mediana (Q1-Q3)	20 (12-39)
Missing	2

° Statistiche calcolate escludendo i pazienti con infezioni multiple (N=207).

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=211).

Report nazionale (16 TI) - Anno 2017 [TI Polivalenti - Regione Veneto]

Pazienti infetti all'ammissione

Pazienti con POLMONITE all'ammissione (N): 397

Trauma	N	%
No	383	96.5
Sì	14	3.5
Missing	0	

Stato chirurgico	N	%
Medico	365	91.9
Chirurgico d'elezione	6	1.5
Chirurgico d'urgenza	26	6.5
Missing	0	

Tipo di infezione	N	%
Extraospedaliera	252	63.5
Ospedaliera (non in TI)	116	29.2
Acquisita in altra Terapia Intensiva	29	7.3
Missing	0	

Batteriemica	N	%
No	340	85.6
Sì	57	14.4
Missing	0	

Infezioni multisito	N	%
No	355	89.4
Sì	42	10.6
Missing	0	

Gravità dell'infezione all'amm. °	N	%
-	0	0.0
INFEZIONE SENZA SEPSI/SEPSI	274	77.2
SHOCK SETTICO	81	22.8
Missing	0	

Mortalità in TI	N	%
Vivi	282	71.0
Deceduti	115	29.0
Missing	0	

Mortalità ospedaliera *	N	%
Vivi	240	62.8
Deceduti	142	37.2
Missing	2	

Degenza in TI (giorni)		
Media (DS)	11.9	(13.1)
Mediana (Q1-Q3)	8	(4-15)
Missing	0	

Degenza ospedaliera (giorni) *		
Media (DS)	25.4	(22.4)
Mediana (Q1-Q3)	20	(11-32)
Missing	1	

° Statistiche calcolate escludendo i pazienti con infezioni multiple (N=355).

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=384).

Report nazionale (16 TI) - Anno 2017 [TI Polivalenti - Regione Veneto]

Pazienti infetti all'ammissione

Infezioni con microrganismi isolati	Tutte le infezioni		Polmoniti (TOTALI)		Polmoniti (H/altra TI)	
	N	%	N	%	N	%
No	461	37.0	175	44.1	47	32.4
Sì	784	63.0	222	55.9	98	67.6
Numero totale di microrganismi isolati	996		297		135	
Missing	56		0		0	

Microorganismi responsabili isolati (MDR) ***	MDR			MDR			MDR		
	N	% su isolati, N=784	% su gruppo	N	% su isolati, N=222	% su gruppo	N	% su isolati, N=98	% su gruppo
Batteri									
Gram +	333	42.5	25.2	91	41.0	33.0	27	27.6	33.3
Staphylococcus	183	23.3		52	23.4		19	19.4	
Staphylococcus Aureus (MRSA)	118	15.1	47.5	46	20.7	54.3	16	16.3	50.0
S. coagulasi negativo (meticillina resistente)	43	5.5	55.8	3	1.4	2	0	0.0	0.0
Streptococcus	83	10.6		44	19.8		8	8.2	
Pneumococcus (resistente alla penicillina)	52	6.6	7.7	39	17.6	7.7	6	6.1	16.7
Enterococcus	78	9.9		3	1.4		3	3.1	
E. faecalis (vancomicina resistente)	43	5.5	0.0	3	1.4	0.0	3	3.1	0.0
E. faecium (vancomicina resistente)	33	4.2	3.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Clostridium difficile	4	0.5		0	0.0		0	0.0	
Gram -	424	54.1	39.2	115	51.8	43.5	65	66.3	52.3
Klebsiella (prod. ESBL)	95	12.1	46.3	20	9.0	60.0	12	12.2	83.3
Enterobacter (prod. ESBL)	32	4.1	9.4	6	2.7	16.7	4	4.1	25.0
Serratia (prod. ESBL)	11	1.4	27.3	8	3.6	12.5	5	5.1	0.0
Pseudomonas aer.	73	9.3		31	14.0		17	17.3	
MDR pseudomonas aer. sensibile a carbapenemi			35.6	26	3.6	9.7	3	9.7	5.9
MDR pseudomonas aer. resistente anche a carbapenemi			23.3	17	23.3	35.5	11	35.5	41.2
Escherichia coli (prod. ESBL)	179	22.8	22.3	22	9.9	22.7	14	14.3	14.3
Proteus (prod. ESBL)	16	2.0	37.5	4	1.8	25.0	2	2.0	50.0
Acinetobacter (resistente ai carbapenemi)	24	3.1	70.8	11	5.0	72.7	8	8.2	87.5
Stenotrophomonas			100.0	20	100.0		11	100.0	100.0
Haemophilus influenzae	17	2.2		8	3.6		2	2.0	
Legionella	11	1.4		11	5.0		2	2.0	
Citrobacter (prod. ESBL)	8	1.0	12.5	1	0.5	100.0	1	1.0	100.0
Neisseria meningitidis	3	0.4		0	0.0		0	0.0	
Funghi									
Candida	56	7.1		13	5.9		8	8.2	
Candida albicans (resistente agli azolici)	39	5.0	10.3	9	4.1	11.1	6	6.1	0.0
Candida non albicans (resistente agli azolici)	18	2.3	5.6	5	2.3	0.0	3	3.1	0.0
Aspergillus sp.	11	1.4		9	4.1		7	7.1	
Pneumocistis carinii	5	0.6		5	2.3		0	0.0	
Virus	33	4.2		18	8.1		6	6.1	
Altro									
Mycobatteri	1	0.1		0	0.0		0	0.0	
Mycobatteri (polmoniti atipiche)	2	0.3		2	0.9		0	0.0	
Altro	41	5.2		15	6.8		8	8.2	
Totale			30.7	241		75			42
Totale (escluso s. coagulasi negativo meticillina resistente)			28.2	221		73			42
									42.9
									42.9

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Report nazionale (16 TI) - Anno 2017 [TI Polivalenti - Regione Veneto]

Pazienti infetti all'ammissione

Infezioni con microrganismi isolati	Tutte le infezioni		Polmoniti (TOTALI)		Polmoniti (H/altra TI)	
	N	%	N	%	N	%
No	461	37.0	175	44.1	47	32.4
Si	784	63.0	222	55.9	98	67.6
Numero totale di microrganismi isolati	996		297		135	
Missing	56		0		0	

Microrganismi responsabili isolati (MDR) ***	N	% su gruppo	% su isolati, N=784	N	% su gruppo	% su isolati, N=222	N	% su gruppo	% su isolati, N=98
Gram -									
<i>Klebsiella</i>	95		12.1	20		9.0	12		12.2
Klebsiella prod. ESBL	44	46.3*	5.6	12	60.0*	5.4	10	83.3*	10.2
Klebsiella res. carb.	25	26.3*	3.2	5	26.3*	2.3	4	36.4*	4.1
Klebsiella res. Colistina	5	23.8°	0.6	1	25.0°	0.5	1	33.3°	1.0
Klebsiella res. Tigeciclina	3	18.8°	0.4	1	50.0°	0.5	1	50.0°	1.0
Klebsiella res. Gentamicina	11	50.0°	1.4	2	40.0°	0.9	1	25.0°	1.0
Klebsiella res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Enterobacter</i>	32		4.1	6		2.7	4		4.1
Enterobacter prod. ESBL	3	9.4*	0.4	1	16.7*	0.5	1	25.0*	1.0
Enterobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Enterobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Serratia</i>	11		1.4	8		3.6	5		5.1
Serratia prod. ESBL	3	27.3*	0.4	1	12.5*	0.5	0	0.0*	0.0
Serratia res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Serratia res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Pseudomonas aer.</i>	73		9.3	31		14.0	17		17.3
Pseudomonas aer. res. carb.	17	23.3*	2.2	11	35.5*	5.0	7	41.2*	7.1
Pseudomonas res. Colistina	1	6.7°	0.1	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Escherichia Coli</i>	179		22.8	22		9.9	14		14.3
Escherichia Coli prod. ESBL	40	22.3*	5.1	5	22.7*	2.3	2	14.3*	2.0
Escherichia Coli res. carb.	7	3.9*	0.9	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Escherichia Coli res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Gentamicina	1	14.3°	0.1	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Proteus</i>	16		2.0	4		1.8	2		2.0
Proteus prod. ESBL	6	37.5*	0.8	1	25.0*	0.5	1	50.0*	1.0
Proteus res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Proteus res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Citrobacter</i>	8		1.0	1		0.5	1		1.0
Citrobacter prod. ESBL	1	12.5*	0.1	1	100.0*	0.5	1	100.0*	1.0
Citrobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Citrobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Acinetobacter</i>	24		3.1	11		5.0	8		8.2
Acinetobacter res. carb.	17	70.8*	2.2	8	72.7*	3.6	7	87.5*	7.1
Acinetobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Acinetobacter res. Tigeciclina	4	40.0°	0.5	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Acinetobacter res. Col+Tig	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0

