

GiViTI

Gruppo Italiano per la Valutazione degli Interventi In Terapia Intensiva

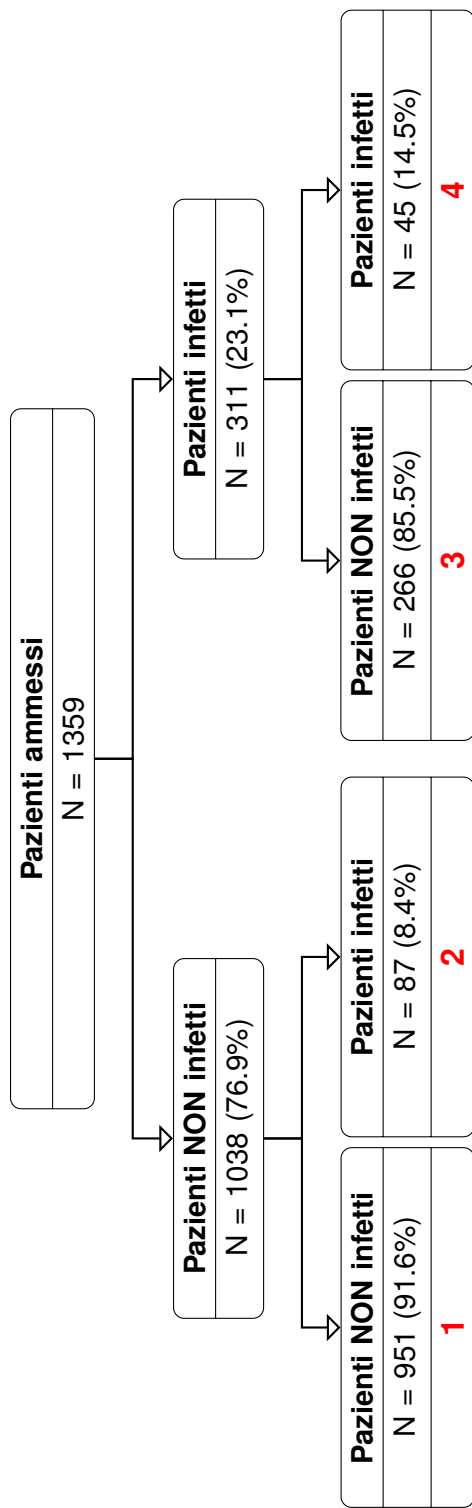
Rapporto
Progetto PROSAFE - Petalo INFEZIONI

Anno 2018

Popolazione complessiva (5 TI)

TI Polivalenti - Regione Liguria

Report nazionale (5 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Liguria]
Flow-chart



AMMISSIONE:

DEGENZA:

	1	3	4	2	3+4	2+4
	Pazienti NON infetti N=951 (70.0%)	Pazienti infetti all'ammissione N=266 (19.6%)	Pazienti infetti all'ammissione e in degenza N=45 (3.3%)	Pazienti infetti SOLO in degenza N=87 (6.4%)	Pazienti infetti all'ammissione N=311 (22.9%)	Pazienti infetti in degenza N=132 (9.7%)
Degenza in TI (giorni) Mediana; Q1-Q3	2; 1-6	7; 3-15	21; 14-34	22; 14-36	8; 3-18	22; 14-36
Degenza ospedaliera (giorni) Mediana; Q1-Q3	14; 7-24	21; 12-34	36; 20-53	38; 22-56	22; 13-40	38; 21-56
Mortalità in TI N; % {CI 95%}	191; 20.1% {17.6-22.8}	70; 26.3% {21.1-32.0}	24; 53.3% {37.9-68.3}	29; 33.3% {23.6-44.3}	94; 30.2% {25.2-35.7}	53; 40.2% {31.7-49.0}
Mortalità ospedaliera N; % {CI 95%}	270; 29.0% {26.1-32.0}	104; 40.8% {34.7-47.1}	26; 59.1% {43.2-73.7}	33; 38.8% {28.4-50.0}	130; 43.5% {37.8-49.3}	59; 45.7% {36.9-54.7}
Gravità massima dell'infezione N; % († Mortalità in TI; ‡ Mortalità ospedaliera)						
INFEZIONE SENZA SEPSI		62; 25.7% († 17.7; ‡ 28.8)	11; 25.6% († 36.4; ‡ 50.0)	35; 41.7% († 20.0; ‡ 31.4)	73; 25.7% († 20.5; ‡ 31.9)	46; 36.2% († 23.9; ‡ 35.6)
SEPSI		125; 51.9% († 24.0; ‡ 41.2)	22; 51.2% († 54.5; ‡ 59.1)	48; 57.1% († 43.8; ‡ 45.7)	147; 51.8% († 28.6; ‡ 44.0)	70; 55.1% († 47.1; ‡ 50.0)
SHOCK SETTICO		54; 22.4% († 38.9; ‡ 50.0)	10; 23.3% († 60.0; ‡ 60.0)	1; 1.2% († 100.0; ‡ 100.0)	64; 22.5% († 42.2; ‡ 51.6)	11; 8.7% († 63.6; ‡ 63.6)

Sono considerate come aderenti le sole TI con almeno 4 mesi di compilazione valida.

Pazienti ammessi

Pazienti ammessi (N): 1359

Sesso	N	%
Maschio	767	56.4
Femmina	592	43.6
Missing	0	

Eta (anni)	N	%
<17	7	0.5
17-45	156	11.5
46-65	336	24.7
66-75	374	27.5
>75	486	35.8
Missing	0	

Degenza pre TI (giorni)	N	%
Media	5.1	
DS	12.6	
Mediana	1	
Q1-Q3	0-4	
Missing	7	

Provenienza (Reparto)	N	%
Reparto medico	175	13.1
Reparto chirurgico	488	36.5
Pronto soccorso	571	42.7
Altra TI	66	4.9
Terapia subintensiva	37	2.8
Neonatologia	0	0.0
Missing	22	

Trauma	N	%
No	1186	87.8
Sì	165	12.2
Missing	8	

Stato chirurgico	N	%
Medico	767	56.8
Chirurgico d'elezione	282	20.9
Chirurgico d'urgenza	302	22.4
Missing	8	

Motivo di ammissione	N	%
Monitoraggio/Svezzamento	515	38.1
Ricovero per presidi o trattamenti	0	0.0
Trattamento intensivo	826	61.1
Sedazione Palliativa	6	0.4
Accertamento morte/Prelievo d'organo	4	0.3
Missing	8	

Insufficienza neurologica	N	%
Nessuna	690	81.5
Coma cerebrale	69	8.1
Coma metabolico	31	3.7
Coma postanossico	51	6.0
Coma tossico	6	0.7
Missing o non valutabile	512	

GCS (prime 24 ore)	N	%
Media	12.5	
DS	4.0	
Mediana	15	
Q1-Q3	12-15	
Non valutabile	381	
Missing	10	