* % calcolata sul numero di microrganismi dello stesso tipo.

°% calcolata sul numero di microrganismi resistenti ai carbapenemi dello stesso tipo. La % è calcolata sui soli microrganismi di cui è stata testata la resistenza.

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Pazienti infetti in degenza

Pazienti infetti in degenza (N): 470

Sesso	N	%
Maschio	322	68.5
Femmina	148	31.5
Missing	0	

Eta (anni)	N	%
<17	2	0.4
17-45	40	8.5
46-65	122	26.0
66-75	147	31.3
>75	159	33.8
Missing	0	

Degenza pre TI (giorni)	N	%
Media	5.8	
DS	14.3	
Mediana	1	
Q1-Q3	0-6	
Missing	0	

Provenienza (Reparto)	N	%
Reparto medico	99	21.3
Reparto chirurgico	99	21.3
Pronto soccorso	139	29.9
Altra TI	111	23.9
Terapia subintensiva	17	3.7
Neonatologia	0	0.0
Missing	5	

Trauma	N	%
No	372	79.1
Sì	98	20.9
Missing	0	

Stato chirurgico	N	%
Medico	298	63.4
Chirurgico d'elezione	27	5.7
Chirurgico d'urgenza	145	30.9
Missing	0	

Motivo di ammissione	N	%
Monitoraggio/Svezzamento	57	12.1
Ricovero per presidi o trattamenti	0	0.0
Trattamento intensivo	412	87.7
Sedazione Palliativa	0	0.0
Accertamento morte/Prelievo d'organo	1	0.2
Missing	0	

Insufficienza neurologica	N	%
Nessuna	250	63.9
Coma cerebrale	108	27.6
Coma metabolico	16	4.1
Coma postanossico	16	4.1
Coma tossico	1	0.3
Missing o non valutabile	79	

GCS (prime 24 ore)	N	%
Media	9.6	
DS	5.1	
Mediana	11	
Q1-Q3	3-15	
Non valutabile	92	
Missing	0	

Insufficienza neurologica insorta	N	%
Nessuna	464	98.7
Coma cerebrale	5	1.1
Coma metabolico	1	0.2
Coma postanossico	0	0.0
Missing	0	

Mortalità in TI	N	%
Vivi	348	74.0
Deceduti	122	26.0
Missing	0	

Mortalità ospedaliera *	N	%
Vivi	295	66.4
Deceduti	149	33.6
Missing	5	

Degenza in TI (giorni)	N	%
Media	22.7	
DS	18.8	
Mediana	18.5	
Q1-Q3	9.2-30	
Missing	0	

Degenza ospedaliera (giorni) *	N	%
Media	37.6	
DS	29.6	
Mediana	31	
Q1-Q3	17-50.2	
Missing	5	

Pazienti infetti SOLO in degenza (N=304)

Gravità massima dell'infezione	N	%
-	0	0.0
INFEZIONE SENZA SEPSI/SEPSI	248	84.9
SHOCK SETTICO	44	15.1
Missing	12	

Mortalità per gravità dell'inf. (%)	In TI	In H
-	0.0	0.0
INFEZIONE SENZA SEPSI/SEPSI	14.1	21.6
SHOCK SETTICO	52.3	60.0

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=452).

Report nazionale (16 TI) - Anno 2017 [TI Polivalenti - Regione Veneto]**Pazienti infetti in degenza**

Infezioni in degenza (top 10)	N	%
Inf. basse vie respiratorie NON polmonite	176	37.4
Infezione vie urinarie NON post-chir.	99	21.1
Polmonite	84	17.9
Batteriemia da catetere (CR-BSI)	75	16.0
Batteriemia primaria sconosciuta	46	9.8
Infezione cute/tessuti molli post-chir.	24	5.1
Infezione delle alte vie respiratorie	21	4.5
Infezione cute/tessuti molli NON chir.	17	3.6
Sepsi clinica	13	2.8
Peritonite post-chirurgica	11	2.3
Missing	0	

Infezioni multisito	N	%
No	346	73.6
Sì	124	26.4
Missing	0	

Infezioni in degenza

Numero totale di episodi infettivi*	629
Numero totale di microrganismi isolati	733

Giorni per contrarre infezione

Media	6.9
DS	7.1
Mediana	5
Q1–Q3	2–9
Missing	0

Incidenza di infezioni in degenza (1)*(Paz. infetti in degenza/1000 gg. pre-infezione)*

Stima	17.0
CI (95%)	15.4–18.6

Incidenza di infezioni in degenza (2)*(Paz. infetti in degenza/paz. ricoverati per 7 gg.)*

Stima	11.9%
CI (95%)	10.8–13.0

L'incidenza di infezioni in TI, completata dall'intervallo di confidenza al 95%, è calcolata con le formule seguenti:

$$\text{Incidenza infezioni in degenza} = \frac{\text{Numero di pazienti con infezione in degenza}}{(\text{Giornate di degenza pre - infezione})} \times 1000 \quad (1)$$

$$\text{Incidenza infezioni in degenza} = \frac{\text{Numero di pazienti con infezione in degenza}}{(\text{Giornate di degenza pre - infezione})/7} \times 100 \quad (2)$$

dove la variabile *Giornate di degenza pre-infezione* è pari alla somma, per tutti i pazienti ammessi in TI, delle giornate di degenza sino all'insorgenza dell'infezione o alla dimissione del paziente. E' quindi pari alla degenza totale se il paziente non sviluppa infezione mentre è pari alla differenza tra la data di insorgenza dell'infezione e la data di ingresso in TI se il paziente è infetto. Il secondo tasso è una rielaborazione del primo e risponde alla domanda: 'Su 100 pazienti ricoverati per 7 giorni in TI, quanti sviluppano infezione in degenza?'.

* Non sono considerati gli episodi multipli nella stessa sede.