Insufficienza neurologica insorta	N	%
Nessuna	1343	99.6
Coma cerebrale	1	0.1
Coma metabolico	3	0.2
Coma postanossico	2	0.1
Missing	10	

Mortalità in TI	N	%
Vivi	1034	76.7
Deceduti	314	23.3
Missing	11	

Mortalità ospedaliera *	N	%
Vivi	883	67.1
Deceduti	433	32.9
Missing	19	

Degenza in TI (giorni)	N	%
Media	8.5	
DS	13.1	
Mediana	4	
Q1-Q3	1-10	
Missing	11	

Degenza ospedaliera (giorni) *	N	%
Media	23.5	
DS	24.3	
Mediana	17	
Q1-Q3	8-30	
Missing	19	

Pazienti infetti (N=398)

Gravità massima dell'infezione	N	%
INFEZIONE SENZA SEPSI	108	29.3
SEPSI	195	53.0
SHOCK SETTICO	65	17.7
Missing	30	

Mortalità per gravità dell'inf. (%)	In TI	In H
INFEZIONE SENZA SEPSI	20.4	31.7
SEPSI	32.3	44.4
SHOCK SETTICO	43.1	52.4

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=1335).

Report nazionale (5 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Liguria]

Pazienti NON infetti

Pazienti NON infetti (N): 951

Sesso	N	%
Maschio	539	56.7
Femmina	412	43.3
Missing	0	

Eta (anni)	N	%
<17	7	0.7
17-45	117	12.3
46-65	230	24.2
66-75	265	27.9
>75	332	34.9
Missing	0	

Degenza pre TI (giorni)	N	%
Media	4.5	
DS	12.4	
Mediana	1	
Q1-Q3	0-3	
Missing	0	

Provenienza (Reparto)	N	%
Reparto medico	112	11.9
Reparto chirurgico	371	39.4
Pronto soccorso	410	43.6
Altra TI	32	3.4
Terapia subintensiva	16	1.7
Neonatologia	0	0.0
Missing	10	

Trauma	N	%
No	814	85.6
Sì	137	14.4
Missing	0	

Stato chirurgico	N	%
Medico	497	52.3
Chirurgico d'elezione	254	26.7
Chirurgico d'urgenza	200	21.0
Missing	0	

Motivo di ammissione	N	%
Monitoraggio/Svezzamento	435	45.7
Ricovero per presidi o trattamenti	0	0.0
Trattamento intensivo	506	53.2
Sedazione Palliativa	6	0.6
Accertamento morte/Prelievo d'organo	4	0.4
Missing	0	

Insufficienza neurologica	N	%
Nessuna	475	82.6
Coma cerebrale	45	7.8
Coma metabolico	14	2.4
Coma postanossico	36	6.3
Coma tossico	5	0.9
Missing o non valutabile	376	

GCS (prime 24 ore)	N	%
Media	12.7	
DS	4.0	
Mediana	15	
Q1-Q3	12-15	
Non valutabile	259	
Missing	0	

Insufficienza neurologica insorta	N	%
Nessuna	948	99.7
Coma cerebrale	1	0.1
Coma metabolico	1	0.1
Coma postanossico	1	0.1
Missing	0	

Mortalità in TI	N	%
Vivi	759	79.9
Deceduti	191	20.1
Missing	1	

Mortalità ospedaliera *	N	%
Vivi	662	71.0
Deceduti	270	29.0
Missing	4	

Degenza in TI (giorni)	N	%
Media	5.1	
DS	7.3	
Mediana	2	
Q1-Q3	1-6	
Missing	1	

Degenza ospedaliera (giorni) *	N	%
Media	19.8	
DS	21.8	
Mediana	14	
Q1-Q3	7-24	
Missing	4	

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=936).

Pazienti infetti all'ammissione

Pazienti infetti all'ammissione (N): 311

Provenienza (Reparto)	N	%
Reparto medico	50	16.2
Reparto chirurgico	97	31.5
Pronto soccorso	116	37.7
Altra TI	28	9.1
Terapia subintensiva	17	5.5
Neonatologia	0	0.0
Missing	3	

Trauma	N	%
No	303	97.4
Sì	8	2.6
Missing	0	

Stato chirurgico	N	%
Medico	212	68.2
Chirurgico d'elezione	20	6.4
Chirurgico d'urgenza	79	25.4
Missing	0	

Motivo di ammissione	N	%
Monitoraggio/Svezzamento	63	20.3
Ricovero per presidi o trattamenti	0	0.0
Trattamento intensivo	248	79.7
Sedazione Palliativa	0	0.0
Accertamento morte/Prelievo d'organo	0	0.0
Missing	0	

Infezioni all'ammissione (top 10)	N	%
Polmonite	104	33.4
Batteriemia primaria sconosciuta	31	10.0
Infezione vie urinarie NON post-chir.	23	7.4
Sepsi clinica	20	6.4
Inf. basse vie respiratorie NON polmonite	20	6.4
Peritonite secondaria NON chir.	19	6.1
Peritonite post-chirurgica	18	5.8
Infezione cute/tessuti molli NON chir.	14	4.5
Peritonite primaria	13	4.2
Infezione del S.N.C. NON post-chirurgica	11	3.5
Missing	0	

Infezioni multisito	N	%
No	290	93.2
Sì	21	6.8
Missing	0	

Gravità dell'infezione all'amm.	N	%
INFEZIONE SENZA SEPSI	86	30.5
SEPSI	141	50.0
SHOCK SETTICO	55	19.5
Missing	29	

Pazienti con PERITONITE all'ammissione (N): 52

Tipologia	N	%
Peritonite primaria	13	25.0
Peritonite secondaria NON chir.	19	36.5
Peritonite terziaria	2	3.8
Peritonite post-chirurgica	18	34.6
Missing	0	

Tipo di infezione	N	%
Extraospedaliera	21	41.2
Ospedaliera (non in TI)	29	56.9
Acquisita in altra Terapia Intensiva	1	2.0
Missing	1	

Batteriemica	N	%
No	41	80.4
Sì	10	19.6
Missing	1	

Infezioni multisito	N	%
No	45	86.5
Sì	7	13.5
Missing	0	

Gravità dell'infezione all'amm. °	N	%
INFEZIONE SENZA SEPSI	6	13.3
SEPSI	18	40.0
SHOCK SETTICO	21	46.7
Missing	0	

Mortalità in TI	N	%
Vivi	32	61.5
Deceduti	20	38.5
Missing	0	

Mortalità ospedaliera *	N	%
Vivi	23	46.9
Deceduti	26	53.1
Missing	0	

Degenza in TI (giorni)	Media (DS)	Mediana (Q1-Q3)	Missing
	12.4 (12.8)	7 (3-18.5)	0

Degenza ospedaliera (giorni) *	Media (DS)	Mediana (Q1-Q3)	Missing
	29.8 (26.5)	22 (10-42)	0

° Statistiche calcolate escludendo i pazienti con infezioni multiple (N=45).

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=49).

Report nazionale (5 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Liguria]

Pazienti infetti all'ammissione

Pazienti con POLMONITE all'ammissione (N): 104

Trauma	N	%
No	100	96.2
Sì	4	3.8
Missing	0	

Stato chirurgico	N	%
Medico	92	88.5
Chirurgico d'elezione	3	2.9
Chirurgico d'urgenza	9	8.7
Missing	0	

Tipo di infezione	N	%
Extraospedaliera	71	68.3
Ospedaliera (non in TI)	27	26.0
Acquisita in altra Terapia Intensiva	6	5.8
Missing	0	

Batteriemica	N	%
No	79	76.0
Sì	25	24.0
Missing	0	

Infezioni multisito	N	%
No	91	87.5
Sì	13	12.5
Missing	0	

Gravità dell'infezione all'amm. °	N	%
INFEZIONE SENZA SEPSI	31	34.1
SEPSI	50	54.9
SHOCK SETTICO	10	11.0
Missing	0	

Mortalità in TI	N	%
Vivi	73	70.2
Deceduti	31	29.8
Missing	0	

Mortalità ospedaliera *	N	%
Vivi	56	56.6
Deceduti	43	43.4
Missing	3	

Degenza in TI (giorni)		
Media (DS)	15.3	(16.2)
Mediana (Q1-Q3)	10.5	(3.8-18.2)
Missing	0	

Degenza ospedaliera (giorni) *		
Media (DS)	29.7	(26.3)
Mediana (Q1-Q3)	22	(12-43)
Missing	3	

° Statistiche calcolate escludendo i pazienti con infezioni multiple (N=91).

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=102).

Report nazionale (5 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Liguria]

Pazienti infetti all'ammissione

Infezioni con microrganismi isolati	Tutte le infezioni			Polmoniti (TOTALI)			Polmoniti (H/altra TI)		
	N	% su isolati, N=181	%	N	% su isolati, N=52	%	N	% su isolati, N=17	%
No	99		35.4	52		50.0	16		48.5
Sì	181		64.6	52		50.0	17		51.5
Numero totale di microrganismi isolati	220			66			20		
Missing	31			0			0		

Microorganismi responsabili isolati (MDR) ***	MDR			MDR			MDR		
	N	% su isolati, N=181	%	N	% su isolati, N=52	%	N	% su isolati, N=17	%
Batteri									
Gram +									
Staphylococcus	73	40.3	31.5	20	38.5	4	4	23.5	0
Staphylococcus Aureus (MRSA)	48	26.5		13	25.0		2	11.8	
S. coagulasi negativo (meticillina resistente)	20	11.0	40.0	7	13.5	3	0	0.0	0
Streptococcus	20	11.0	60.0	3	5.8	1	0	0.0	0
Pneumococcus (resistente alla penicillina)	9	5.0		6	11.5		1	5.9	
Enterococcus	8	4.4	0.0	5	9.6	0	1	5.9	0
E. faecalis (vancomicina resistente)	16	8.8		2	3.8		1	5.9	
E. faecium (vancomicina resistente)	7	3.9	14.3	2	3.8	0	1	5.9	0
Clostridium difficile	9	5.0	22.2	0	0.0	0	0	0.0	0
Gram -	1	0.6		1	1.9		0	0.0	
Klebsiella (prod. ESBL)	81	44.8	22.2	23	44.2	3	10	58.8	2
Enterobacter (prod. ESBL)	12	6.6	33.3	3	5.8	0	1	5.9	0
Serratia (prod. ESBL)	7	3.9	0.0	3	5.8	0	2	11.8	0
Pseudomonas aer.	3	1.7	0.0	2	3.8	0	0	0.0	0
MDR pseudomonas aer. sensibile a carbapenemi	14	7.7		5	9.6		3	17.6	
MDR pseudomonas aer. resistente anche a carbapenemi			21.4						1
Escherichia coli (prod. ESBL)	34	18.8	7.1						0
Proteus (prod. ESBL)	8	4.4	20.6	5	9.6	0	2	11.8	0
Acinetobacter (resistente ai carbapenemi)	0	0.0	25.0	0	0.0	0	0	0.0	0
Stenotrophomonas	2	1.1	0.0	0	0.0	0	0	0.0	0
Haemophilus influenzae	2	1.1	100.0	2	3.8	1	0	0.0	1
Legionella	5	2.8		5	9.6		2	11.8	
Citrobacter (prod. ESBL)	2	1.1	0.0	0	0.0	0	0	0.0	0
Neisseria meningitidis	5	2.8		0	0.0		0	0.0	
Funghi									
Candida	24	13.3		2	3.8		2	11.8	
Candida albicans (resistente agli azolici)	16	8.8	0.0	2	3.8	0	2	11.8	0
Candida non albicans (resistente agli azolici)	8	4.4	12.5	0	0.0	0	0	0.0	0
Aspergillus sp.	1	0.6		1	1.9		0	0.0	
Pneumocistis carinii	1	0.6		1	1.9		0	0.0	
Virus	10	5.5		5	9.6		1	5.9	
Altro									
Mycobatteri	5	2.8		5	9.6		1	5.9	
Mycobatteri (polmoniti atipiche)	2	1.1		2	3.8		0	0.0	
Altro	7	3.9		2	3.8		1	5.9	
Totale			21.5			7		13.5	2
Totale (escluso s. coagulasi negativo meticillina resistente)			15.5			6		11.5	2

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Report nazionale (5 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Liguria]

Pazienti infetti all'ammissione

Infezioni con microrganismi isolati	Tutte le infezioni		Polmoniti (TOTALI)		Polmoniti (H/altra TI)	
	N	%	N	%	N	%
No	99	35.4	52	50.0	16	48.5
Si	181	64.6	52	50.0	17	51.5
Numero totale di microrganismi isolati	220		66		20	
Missing	31		0		0	

Microrganismi responsabili isolati (MDR) ***	N	% su gruppo	% su isolati, N=181	N	% su gruppo	% su isolati, N=52	N	% su gruppo	% su isolati, N=17
Gram -									
<i>Klebsiella</i>	12		6.6	3		5.8	1		5.9
Klebsiella prod. ESBL	4	33.3*	2.2	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Klebsiella res. carb.	1	8.3*	0.6	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Klebsiella res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Klebsiella res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Klebsiella res. Gentamicina	1	100.0°	0.6	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Klebsiella res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Enterobacter</i>	7		3.9	3		5.8	2		11.8
Enterobacter prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Enterobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Enterobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Serratia</i>	3		1.7	2		3.8	0		0.0
Serratia prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Serratia res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Serratia res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Pseudomonas aer.</i>	14		7.7	5		9.6	3		17.6
Pseudomonas aer. res. carb.	1	7.1*	0.6	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Pseudomonas res. Colistina	1	100.0°	0.6	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Escherichia Coli</i>	34		18.8	5		9.6	2		11.8
Escherichia Coli prod. ESBL	7	20.6*	3.9	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Escherichia Coli res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Escherichia Coli res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Proteus</i>	8		4.4	0		0.0	0		0.0
Proteus prod. ESBL	2	25.0*	1.1	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Proteus res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Proteus res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Citrobacter</i>	2		1.1	0		0.0	0		0.0
Citrobacter prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Citrobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Citrobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Acinetobacter</i>	0		0.0	0		0.0	0		0.0
Acinetobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Acinetobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Acinetobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Acinetobacter res. Col+Tig	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0

* % calcolata sul numero di microrganismi dello stesso tipo.