Report nazionale (16 TI) - Anno 2017 [TI Polivalenti - Regione Veneto]

Pazienti infetti in degenza

Episodi con microrganismi isolati	Pazienti infetti solo in degenza		Pazienti infetti sia all'am. che in deg.	
	N	%	N	%
No	41	10.5	29	12.2
Sì	351	89.5	208	87.8
Numero totale di microrganismi isolati	464		269	
Missing	0		0	

Microorganismi responsabili isolati (MDR) ***	MDR			MDR		
	N	% su isolati, N=351	% su gruppo	N	% su isolati, N=208	% su gruppo
Batteri						
Gram +	136	38.7	11.0	67	32.2	26.9
Staphylococcus	88	25.1		45	21.6	
Staphylococcus Aureus (MRSA)	42	12.0	16.7	21	10.1	52.4
S. coagulans negativo (meticillina resistente)	14	4.0	42.9	10	4.8	70.0
Streptococcus	10	2.8		6	2.9	
Pneumococcus (resistente alla penicillina)	8	2.3	12.5	0	0.0	0.0
Enterococcus	40	11.4		17	8.2	
E. faecalis (vancomicina resistente)	26	7.4	3.8	9	4.3	0.0
E. faecium (vancomicina resistente)	14	4.0	0.0	6	2.9	0.0
Clostridium difficile	2	0.6		2	1.0	
Gram -	237	67.5	32.5	127	61.1	52.8
Klebsiella (prod. ESBL)	47	13.4	10.6	44	21.2	45.5
Enterobacter (prod. ESBL)	36	10.3	11.1	12	5.8	8.3
Serratia (prod. ESBL)	10	2.8	20.0	3	1.4	0.0
Pseudomonas aer.	74	21.1		30	14.4	
MDR pseudomonas aer. sensibile a carbapenemi			48.6			46.7
MDR pseudomonas aer. resistente anche a carbapenemi	3	4.1		7	3.3	23.3
Escherichia coli (prod. ESBL)	80	22.8	26.2	34	16.3	32.4
Proteus (prod. ESBL)	4	1.1	25.0	4	1.9	0.0
Acinetobacter (resistente ai carbapenemi)	7	2.0	57.1	11	5.3	63.6
Stenotrophomonas			100.0			100.0
Haemophilus influenzae	7	2.0		2	1.0	
Legionella	0	0.0		0	0.0	
Citrobacter (prod. ESBL)	11	3.1	0.0	1	0.5	0.0
Neisseria meningitidis	0	0.0		0	0.0	
Funghi						
Candida	20	5.7		32	15.4	
Candida albicans (resistente agli azolici)	11	3.1	0.0	16	7.7	6.2
Candida non albicans (resistente agli azolici)	8	2.3	12.5	15	7.2	6.7
Aspergillus sp.	4	1.1		2	1.0	
Pneumocistis carinii	0	0.0		0	0.0	
Virus	1	0.3		3	1.4	
Altro						
Mycobatteri	0	0.0		1	0.5	
Mycobatteri (polmoniti atipiche)	1	0.3		0	0.0	
Altro	13	3.7		5	2.4	
Totale			25.9			40.4
Totale (escluso s. coagulans negativo meticillina resistente)	91		24.2	84		38.0

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Report nazionale (16 TI) - Anno 2017 [TI Polivalenti - Regione Veneto]

Pazienti infetti in degenza

Episodi con microrganismi isolati	Pazienti infetti solo in degenza		Pazienti infetti sia all'amm. che in deg.	
	N	%	N	%
No	41	10.5	29	12.2
Sì	351	89.5	208	87.8
Numero totale di microrganismi isolati	464		269	
Missing	0		0	

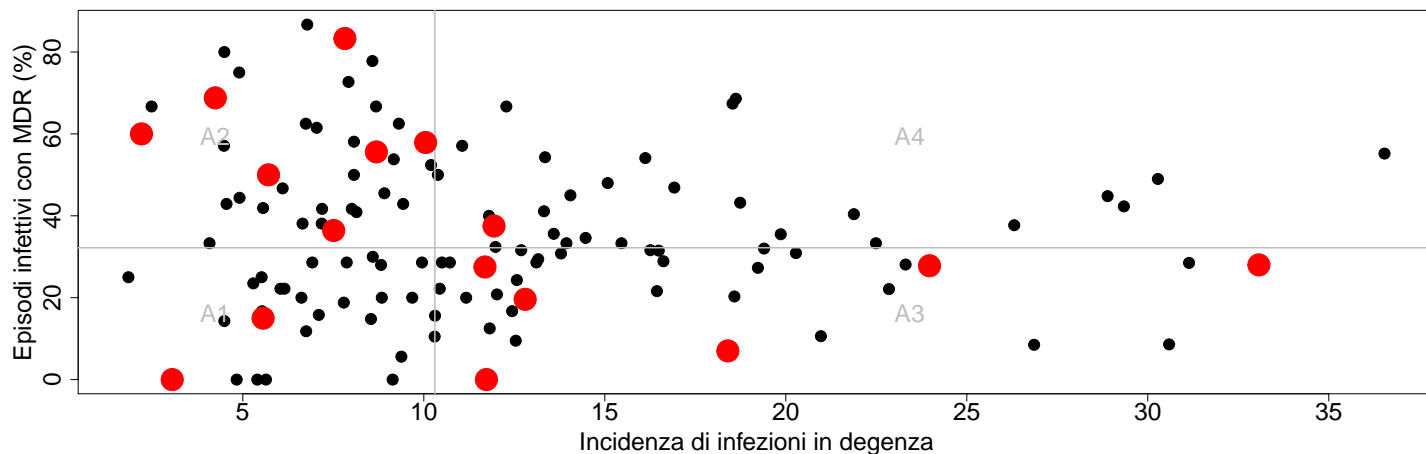
Microrganismi responsabili isolati (MDR) ***	N	% su gruppo	% su isolati, N=351	N	% su gruppo	% su isolati, N=208
Gram -						
<i>Klebsiella</i>	47		13.4	44		21.2
Klebsiella prod. ESBL	5	10.6*	1.4	20	45.5*	9.6
Klebsiella res. carb.	4	8.5*	1.1	13	29.5*	6.2
Klebsiella res. Colistina	0	0.0°	0.0	2	18.2°	1.0
Klebsiella res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	2	20.0°	1.0
Klebsiella res. Gentamicina	3	75.0°	0.9	2	18.2°	1.0
Klebsiella res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Enterobacter</i>	36		10.3	12		5.8
Enterobacter prod. ESBL	4	11.1*	1.1	1	8.3*	0.5
Enterobacter res. carb.	2	5.6*	0.6	0	0.0*	0.0
Enterobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Serratia</i>	10		2.8	3		1.4
Serratia prod. ESBL	2	20.0*	0.6	0	0.0*	0.0
Serratia res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Serratia res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Pseudomonas aer.</i>	74		21.1	30		14.4
Pseudomonas aer. res. carb.	3	4.1*	0.9	7	23.3*	3.4
Pseudomonas res. Colistina	0	0.0°	0.0	1	20.0°	0.5
<i>Escherichia Coli</i>	80		22.8	34		16.3
Escherichia Coli prod. ESBL	21	26.2*	6.0	11	32.4*	5.3
Escherichia Coli res. carb.	7	8.8*	2.0	4	11.8*	1.9
Escherichia Coli res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	1	25.0°	0.5
Escherichia Coli res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Proteus</i>	4		1.1	4		1.9
Proteus prod. ESBL	1	25.0*	0.3	0	0.0*	0.0
Proteus res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Proteus res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Citrobacter</i>	11		3.1	1		0.5
Citrobacter prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Citrobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Citrobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Acinetobacter</i>	7		2.0	11		5.3
Acinetobacter res. carb.	4	57.1*	1.1	7	63.6*	3.4
Acinetobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Acinetobacter res. Tigeciclina	1	50.0°	0.3	4	80.0°	1.9
Acinetobacter res. Col+Tig	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0

* % calcolata sul numero di microrganismi dello stesso tipo.