°% calcolata sul numero di microrganismi resistenti ai carbapenemi dello stesso tipo. La % è calcolata sui soli microrganismi di cui è stata testata la resistenza.

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Pazienti infetti in degenza (N): 132

Sesso	N	%
Maschio	77	58.3
Femmina	55	41.7
Missing	0	

Eta (anni)	N	%
<17	0	0.0
17-45	11	8.3
46-65	41	31.1
66-75	38	28.8
>75	42	31.8
Missing	0	

Degenza pre TI (giorni)	N	%
Media	4.9	
DS	8.1	
Mediana	1	
Q1-Q3	0-5	
Missing	0	

Provenienza (Reparto)	N	%
Reparto medico	21	16.0
Reparto chirurgico	37	28.2
Pronto soccorso	58	44.3
Altra TI	10	7.6
Terapia subintensiva	5	3.8
Neonatologia	0	0.0
Missing	1	

Trauma	N	%
No	110	83.3
Sì	22	16.7
Missing	0	

Stato chirurgico	N	%
Medico	87	65.9
Chirurgico d'elezione	13	9.8
Chirurgico d'urgenza	32	24.2
Missing	0	

Motivo di ammissione	N	%
Monitoraggio/Svezzamento	22	16.7
Ricovero per presidi o trattamenti	0	0.0
Trattamento intensivo	110	83.3
Sedazione Palliativa	0	0.0
Accertamento morte/Prelievo d'organo	0	0.0
Missing	0	

Insufficienza neurologica	N	%
Nessuna	46	65.7
Coma cerebrale	12	17.1
Coma metabolico	5	7.1
Coma postanossico	7	10.0
Coma tossico	0	0.0
Missing o non valutabile	62	

GCS (prime 24 ore)	N	%
Media	10.9	
DS	4.7	
Mediana	13	
Q1-Q3	6.5-15	
Non valutabile	53	
Missing	0	

Insufficienza neurologica insorta	N	%
Nessuna	130	98.5
Coma cerebrale	0	0.0
Coma metabolico	1	0.8
Coma postanossico	1	0.8
Missing	0	

Mortalità in TI	N	%
Vivi	79	59.8
Deceduti	53	40.2
Missing	0	

Mortalità ospedaliera *	N	%
Vivi	70	54.3
Deceduti	59	45.7
Missing	1	

Degenza in TI (giorni)	N	%
Media	27.8	
DS	24.0	
Mediana	22	
Q1-Q3	14-36.2	
Missing	0	

Degenza ospedaliera (giorni) *	N	%
Media	42.3	
DS	28.4	
Mediana	38	
Q1-Q3	21-56	
Missing	1	

Pazienti infetti SOLO in degenza (N=87)

Gravità massima dell'infezione	N	%
INFEZIONE SENZA SEPSI	35	41.7
SEPSI	48	57.1
SHOCK SETTICO	1	1.2
Missing	3	

Mortalità per gravità dell'inf. (%)	In TI	In H
INFEZIONE SENZA SEPSI	20.0	31.4
SEPSI	43.8	45.7
SHOCK SETTICO	100.0	100.0

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=133).

Report nazionale (5 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Liguria]**Pazienti infetti in degenza**

Infezioni in degenza (top 10)	N	%
Inf. basse vie respiratorie NON polmonite	36	27.3
Batteriemia primaria sconosciuta	33	25.0
Polmonite	21	15.9
Infezione vie urinarie NON post-chir.	21	15.9
Batteriemia da catetere (CR-BSI)	12	9.1
Peritonite post-chirurgica	4	3.0
Infezione delle alte vie respiratorie	4	3.0
Sepsi clinica	3	2.3
F.U.O. febbre di origine sconosciuta	3	2.3
Peritonite primaria	3	2.3
Missing	0	

Infezioni multisito	N	%
No	107	81.1
Sì	25	18.9
Missing	0	

Infezioni in degenza	
Numero totale di episodi infettivi*	154
Numero totale di microrganismi isolati	155

Giorni per contrarre infezione	
Media	9.5
DS	9.7
Mediana	6.5
Q1–Q3	3–13
Missing	0

Incidenza di infezioni in degenza (1)	
<i>(Paz. infetti in degenza/1000 gg. pre-infezione)</i>	
Stima	13.8
CI (95%)	11.5–16.4

Incidenza di infezioni in degenza (2)	
<i>(Paz. infetti in degenza/paz. ricoverati per 7 gg.)</i>	
Stima	9.7%
CI (95%)	8.1–11.5

L'incidenza di infezioni in TI, completata dall'intervallo di confidenza al 95%, è calcolata con le formule seguenti:

$$\text{Incidenza infezioni in degenza} = \frac{\text{Numero di pazienti con infezione in degenza}}{(\text{Giornate di degenza pre - infezione})} \times 1000 \quad (1)$$

$$\text{Incidenza infezioni in degenza} = \frac{\text{Numero di pazienti con infezione in degenza}}{(\text{Giornate di degenza pre - infezione})/7} \times 100 \quad (2)$$

dove la variabile *Giornate di degenza pre-infezione* è pari alla somma, per tutti i pazienti ammessi in TI, delle giornate di degenza sino all'insorgenza dell'infezione o alla dimissione del paziente. E' quindi pari alla degenza totale se il paziente non sviluppa infezione mentre è pari alla differenza tra la data di insorgenza dell'infezione e la data di ingresso in TI se il paziente è infetto. Il secondo tasso è una rielaborazione del primo e risponde alla domanda: 'Su 100 pazienti ricoverati per 7 giorni in TI, quanti sviluppano infezione in degenza?'

* Non sono considerati gli episodi multipli nella stessa sede.