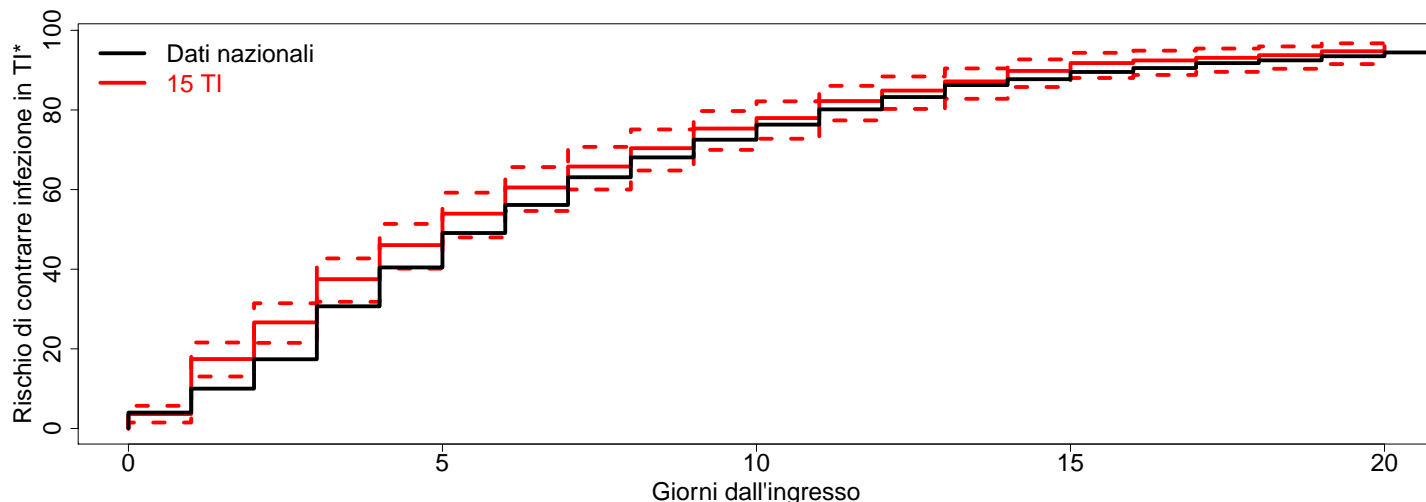
°% calcolata sul numero di microrganismi resistenti ai carbapenemi dello stesso tipo. La % è calcolata sui soli microrganismi di cui è stata testata la resistenza.

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Pazienti infetti in degenza



Il grafico sovrastante incrocia le variabili *Incidenza di infezioni in degenza* e *Percentuale di infezioni multiresistenti* (ad esclusione del germe *S. Coagulasi negativo meticillina resistente*). La nuvola nera di punti racchiude i dati delle TI nazionali. 2 linee grigie intersecano il grafico in corrispondenza dei valori mediani nazionali e delineano 4 aree. L'area **A1** identifica i centri che sembrano praticare un'efficace prevenzione delle infezioni e una buona gestione dell'antibiotico terapia. Per contro a cadere nell'area **A4** sono i centri che, osservando un'elevata incidenza di infezioni in degenza ed un'alta percentuale di multiresistenze, paiono non riuscire a controllare efficacemente i fenomeni. E' bene sottolineare che ad influire notevolmente su tali statistiche sono i case-mix delle TI. E' pertanto importante valutare con estrema cautela tale grafico e quella appena fornita è solo una delle tante possibili chiavi di lettura.



Il grafico sovrastante mostra la curva di rischio di contrarre una infezione in TI all'aumentare dei giorni trascorsi in reparto. Come è logico, il rischio aumenta all'aumentare della degenza del paziente. Per esempio, la probabilità di aver contratto un'infezione in TI è pari al 76% alla decima giornata di degenza. Tale probabilità sfiora il 94% se il paziente rimane ricoverato per almeno 20 giorni (dati nazionali). Entrambi i grafici sono 'troncati' alla ventesima giornata di degenza poichè le stime successive, basate sui pochi pazienti con degenza superiore a 20 giorni, sarebbero risultate instabili. Le linee tratteggiate delineano l'intervallo di confidenza al 95% delle stime.

* Pazienti non infetti all'ammissione (N=4857).

Report nazionale (16 TI) - Anno 2017 [TI Polivalenti - Regione Veneto]

Pazienti infetti in degenza

Pazienti con POLMONITE in degenza (N): 84

Trauma	N	%
No	65	77.4
Sì	19	22.6
Missing	0	

Stato chirurgico	N	%
Medico	53	63.1
Chirurgico d'elezione	6	7.1
Chirurgico d'urgenza	25	29.8
Missing	0	

Batteriemica	N	%
No	68	81.0
Sì	16	19.0
Missing	0	

Infezioni multisito	N	%
No	60	71.4
Sì	24	28.6
Missing	0	

Nuovi episodi oltre il primo	N	%
No	60	71.4
Sì	24	28.6
Missing	0	

Polmonite associata a ventilazione (VAP) °	N	%
No	13	15.5
Sì	71	84.5
Missing	0	

° VAP: polmonite associata a ventilazione invasiva (polmonite con esordio successivo al 2° giorno di ventilazione o sviluppata entro i due giorni dal termine della ventilazione).

Pazienti con VAP in degenza (N): 71

VAP precoce	N	%
No	33	46.5
Sì	38	53.5
Missing	0	

Diagnosi	N	%
Possibile	41	57.7
Probabile - certa	30	42.3
Missing	0	

Criteri diagnostici microbiologici	N	%
Probabile - certa: Sierologia/tecniche di biologia molecolare/antigeni urinari (legionella, ecc)	0	0.0
Probabile - certa: Campione distale non protetto (bal non broncoscopico) quantitativo	3	4.2
Possibile: Campione distale non protetto (bal non broncoscopico) qualitativo	2	2.8
Possibile: Campione distale protetto qualitativo (bal, psb)	5	7.0
Probabile - certa: Campione distale protetto quantitativo (bal, psb)	9	12.7
Probabile - certa: Aspirato tracheale quantitativo ≥ 10 alla 5a cfu/ml	12	16.9
Probabile - certa: Aspirato tracheale qualitativo + emocoltura e/o liquido pleurico concordati	7	9.9
Possibile: Aspirato tracheale qualitativo	25	35.2
Possibile: Agente eziologico NON ricercato o NON isolato	8	11.3
Missing	0	

Fattori di rischio (N=6165) NULL

Ventilazione invasiva	N	%
No	2141	34.8
Sì	4017	65.2
Iniziata il primo giorno	3803	61.7
Missing	7	

Durata (giorni)	N	%
Media (DS)	4.5 (8.2)	
Mediana (Q1-Q3)	1 (1-4)	
Missing	0	

Durata/degenza in TI (%)	N	%
Media (DS)	76.4 (30.0)	
Mediana (Q1-Q3)	100 (50-100)	
Missing	0	

Giorni di VM pre-VAP

	N	%
Media (DS)	10.4 (10.9)	
Mediana (Q1-Q3)	6 (3.5-12)	
Missing	0	

Incidenza di VAP (3)

(Paz. con VAP/1000 gg. di VM pre-VAP)

Stima	4.5
CI (95%)	3.5-5.6

Incidenza di VAP (4)

(Paz. con VAP/paz. ventilati per 8 gg.)

Stima	3.6%
CI (95%)	2.8-4.5

Pazienti infetti in degenza

Pazienti con VAP in degenza (continua)

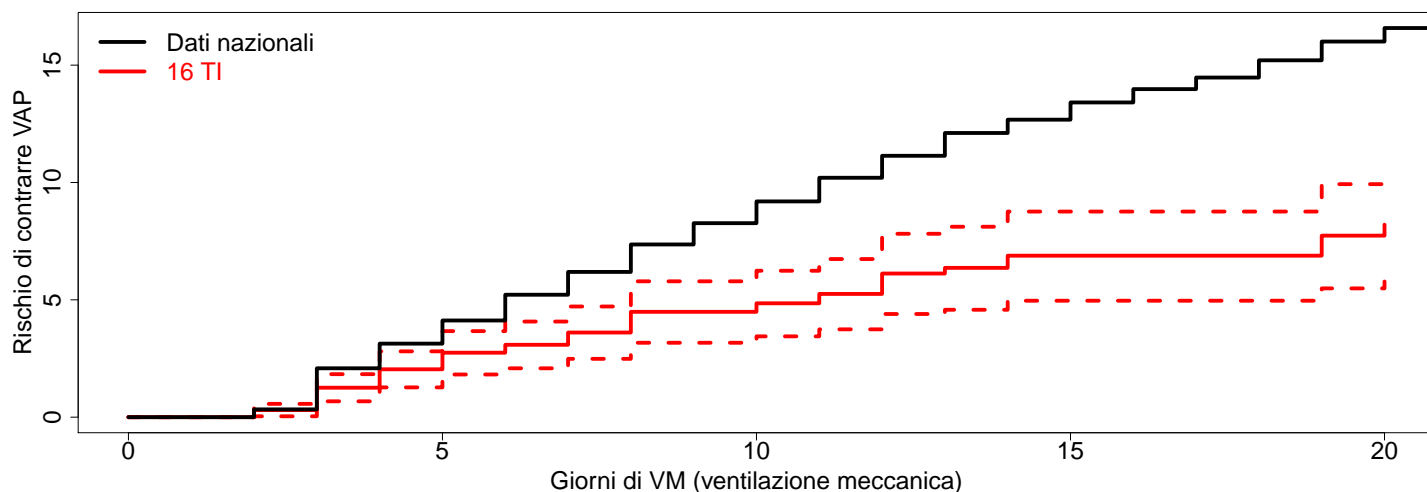
Di seguito le formule utilizzate per il calcolo dei due tassi di incidenza:

$$\text{Incidenza VAP in TI} = \frac{\text{Numero di pazienti con VAP in degenza}}{\text{Giornate di ventilazione meccanica pre - VAP}} \times 1000 \quad (3)$$

dove la variabile *Giornate di ventilazione meccanica pre-VAP* è pari alla somma delle giornate di ventilazione meccanica pre-VAP di tutti i pazienti ammessi in reparto. E' pari alla durata totale della ventilazione meccanica per i pazienti che non sviluppano VAP e alla differenza tra la data di insorgenza della VAP e la data di inizio della ventilazione meccanica per i pazienti infetti. Sono esclusi dal denominatore i giorni di ventilazione meccanica dei pazienti dimessi o deceduti entro 2 giorni dall'inizio della ventilazione.

$$\text{Incidenza VAP in TI} = \frac{\text{Numero di pazienti con VAP in degenza}}{(\text{Giornate di ventilazione meccanica pre - VAP})/8} \times 100 \quad (4)$$

Il secondo tasso è solo una rielaborazione del precedente, per permettere una lettura più semplice del dato. Risponde infatti alla domanda: 'Su 100 pazienti ventilati per 8 giorni in TI, quanti sviluppano VAP?'. Il cutoff di 8 giorni è stato stabilito per convenzione. I tassi sono corredati dagli intervalli di confidenza al 95%.



Mortalità in TI	N	%
Vivi	38	53.5
Deceduti	33	46.5
Missing	0	

Degenza in TI (giorni)	
Media (DS)	29.9 (22.1)
Mediana (Q1-Q3)	24 (16-40.5)
Missing	0

Mortalità ospedaliera *	N	%
Vivi	35	51.5
Deceduti	33	48.5
Missing	0	

Degenza ospedaliera (giorni) *	
Media (DS)	42.5 (29.8)
Mediana (Q1-Q3)	41 (18.8-59.2)
Missing	0

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=68).

Report nazionale (16 TI) - Anno 2017 [TI Polivalenti - Regione Veneto]
Pazienti infetti in degenza

VAP con microrganismi isolati	VAP		VAP probabili-certe		VAP (nuovi episodi)	
	N	%	N	%	N	%
No	8	11.3	0	0.0	3	15.0
Sì	63	88.7	30	100.0	17	85.0
Numero totale di microrganismi isolati	83		45		25	
Missing	0		0		0	

Microorganismi responsabili isolati (MDR) ***	MDR			MDR			MDR		
	N	% su isolati, N=63	% su gruppo	N	% su isolati, N=30	% su gruppo	N	% su isolati, N=17	% su gruppo
Batteri									
Gram +									
Staphylococcus	12	19.0	22.7	12	40.0	25.0	3	17.6	0.0
Staphylococcus Aureus (MRSA)	10	15.9	40.0	8	26.7	37.5	2	11.8	0.0
S. coagulasi negativo (meticillina resistente)	1	1.6	0.0	1	3.3	0.0	0	0.0	0.0
Streptococcus	5	7.9	0.0	3	10.0	0.0	0	0.0	0.0
Pneumococcus (resistente alla penicillina)	5	7.9	0.0	3	10.0	0.0	0	0.0	0.0
Enterococcus	6	9.5	33.3	1	3.3	0.0	1	5.9	0.0
E. faecalis (vancomicina resistente)	3	4.8	0.0	1	3.3	0.0	1	5.9	0.0
E. faecium (vancomicina resistente)	2	3.2	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Clostridium difficile	0	0.0	50.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Gram -	42	66.7	50.0	23	76.7	47.8	16	94.1	50.0
Klebsiella (prod. ESBL)	11	17.5	18.2	5	16.7	20.0	7	41.2	57.1
Enterobacter (prod. ESBL)	7	11.1	14.3	5	16.7	20.0	2	11.8	0.0
Serratia (prod. ESBL)	2	3.2	50.0	2	6.7	50.0	0	0.0	0.0
Pseudomonas aer.	8	12.7	50.0	3	10.0	33.3	6	35.3	33.3
MDR pseudomonas aer. sensibile a carbapenemi			12.5			33.3			33.3
MDR pseudomonas aer. resistente anche a carbapenemi			37.5			27.3			0.0
Escherichia coli (prod. ESBL)	16	25.4	37.5	11	36.7	27.3	3	17.6	0.0
Proteus (prod. ESBL)	2	3.2	50.0	0	0.0	0.0	1	5.9	0.0
Acinetobacter (resistente ai carbapenemi)	5	7.9	100.0	3	10.0	100.0	0	0.0	0.0
Stenotrophomonas	1	1.6	100.0	1	3.3	100.0	1	5.9	100.0
Haemophilus influenzae	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Legionella	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Citrobacter (prod. ESBL)	1	1.6	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Neisseria meningitidis	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Funghi									
Candida	3	4.8	0.0	2	6.7	0.0	1	5.9	0.0
Candida albicans (resistente agli azolici)	1	1.6	0.0	1	3.3	0.0	1	5.9	0.0
Candida non albicans (resistente agli azolici)	2	3.2	0.0	1	3.3	0.0	0	0.0	0.0
Aspergillus sp.	1	1.6	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Pneumocistis carinii	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Virus	1	1.6	39.7	0	0.0	43.3	0	0.0	47.1
Altro									
Mycobatteri	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Mycobatteri (polmoniti atipiche)	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Altro	1	1.6	39.7	0	0.0	43.3	0	0.0	47.1
Totale			39.7			43.3			47.1
Totale (escluso s. coagulasi negativo meticillina resistente)			39.7			43.3			47.1

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Pazienti infetti in degenza

VAP con microrganismi isolati	VAP		VAP probabili-certe		VAP (nuovi episodi)	
	N	%	N	%	N	%
No	8	11.3	0	0.0	3	15.0
Si	63	88.7	30	100.0	17	85.0
Numero totale di microrganismi isolati	83		45		25	
Missing	0		0		0	