Report nazionale (5 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Liguria]

Pazienti infetti in degenza

Episodi con microrganismi isolati	Pazienti infetti solo in degenza		Pazienti infetti sia all'am. che in deg.	
	N	%	N	%
No	11	10.7	6	12.5
Sì	92	89.3	42	87.5
Numero totale di microrganismi isolati	107		48	
Missing	0		3	

Microorganismi responsabili isolati (MDR) ***	MDR			MDR		
	N	% su isolati, N=92	% su gruppo	N	% su isolati, N=42	% su gruppo
Batteri						
Gram +	43	46.7	23.3	16	38.1	62.5
Staphylococcus	26	28.3		12	28.6	
Staphylococcus Aureus (MRSA)	15	16.3	33.3	3	7.1	100.0
S. coagulans negativo (metlicillina resistente)	7	7.6	57.1	8	19.0	87.5
Streptococcus	3	3.3		1	2.4	
Pneumococcus (resistente alla penicillina)	1	1.1	0.0	0	0.0	0.0
Enterococcus	14	15.2		3	7.1	
E. faecalis (vancomicina resistente)	8	8.7	0.0	2	4.8	0.0
E. faecium (vancomicina resistente)	4	4.3	25.0	1	2.4	0.0
Clostridium difficile	1	1.1		0	0.0	
Gram -	42	45.7	28.6	14	33.3	35.7
Klebsiella (prod. ESBL)	11	12.0	0.0	0	0.0	0.0
Enterobacter (prod. ESBL)	5	5.4	0.0	2	4.8	0.0
Serratia (prod. ESBL)	2	2.2	50.0	0	0.0	0.0
Pseudomonas aer.	13	14.1		7	16.7	
MDR pseudomonas aer. sensibile a carbapenemi	5		38.5			14.3
MDR pseudomonas aer. resistente anche a carbapenemi	0	0.0		2		28.6
Escherichia coli (prod. ESBL)	6	6.5	66.7	3	7.1	0.0
Proteus (prod. ESBL)	4	4.3	0.0	0	0.0	0.0
Acinetobacter (resistente ai carbapenemi)	2	2.2	50.0	1	2.4	100.0
Stenotrophomonas	2	2.2	100.0	1		100.0
Haemophilus influenzae	2	2.2		0	0.0	
Legionella	0	0.0		0	0.0	
Citrobacter (prod. ESBL)	1	1.1	0.0	0	0.0	0.0
Neisseria meningitidis	0	0.0		0	0.0	
Funghi						
Candida	9	9.8		13	31.0	
Candida albicans (resistente agli azolici)	2	2.2	0.0	8	19.0	0.0
Candida non albicans (resistente agli azolici)	5	5.4	20.0	6	14.3	16.7
Aspergillus sp.	1	1.1		2	4.8	
Pneumocistis carinii	0	0.0		0	0.0	
Virus	0	0.0		0	0.0	
Altro						
Mycobatteri	0	0.0		1	2.4	
Mycobatteri (polmoniti atipiche)	1	1.1		0	0.0	
Altro	5	5.4		0	0.0	
Totale	22		23.9	14		33.3
Totale (escluso s. coagulans negativo metlicillina resistente)	18		19.6	8		19.0

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Report nazionale (5 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Liguria]

Pazienti infetti in degenza

Episodi con microrganismi isolati	Pazienti infetti solo in degenza		Pazienti infetti sia all'amm. che in deg.	
	N	%	N	%
No	11	10.7	6	12.5
Sì	92	89.3	42	87.5
Numero totale di microrganismi isolati	107		48	
Missing	0		3	

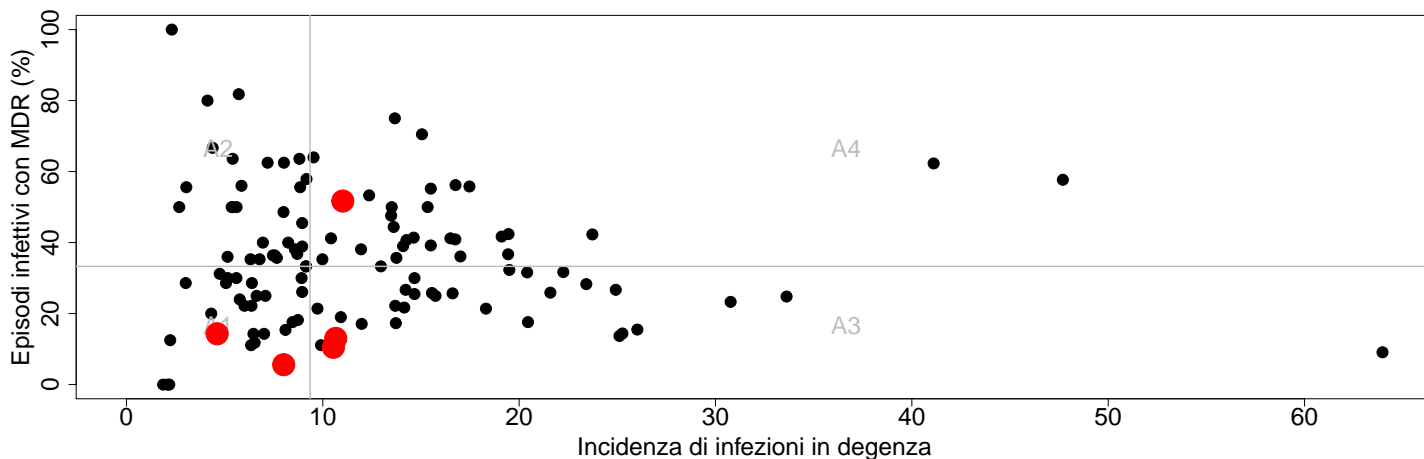
Microrganismi responsabili isolati (MDR) ***	N	% su gruppo	% su isolati, N=92	N	% su gruppo	% su isolati, N=42
Gram -						
<i>Klebsiella</i>	11		12.0	0		0.0
Klebsiella prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Klebsiella res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Klebsiella res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Klebsiella res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Klebsiella res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Klebsiella res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Enterobacter</i>	5		5.4	2		4.8
Enterobacter prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Enterobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Enterobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Serratia</i>	2		2.2	0		0.0
Serratia prod. ESBL	1	50.0*	1.1	0	0.0*	0.0
Serratia res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Serratia res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Pseudomonas aer.</i>	13		14.1	7		16.7
Pseudomonas aer. res. carb.	0	0.0*	0.0	2	28.6*	4.8
Pseudomonas res. Colistina	0	0.0°	0.0	1	100.0°	2.4
<i>Escherichia Coli</i>	6		6.5	3		7.1
Escherichia Coli prod. ESBL	4	66.7*	4.3	0	0.0*	0.0
Escherichia Coli res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Escherichia Coli res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Proteus</i>	4		4.3	0		0.0
Proteus prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Proteus res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Proteus res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Citrobacter</i>	1		1.1	0		0.0
Citrobacter prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Citrobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Citrobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Acinetobacter</i>	2		2.2	1		2.4
Acinetobacter res. carb.	1	50.0*	1.1	1	100.0*	2.4
Acinetobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Acinetobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	1	100.0°	2.4
Acinetobacter res. Col+Tig	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0

* % calcolata sul numero di microrganismi dello stesso tipo.