Microrganismi responsabili isolati (MDR) ***	N	% su gruppo	% su isolati, N=63	N	% su gruppo	% su isolati, N=30	N	% su gruppo	% su isolati, N=17
Gram -									
<i>Klebsiella</i>	11		17.5	5		16.7	7		41.2
Klebsiella prod. ESBL	2	18.2*	3.2	1	20.0*	3.3	4	57.1*	23.5
Klebsiella res. carb.	2	18.2*	3.2	1	20.0*	3.3	2	28.6*	11.8
Klebsiella res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Klebsiella res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	1	50.0°	5.9
Klebsiella res. Gentamicina	1	50.0°	1.6	1	100.0°	3.3	0	0.0°	0.0
Klebsiella res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Enterobacter</i>	7		11.1	5		16.7	2		11.8
Enterobacter prod. ESBL	1	14.3*	1.6	1	20.0*	3.3	0	0.0*	0.0
Enterobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Enterobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Serratia</i>	2		3.2	2		6.7	0		0.0
Serratia prod. ESBL	1	50.0*	1.6	1	50.0*	3.3	0	0.0*	0.0
Serratia res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Serratia res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Pseudomonas aer.</i>	8		12.7	3		10.0	6		35.3
Pseudomonas aer. res. carb.	1	12.5*	1.6	1	33.3*	3.3	2	33.3*	11.8
Pseudomonas res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Escherichia Coli</i>	16		25.4	11		36.7	3		17.6
Escherichia Coli prod. ESBL	6	37.5*	9.5	3	27.3*	10.0	0	0.0*	0.0
Escherichia Coli res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Escherichia Coli res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Proteus</i>	2		3.2	0		0.0	1		5.9
Proteus prod. ESBL	1	50.0*	1.6	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Proteus res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Proteus res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Citrobacter</i>	1		1.6	0		0.0	0		0.0
Citrobacter prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Citrobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Citrobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Acinetobacter</i>	5		7.9	3		10.0	0		0.0
Acinetobacter res. carb.	5	100.0*	7.9	3	100.0*	10.0	0	0.0*	0.0
Acinetobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Acinetobacter res. Tigeciclina	1	50.0°	1.6	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Acinetobacter res. Col+Tig	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0

* % calcolata sul numero di microrganismi dello stesso tipo.

°% calcolata sul numero di microrganismi resistenti ai carbapenemi dello stesso tipo. La % è calcolata sui soli microrganismi di cui è stata testata la resistenza.

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Report nazionale (16 TI) - Anno 2017 [TI Polivalenti - Regione Veneto]

Pazienti infetti in degenza

Pazienti con BATTERIEMIA in degenza (N): 170

Trauma	N	%
No	130	76.5
Sì	40	23.5
Missing	0	

Stato chirurgico	N	%
Medico	106	62.4
Chirurgico d'elezione	9	5.3
Chirurgico d'urgenza	55	32.4
Missing	0	

Tipologia	N	%
Batteriemia primaria sconosciuta	46	27.1
Batteriemia da catetere (CR-BSI)	75	44.1
Batteriemia secondaria	75	44.1
Missing	0	

Nuovi episodi oltre il primo	N	%
No	71	65.7
Sì	37	34.3
Missing	0	

Pazienti con BATTERIEMIA (ORIGINE SCONOSCIUTA) in degenza (N): 46

Infezioni multisito	N	%
No	14	30.4
Sì	32	69.6
Missing	0	

Incidenza di batteriemia (origine sconosciuta)	N	%
Stima	1.0%	
CI (95%)	0.7–1.3	

(Paz. infetti in degenza/paz. ricoverati per 7 gg.)

Mortalità in TI	N	%
Vivi	35	76.1
Deceduti	11	23.9
Missing	0	

Mortalità ospedaliera *	N	%
Vivi	28	63.6
Deceduti	16	36.4
Missing	0	

Degenza in TI (giorni)	N	%
Media (DS)	27.2	(19.9)
Mediana (Q1–Q3)	24	(14–34)
Missing	0	

Degenza ospedaliera (giorni) *	N	%
Media (DS)	45.6	(38.0)
Mediana (Q1–Q3)	38	(25.8–55.5)
Missing	0	

Pazienti con BATTERIEMIA da CATETERE in degenza (CR-BSI) (N): 75

Infezioni multisito	N	%
No	21	28.0
Sì	54	72.0
Missing	0	

Infezione locale da catetere (N=6165)	N	%
No	6154	99.9
Sì	4	0.1
Missing	7	

Fattori di rischio (N=6165) NULL	N	%
CVC (Catetere Venoso Centrale)		
No	2579	41.9
Sì	3579	58.1
Iniziata il primo giorno	3372	54.7
Missing	7	

Giorni di CVC pre-batteriemia	N	%
Media (DS)	10.3	(8.2)
Mediana (Q1–Q3)	9	(5–15)
Missing	1	

Durata (giorni)	N	%
Media (DS)	7.7	(11.7)
Mediana (Q1–Q3)	4	(1–9)
Missing	2	

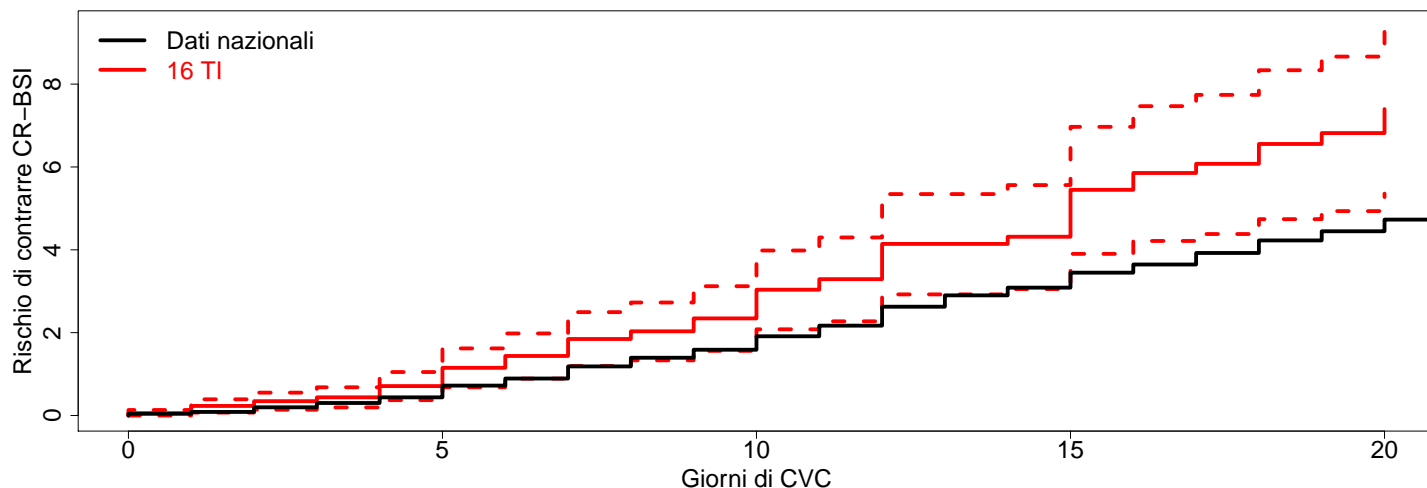
Incidenza di CR-BSI (Paz. con CR-BSI/1000 gg. di CVC pre-CR-BSI)	N	%
Stima	2.8	
CI (95%)	2.2–3.6	

Durata/degenza in TI (%)	N	%
Media (DS)	95.3	(12.9)
Mediana (Q1–Q3)	100	(100–100)
Missing	2	

Incidenza di CR-BSI (Paz. con CR-BSI/paz. con catetere per 12 gg.)	N	%
Stima	3.4%	
CI (95%)	2.7–4.3	

Pazienti infetti in degenza

Pazienti con BATTERIEMIA da CATETERE in degenza (continua)



Mortalità in TI	N	%
Vivi	62	82.7
Deceduti	13	17.3
Missing	0	

Degenza in TI (giorni)	
Media (DS)	26.0 (16.6)
Mediana (Q1–Q3)	22 (13.5–37.5)
Missing	0

Mortalità ospedaliera *	N	%
Vivi	49	71.0
Deceduti	20	29.0
Missing	0	

Degenza ospedaliera (giorni) *	
Media (DS)	41.5 (26.0)
Mediana (Q1–Q3)	35 (21–56)
Missing	0