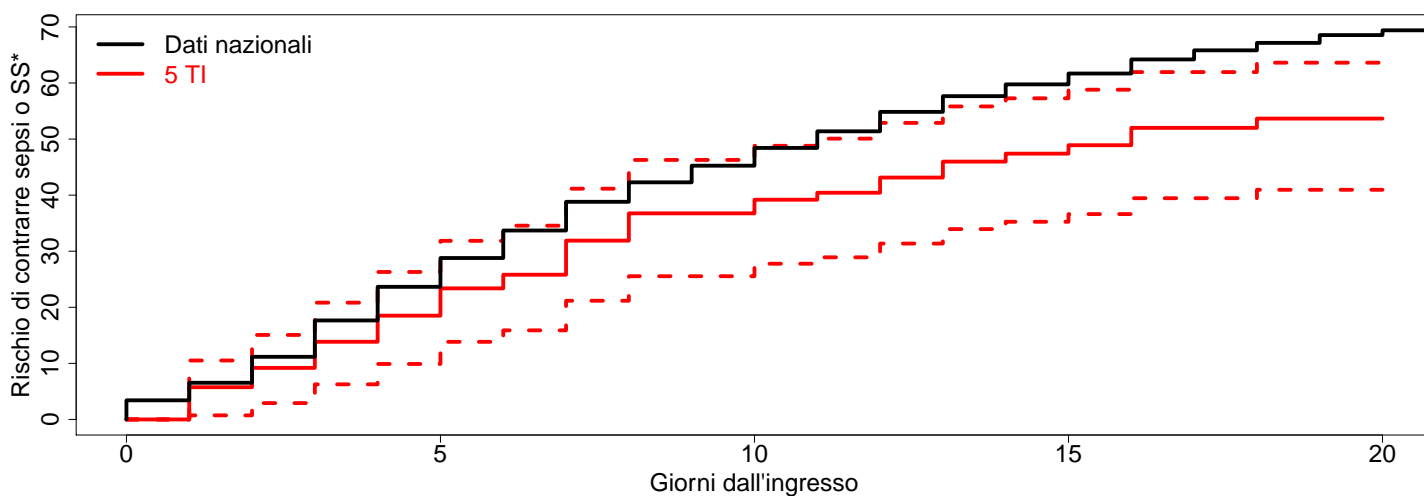
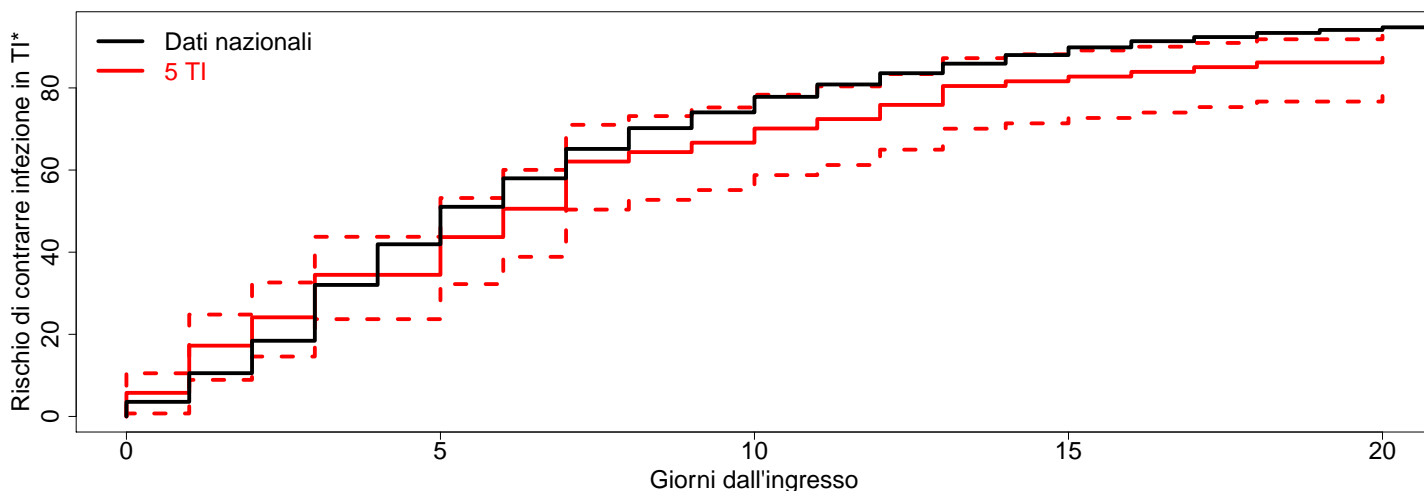
°% calcolata sul numero di microrganismi resistenti ai carbapenemi dello stesso tipo. La % è calcolata sui soli microrganismi di cui è stata testata la resistenza.

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Pazienti infetti in degenza



Il grafico sovrastante incrocia le variabili *Incidenza di infezioni in degenza* e *Percentuale di infezioni multiresistenti* (ad esclusione del germe *S. Coagulasi negativo meticillina resistente*). La nuvola nera di punti racchiude i dati delle TI nazionali. 2 linee grigie intersecano il grafico in corrispondenza dei valori mediani nazionali e delineano 4 aree. L'area **A1** identifica i centri che sembrano praticare un'efficace prevenzione delle infezioni e una buona gestione dell'antibiotico terapia. Per contro a cadere nell'area **A4** sono i centri che, osservando un'elevata incidenza di infezioni in degenza ed un'alta percentuale di multiresistenze, paiono non riuscire a controllare efficacemente i fenomeni. E' bene sottolineare che ad influire notevolmente su tali statistiche sono i case-mix delle TI. E' pertanto importante valutare con estrema cautela tale grafico e quella appena fornita è solo una delle tante possibili chiavi di lettura.



I due grafici sovrastanti mostrano le curve di rischio di contrarre infezione e sepsi/shock settico in TI all'aumentare dei giorni trascorsi in reparto. Come è logico, il rischio aumenta all'aumentare della degenza del paziente. Per esempio, la probabilità di aver contratto un'infezione in TI è pari al 78% alla decima giornata di degenza. Tale probabilità sfiora il 95% se il paziente rimane ricoverato per almeno 20 giorni (dati nazionali). Entrambi i grafici sono 'troncati' alla ventesima giornata di degenza poichè le stime successive, basate sui pochi pazienti con degenza superiore a 20 giorni, sarebbero risultate instabili. Le linee tratteggiate delineano l'intervallo di confidenza al 95% delle stime.

* Pazienti non infetti all'ammissione (N=1038).

Report nazionale (5 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Liguria]

Pazienti infetti in degenza

Pazienti con POLMONITE in degenza (N): 21

Trauma	N	%
No	15	71.4
Sì	6	28.6
Missing	0	

Stato chirurgico	N	%
Medico	13	61.9
Chirurgico d'elezione	2	9.5
Chirurgico d'urgenza	6	28.6
Missing	0	

Batteriemica	N	%
No	12	57.1
Sì	9	42.9
Missing	0	

Infezioni multisito	N	%
No	18	85.7
Sì	3	14.3
Missing	0	

Nuovi episodi oltre il primo	N	%
No	15	71.4
Sì	6	28.6
Missing	0	

Polmonite associata a ventilazione (VAP) °	N	%
No	3	14.3
Sì	18	85.7
Missing	0	

° VAP: polmonite associata a ventilazione invasiva (polmonite con esordio successivo al 2° giorno di ventilazione o sviluppata entro i due giorni dal termine della ventilazione).