Pazienti con BATTERIEMIA SECONDARIA in degenza (N): 75

Infezioni associate (top 10)	N	%
Inf. basse vie respiratorie NON polmonite	21	28.0
Polmonite	16	21.3
Infezione vie urinarie NON post-chir.	13	17.3
Infezione delle alte vie respiratorie	4	5.3
Infezione vie urinarie post-chir.	4	5.3
Peritonite secondaria NON chir.	3	4.0
Infezione cute/tessuti molli NON chir.	3	4.0
Pleurite/empiema pleurico	3	4.0
Endocardite NON post-chirurgica	2	2.7
Infezione cute/tessuti molli post-chir.	2	2.7
Missing	4	

Mortalità ospedaliera *	N	%
Vivi	47	65.3
Deceduti	25	34.7
Missing	1	

Degenza in TI (giorni)	
Media (DS)	29.6 (20.4)
Mediana (Q1–Q3)	25 (15.5–40)
Missing	0

Mortalità in TI	N	%
Vivi	52	69.3
Deceduti	23	30.7
Missing	0	

Degenza ospedaliera (giorni) *	
Media (DS)	42.2 (26.9)
Mediana (Q1–Q3)	37.5 (22–53.5)
Missing	1

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto.

Report nazionale (16 TI) - Anno 2017 [TI Polivalenti - Regione Veneto]
Pazienti infetti in degenza

	Batteriemia primaria sconosciuta		Batteriemia da catetere (CR-BSI)		Batteriemia (nuovi episodi)	
	N	%	N	%	N	%
Batteriemie con microrganismi isolati	0	0.0	0	0.0	0	0.0
No	46	100.0	75	100.0	42	100.0
Sì	51		90		47	
Numero totale di microrganismi isolati	0		0		0	
Missing						

Microorganismi responsabili isolati (MDR) ***	MDR			MDR			MDR		
	N	% su isolati, N=46	% su gruppo	N	% su isolati, N=75	% su gruppo	N	% su isolati, N=42	% su gruppo
Batteri									
Gram +									
Staphylococcus	20	43.5	25.0	48	64.0	16.7	28	66.7	3.6
Staphylococcus Aureus (MRSA)	18	39.1		40	53.3		24	57.1	
S. coagulasi negativo (meticillina resistente)	3	6.5	66.7	6	8.0	50.0	2	4.8	50.0
Streptococcus	4	8.7	75.0	10	13.3	50.0	2	4.8	0.0
Pneumococcus (resistente alla penicillina)	1	2.2		2	2.7		0	0.0	
Enterococcus	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
E. faecalis (vancomicina resistente)	3	6.5		7	9.3		4	9.5	
E. faecium (vancomicina resistente)	2	4.3	0.0	3	4.0	0.0	3	7.1	0.0
Clostridium difficile	1	2.2	0.0	2	2.7	0.0	1	2.4	0.0
Gram -	0	0.0		0	0.0		0	0.0	
Klebsiella (prod. ESBL)	20	43.5	50.0	32	42.7	43.8	14	33.3	42.9
Enterobacter (prod. ESBL)	8	17.4	50.0	9	12.0	22.2	2	4.8	50.0
Serratia (prod. ESBL)	2	4.3	0.0	8	10.7	12.5	5	11.9	20.0
Pseudomonas aer.	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
MDR pseudomonas aer. sensibile a carbapenemi	4	8.7	25.0	12	16.0	66.7	4	9.5	50.0
MDR pseudomonas aer. resistente anche a carbapenemi	0	0.0	0.0	0	0.0	8.3	1	2.4	25.0
Escherichia coli (prod. ESBL)	3	6.5	66.7	6	8.0	33.3	3	7.1	0.0
Proteus (prod. ESBL)	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Acinetobacter (resistente ai carbapenemi)	0	0.0	0.0	2	2.7	50.0	1	2.4	100.0
Stenotrophomonas	0	0.0	100.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Haemophilus influenzae	0	0.0		0	0.0		0	0.0	
Legionella	0	0.0		0	0.0		0	0.0	
Citrobacter (prod. ESBL)	1	2.2	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Neisseria meningitidis	0	0.0		0	0.0		0	0.0	
Funghi									
Candida	5	10.9		2	2.7		1	2.4	
Candida albicans (resistente agli azolici)	2	4.3	50.0	1	1.3	0.0	0	0.0	0.0
Candida non albicans (resistente agli azolici)	2	4.3	0.0	1	1.3	0.0	1	2.4	0.0
Aspergillus sp.	0	0.0		0	0.0		1	2.4	
Pneumocistis carinii	0	0.0		0	0.0		0	0.0	
Virus	0	0.0		0	0.0		0	0.0	
Altro									
Mycobatteri	0	0.0		0	0.0		0	0.0	
Mycobatteri (polmoniti atipiche)	1	2.2		0	0.0		0	0.0	
Altro	2	4.3		2	2.7		1	2.4	
Totale	15		32.6				21		16.7
Totale (escluso s. coagulasi negativo meticillina resistente)	12		26.1				17		16.7

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Pazienti infetti in degenza

Batteriemia con microrganismi isolati	Batteriemia primaria sconosciuta		Batteriemia da catetere (CR-BSI)		Batteriemia (nuovi episodi)	
	N	%	N	%	N	%
No	0	0.0	0	0.0	0	0.0
Si	46	100.0	75	100.0	42	100.0
Numero totale di microrganismi isolati	51		90		47	
Missing	0		0		0	

Microrganismi responsabili isolati (MDR)	N	% su gruppo	% su isolati, N=46	N	% su gruppo	% su isolati, N=75	N	% su gruppo	% su isolati, N=42
Gram -									
<i>Klebsiella</i>	8		17.4	9		12.0	2		4.8
Klebsiella prod. ESBL	4	50.0*	8.7	2	22.2*	2.7	1	50.0*	2.4
Klebsiella res. carb.	3	37.5*	6.5	2	22.2*	2.7	1	50.0*	2.4
Klebsiella res. Colistina	2	66.7°	4.3	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Klebsiella res. Tigeciclina	1	33.3°	2.2	1	100.0°	1.3	0	0.0°	0.0
Klebsiella res. Gentamicina	1	33.3°	2.2	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Klebsiella res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Enterobacter</i>	2		4.3	8		10.7	5		11.9
Enterobacter prod. ESBL	0	0.0*	0.0	1	12.5*	1.3	1	20.0*	2.4
Enterobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	1	20.0*	2.4
Enterobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Serratia</i>	0		0.0	0		0.0	0		0.0
Serratia prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Serratia res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Serratia res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Pseudomonas aer.</i>	4		8.7	12		16.0	4		9.5
Pseudomonas aer. res. carb.	0	0.0*	0.0	1	8.3*	1.3	1	25.0*	2.4
Pseudomonas res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Escherichia Coli</i>	3		6.5	6		8.0	3		7.1
Escherichia Coli prod. ESBL	2	66.7*	4.3	2	33.3*	2.7	0	0.0*	0.0
Escherichia Coli res. carb.	2	66.7*	4.3	1	16.7*	1.3	0	0.0*	0.0
Escherichia Coli res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Proteus</i>	0		0.0	0		0.0	0		0.0
Proteus prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Proteus res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Proteus res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Citrobacter</i>	1		2.2	0		0.0	0		0.0
Citrobacter prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Citrobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Citrobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Acinetobacter</i>	0		0.0	2		2.7	1		2.4
Acinetobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	1	50.0*	1.3	1	100.0*	2.4
Acinetobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Acinetobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	1	100.0°	1.3	0	0.0°	0.0
Acinetobacter res. Col+Tig	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0

* % calcolata sul numero di microrganismi dello stesso tipo.