Pazienti con VAP in degenza (N): 18

VAP precoce	N	%
No	8	44.4
Sì	10	55.6
Missing	0	

Diagnosi	N	%
Possibile	6	33.3
Probabile - certa	12	66.7
Missing	0	

Criteri diagnostici microbiologici

	N	%
Probabile - certa: Sierologia/tecniche di biologia molecolare/antigeni urinari (legionella, ecc)	2	11.1
Probabile - certa: Campione distale non protetto (bal non broncoscopico) quantitativo	0	0.0
Possibile: Campione distale non protetto (bal non broncoscopico) qualitativo	4	22.2
Possibile: Campione distale protetto qualitativo (bal, psb)	3	16.7
Probabile - certa: Campione distale protetto quantitativo (bal, psb)	0	0.0
Probabile - certa: Aspirato tracheale quantitativo ≥ 10 alla 5a cfu/ml	4	22.2
Probabile - certa: Aspirato tracheale qualitativo + emocoltura e/o liquido pleurico concordati	2	11.1
Possibile: Aspirato tracheale qualitativo	2	11.1
Possibile: Agente eziologico NON ricercato o NON isolato	1	5.6
Missing	0	

Fattori di rischio (N=1359)

Ventilazione invasiva	N	%
No	434	32.1
Sì	917	67.9
Iniziata il primo giorno	866	63.7
Missing	8	

Durata (giorni)

Media (DS)	7.0 (12.9)
Mediana (Q1-Q3)	2 (1-8)
Missing	3

Durata/degenza in TI (%)

Media (DS)	67.5 (32.1)
Mediana (Q1-Q3)	72.1 (38.9-100)
Missing	3

Giorni di VM pre-VAP

	N	18
Media (DS)	10.4	(16.2)
Mediana (Q1-Q3)	5	(3-7)
Missing	0	

Incidenza di VAP (3)

(Paz. con VAP/1000 gg. di VM pre-VAP)

Stima	3.2
CI (95%)	1.9-5.0

Incidenza di VAP (4)

(Paz. con VAP/paz. ventilati per 8 gg.)

Stima	2.5%
CI (95%)	1.5-4.0

Pazienti infetti in degenza

Pazienti con VAP in degenza (continua)

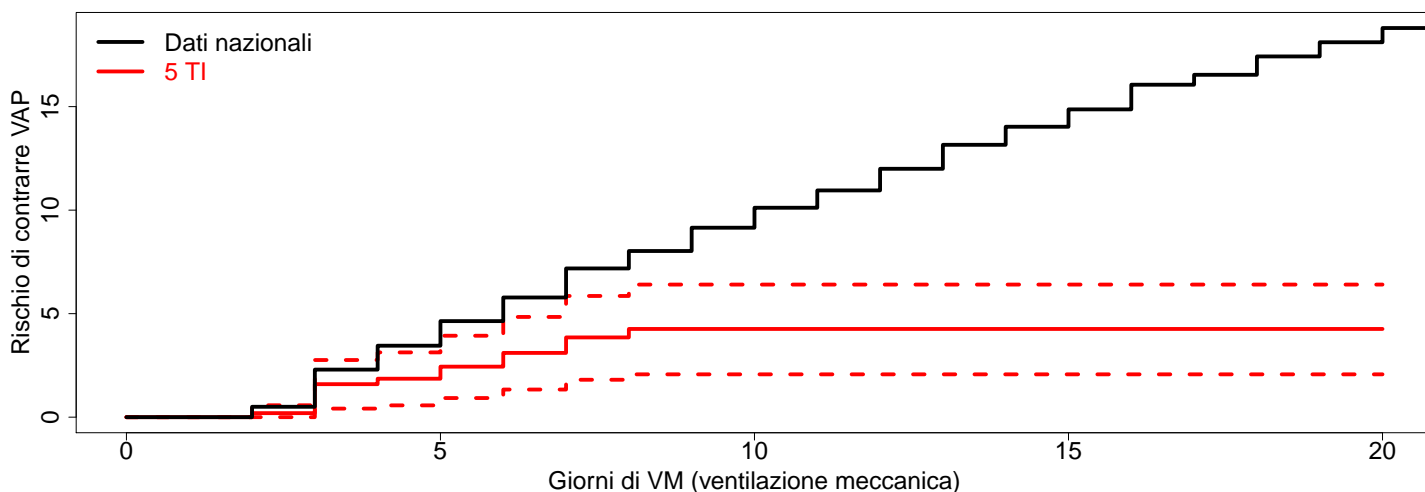
Di seguito le formule utilizzate per il calcolo dei due tassi di incidenza:

$$\text{Incidenza VAP in TI} = \frac{\text{Numero di pazienti con VAP in degenza}}{\text{Giornate di ventilazione meccanica pre - VAP}} \times 1000 \quad (3)$$

dove la variabile *Giornate di ventilazione meccanica pre-VAP* è pari alla somma delle giornate di ventilazione meccanica pre-VAP di tutti i pazienti ammessi in reparto. E' pari alla durata totale della ventilazione meccanica per i pazienti che non sviluppano VAP e alla differenza tra la data di insorgenza della VAP e la data di inizio della ventilazione meccanica per i pazienti infetti. Sono esclusi dal denominatore i giorni di ventilazione meccanica dei pazienti dimessi o deceduti entro 2 giorni dall'inizio della ventilazione.

$$\text{Incidenza VAP in TI} = \frac{\text{Numero di pazienti con VAP in degenza}}{(\text{Giornate di ventilazione meccanica pre - VAP})/8} \times 100 \quad (4)$$

Il secondo tasso è solo una rielaborazione del precedente, per permettere una lettura più semplice del dato. Risponde infatti alla domanda: 'Su 100 pazienti ventilati per 8 giorni in TI, quanti sviluppano VAP?'. Il cutoff di 8 giorni è stato stabilito per convenzione. I tassi sono corredati dagli intervalli di confidenza al 95%.



Mortalità in TI	N	%
Vivi	7	38.9
Deceduti	11	61.1
Missing	0	

Degenza in TI (giorni)		
Media (DS)	43.1	(45.8)
Mediana (Q1-Q3)	22	(19-49.8)
Missing	0	

Mortalità ospedaliera	N	%
Vivi	5	29.4
Deceduti	12	70.6
Missing	1	

Degenza ospedaliera (giorni)		
Media (DS)	49.2	(43.5)
Mediana (Q1-Q3)	37	(22-59)
Missing	1	

Report nazionale (5 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Liguria]
Pazienti infetti in degenza

VAP con microrganismi isolati	VAP		VAP probabili-certe		VAP (nuovi episodi)	
	N	%	N	%	N	%
No	1	5.6	0	0.0	0	0.0
Sì	17	94.4	12	100.0	5	100.0
Numero totale di microrganismi isolati	19		14		6	
Missing	0		0		0	