° % calcolata sul numero di microrganismi resistenti ai carbapenemi dello stesso tipo. La % è calcolata sui soli microrganismi di cui è stata testata la resistenza.

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Appendice

Di seguito viene data la chiave di lettura delle tabelle dei microrganismi del Report. A titolo esplicativo, viene fatto riferimento agli episodi di **polmonite all'ammissione**. Il discorso può essere però generalizzato agli altri episodi presi in considerazione nel Report, in particolare:

- polmoniti acquisite in ospedale o in altra TI (pagina 8 e 9);
- episodi infettivi in degenza dei pazienti infetti solo in degenza (pagina 12 e 13);
- episodi infettivi in degenza dei pazienti infetti sia all'ammissione che in degenza (pagina 12 e 13);
- VAP (pagina 17 e 18);
- VAP probabili-certe (pagina 17 e 18);
- VAP altri episodi (pagina 17 e 18);
- batteriemie primarie sconosciute (pagina 21 e 22);
- batteriemie da catetere (pagina 21 e 22);
- batteriemie nuovi episodi (pagina 21 e 22).

Tabella generale dei microrganismi (pagina 8, 12, 17 e 21)

Pazienti infetti all'ammissione		Polmoniti (TOTALI)	
Polmoniti con microrganismi isolati		N	%
No		1909	49.1
Si		1982	50.9
Numero totale di microrganismi isolati		2551	
	Missing	26	

Microrganismi responsabili isolati (MDR)	N	% su isolati, N=1982	MDR	
			N	% su gruppo
Batteri				
Gram -	1103	55.7	484	43.9
Klebsiella (prod. ESBL)	240	12.1	118	49.2
Enterobacter (prod. ESBL)	65	3.3	11	16.9
Serratia (prod. ESBL)	41	2.1	8	19.5
Pseudomonas aer.	305	15.4		
MDR pseudomonas aer. sensibile a carbapenemi			101	33.1
MDR pseudomonas aer. resistente anche a carbapenemi			79	25.9
Escherichia coli (prod. ESBL)	200	10.1	54	27.0
Proteus (prod. ESBL)	34	1.7	10	29.4
Acinetobacter (resistente ai carbapenemi)	143	7.2	110	76.9
Stenotrophomonas			36	100.0
Haemophilus influenzae	75	3.8		
Legionella	117	5.9		
Citrobacter (prod. ESBL)	14	0.7	3	21.4
Neisseria meningitidis	3	0.2		

- Tabella *Polmoniti con microrganismi isolati*

In questa tabella sono riportati il numero assoluto e relativo degli episodi di polmonite in cui sono stati isolati microrganismi. Nell'esempio, si sono osservati 1909 episodi di polmonite senza microrganismi isolati e 1982 episodi di polmonite con microrganismi isolati. In questi 1982 episodi, sono stati isolati in tutto 2551 microrganismi.

- Tabella *Microrganismi responsabili isolati (MDR)*

- prime due colonne (colonne 'N' e '% su isolati, N=1982'):

La prima colonna (**N**) rappresenta il numero assoluto di microrganismi osservati negli episodi selezionati. Nella figura, ad esempio, **240** sono le Klebsielle registrate nelle polmoniti all'ammissione; **200** i batteri Escherichia coli registrati negli stessi episodi. In totale sono riportati **1103** episodi con un batterio Gram negativo.

La seconda colonna (**% su isolati, N=1982**) rappresenta la percentuale ricoperta da N sul totale degli episodi (in questo caso le polmoniti) con microrganismi isolati. Il numero **1982** è quello presente nella tabella sovrastante *Polmoniti con microrganismi isolati* in corrispondenza della riga 'Sì'. Quindi, ad esempio, tra i 1982 episodi dove sono stati isolati microrganismi, nel **2.1%** dei casi (41 su 1982) è stata isolata una Serratia, mentre nel **15.4%** dei casi (305 su 1982) sono stati isolati Pseudomonas aer.

Sono lasciate vuote le caselle corrispondenti ai microrganismi multiresistenti (nell'esempio, MDR Pseudomonas aer. e Stenotrophomonas), le cui informazioni sono riportate nella terza e quarta colonna.

• **terza e quarta colonna (MDR, colonne 'N' e '% su gruppo'):**

Questa metà della tabella riguarda i microrganismi multiresistenti (come si evince dal sottotitolo *MDR*). In particolare, la tipologia di multiresistente considerata per il microrganismo è quella scritta tra parentesi tonde nell'elenco dei microrganismi. Ad esempio, si sono registrati **118** microrganismi Klebsiella produttrice di ESBL, che rappresentano il **49.2%** delle Klebsielle totali isolate nelle polmoniti (che si vedono nella prima colonna della prima metà della tabella: 240). I microrganismi Acinetobacter resistenti ai carbapenemi registrati sono stati **110** su un totale di 143 (ovvero, **76.9%** degli Acinetobacter totali).

Questa seconda metà della tabella è vuota per quei microrganismi accanto al cui nome non c'è il dettaglio della forma multiresistente (nell'esempio, Pseudomonas aer. non MDR, Haemophilus influenzae, Legionella e Neisseria meningitidis).

Tabella dettaglio Gram Negativi (pagina 9, 13, 18 e 22)

Microrganismi responsabili isolati (MDR)	N	% su gruppo	% su isolati, N=1982
Gram -			
<i>Klebsiella</i>	240		12.1
Klebsiella prod. ESBL	118	49.2*	6.0
Klebsiella res. carb.	93	38.8*	4.7
Klebsiella res. Colistina	20	21.7°	1.0
Klebsiella res. Tigeciclina	31	48.4°	1.6
Klebsiella res. Gentamicina	39	45.3°	2.0
Klebsiella res. Col+Tig+Gent	4	4.6°	0.2
<i>Enterobacter</i>	65		3.3
Enterobacter prod. ESBL	11	16.9*	0.6
Enterobacter res. carb.	3	4.7*	0.2
Enterobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Tigeciclina	1	33.3°	0.1
Enterobacter res. Gentamicina	3	100.0°	0.2
Enterobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0

- Tabella Microrganismi responsabili isolati (MDR)

Questa tabella presenta un dettaglio ulteriore rispetto alla tabella descritta precedentemente. Oltre al numero di microrganismi osservati negli episodi selezionati (nell'esempio si sono registrate 240 Klebsielle e 65 Enterobacter), vengono forniti ulteriori dettagli sulle resistenze ad antibiotici specifici. Nell'esempio, delle **240** Klebsielle, **118** sono produttrici di ESBL, che in percentuale corrispondono al **49.2%** (colonna '% su gruppo') delle Klebsielle registrate. Tra le Klebsielle produttrici di ESBL ce ne sono **93** resistenti ai carbapenemi, che corrispondono al **38.8%** (93/240) delle Klebsielle registrate.

Tra le 93 Klebsielle resistenti ai carbapenemi, **20** sono resistenti alla Colistina. La percentuale **21.7%** non è data da 20/93, perchè di alcune Klebsielle può risultare 'non testata' la resistenza all'antibiotico. Il 21.7% sono le Klebsielle resistenti alla Colistina tra quelle per cui la resistenza a tale antibiotico è stata testata. Analogamente, per gli altri antibiotici (Tigeciclina e Gentamicina).

La terza colonna (% **su isolati, N=1982**) rappresenta la percentuale ricoperta dal numero di microrganismi sul totale degli episodi con microrganismi isolati (che sono appunto 1982, come si evince dalla tabella *Polmoniti con microrganismi isolati* alla riga 'Sì'). Quindi, ad esempio, tra i 1982 episodi dove sono stati isolati microrganismi, nel **6%** (118/1982) dei casi è stata isolata una Klebsiella produttrice di ESBL; nell'**1.6%** (31/1982) dei casi è stata isolata una Klebsiella resistente alla Tigeciclina.