Microorganismi responsabili isolati (MDR) ***	MDR			MDR			MDR		
	N	% su isolati, N=17	% su gruppo	N	% su isolati, N=12	% su gruppo	N	% su isolati, N=5	% su gruppo
Batteri									
Gram +									
Staphylococcus	5	29.4	50.0	4	33.3	60.0	1	20.0	100.0
Staphylococcus Aureus (MRSA)	5	29.4	60.0	4	33.3	75.0	1	20.0	100.0
S. coagulasi negativo (meticillina resistente)	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Streptococcus	1	5.9	0.0	1	8.3	0.0	0	0.0	0.0
Pneumococcus (resistente alla penicillina)	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Enterococcus	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
E. faecalis (vancomicina resistente)	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
E. faecium (vancomicina resistente)	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Clostridium difficile	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Gram -									
Klebsiella (prod. ESBL)	8	47.1	62.5	6	50.0	66.7	3	60.0	100.0
Enterobacter (prod. ESBL)	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	1	20.0	100.0
Serratia (prod. ESBL)	1	5.9	100.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Pseudomonas aer.	6	35.3	33.3	5	41.7	40.0	2	40.0	100.0
MDR pseudomonas aer. sensibile a carbapenemi									
MDR pseudomonas aer. resistente anche a carbapenemi									
Escherichia coli (prod. ESBL)	1	5.9	100.0	1	8.3	100.0	0	0.0	0.0
Proteus (prod. ESBL)	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Acinetobacter (resistente ai carbapenemi)	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Stenotrophomonas									
Haemophilus influenzae	0	0.0	100.0	0	0.0	100.0	1	0.0	0.0
Legionella	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Citrobacter (prod. ESBL)	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Neisseria meningitidis	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Funghi									
Candida	2	11.8	0.0	2	16.7	0.0	1	20.0	0.0
Candida albicans (resistente agli azolici)	1	5.9	0.0	1	8.3	0.0	0	0.0	0.0
Candida non albicans (resistente agli azolici)	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	1	20.0	100.0
Aspergillus sp.	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Pneumocistis carinii	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Virus									
Altro									
Mycobatteri	1	5.9	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Mycobatteri (polmoniti atipiche)	1	5.9	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Altro	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Totale									
Totale (escluso s. coagulasi negativo meticillina resistente)									
	7	41.2	41.2	6	50.0	50.0	4	80.0	80.0
	7	41.2	41.2	6	50.0	50.0	4	80.0	80.0

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Pazienti infetti in degenza

VAP con microrganismi isolati	VAP		VAP probabili-certe		VAP (nuovi episodi)	
	N	%	N	%	N	%
No	1	5.6	0	0.0	0	0.0
Si	17	94.4	12	100.0	5	100.0
Numero totale di microrganismi isolati	19		14		6	
Missing	0		0		0	

Microrganismi responsabili isolati (MDR) ***	N	% su gruppo	% su isolati, N=17	N	% su gruppo	% su isolati, N=12	N	% su gruppo	% su isolati, N=5
Gram -									
<i>Klebsiella</i>	0		0.0	0		0.0	1		20.0
Klebsiella prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	1	100.0*	20.0
Klebsiella res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	1	100.0*	20.0
Klebsiella res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Klebsiella res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Klebsiella res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	1	100.0°	20.0
Klebsiella res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Enterobacter</i>	0		0.0	0		0.0	0		0.0
Enterobacter prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Enterobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Enterobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Serratia</i>	1		5.9	0		0.0	1		20.0
Serratia prod. ESBL	1	100.0*	5.9	0	0.0*	0.0	1	100.0*	20.0
Serratia res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Serratia res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Pseudomonas aer.</i>	6		35.3	5		41.7	2		40.0
Pseudomonas aer. res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Pseudomonas res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Escherichia Coli</i>	1		5.9	1		8.3	0		0.0
Escherichia Coli prod. ESBL	1	100.0*	5.9	1	100.0*	8.3	0	0.0*	0.0
Escherichia Coli res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Escherichia Coli res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Proteus</i>	0		0.0	0		0.0	0		0.0
Proteus prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Proteus res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Proteus res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Citrobacter</i>	0		0.0	0		0.0	0		0.0
Citrobacter prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Citrobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Citrobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Acinetobacter</i>	0		0.0	0		0.0	0		0.0
Acinetobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Acinetobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Acinetobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Acinetobacter res. Col+Tig	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0

* % calcolata sul numero di microrganismi dello stesso tipo.

°% calcolata sul numero di microrganismi resistenti ai carbapenemi dello stesso tipo. La % è calcolata sui soli microrganismi di cui è stata testata la resistenza.

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Report nazionale (5 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Liguria]

Pazienti infetti in degenza

Pazienti con BATTERIEMIA in degenza (N): 65

Trauma	N	%
No	53	81.5
Sì	12	18.5
Missing	0	

Stato chirurgico	N	%
Medico	44	67.7
Chirurgico d'elezione	7	10.8
Chirurgico d'urgenza	14	21.5
Missing	0	

Tipologia	N	%
Batteriemia primaria sconosciuta	33	50.8
Batteriemia da catetere (CR-BSI)	12	18.5
Batteriemia secondaria	25	38.5
Missing	0	

Nuovi episodi oltre il primo	N	%
No	34	79.1
Sì	9	20.9
Missing	1	

Pazienti con BATTERIEMIA (ORIGINE SCONOSCIUTA) in degenza (N): 33

Infezioni multisito	N	%
No	22	66.7
Sì	11	33.3
Missing	0	

Incidenza di batteriemia (origine sconosciuta)	N	%
<i>(Paz. infetti in degenza/paz. ricoverati per 7 gg.)</i>		
Stima		2.2%
CI (95%)		1.5–3.0

Mortalità in TI	N	%
Vivi	23	69.7
Deceduti	10	30.3
Missing	0	

Mortalità ospedaliera *	N	%
Vivi	20	64.5
Deceduti	11	35.5
Missing	1	

Degenza in TI (giorni)	N	%
Media (DS)	33.9	(36.9)
Mediana (Q1–Q3)	22	(11–43)
Missing	0	

Degenza ospedaliera (giorni) *	N	%
Media (DS)	51.9	(39.1)
Mediana (Q1–Q3)	42	(25.5–61.5)
Missing	1	

Pazienti con BATTERIEMIA da CATETERE in degenza (CR-BSI) (N): 12

Infezioni multisito	N	%
No	4	33.3
Sì	8	66.7
Missing	0	

Fattori di rischio (N=1359)

CVC (Catetere Venoso Centrale)	N	%
No	262	19.4
Sì	1089	80.6
Iniziata il primo giorno	1063	78.2
Missing	8	

Durata (giorni)	N	%
Media (DS)	9.8	(13.7)
Mediana (Q1–Q3)	5	(2–13)
Missing	3	

Durata/degenza in TI (%)	N	%
Media (DS)	95.6	(11.5)
Mediana (Q1–Q3)	100	(100–100)
Missing	3	

Infezione locale da catetere (N=1359)	N	%
No	1350	100.0
Sì	0	0.0
Missing	9	

Giorni di CVC pre-batteriemia	N	%
Media (DS)	13.8	(9.4)
Mediana (Q1–Q3)	10.5	(7–21.8)
Missing	0	

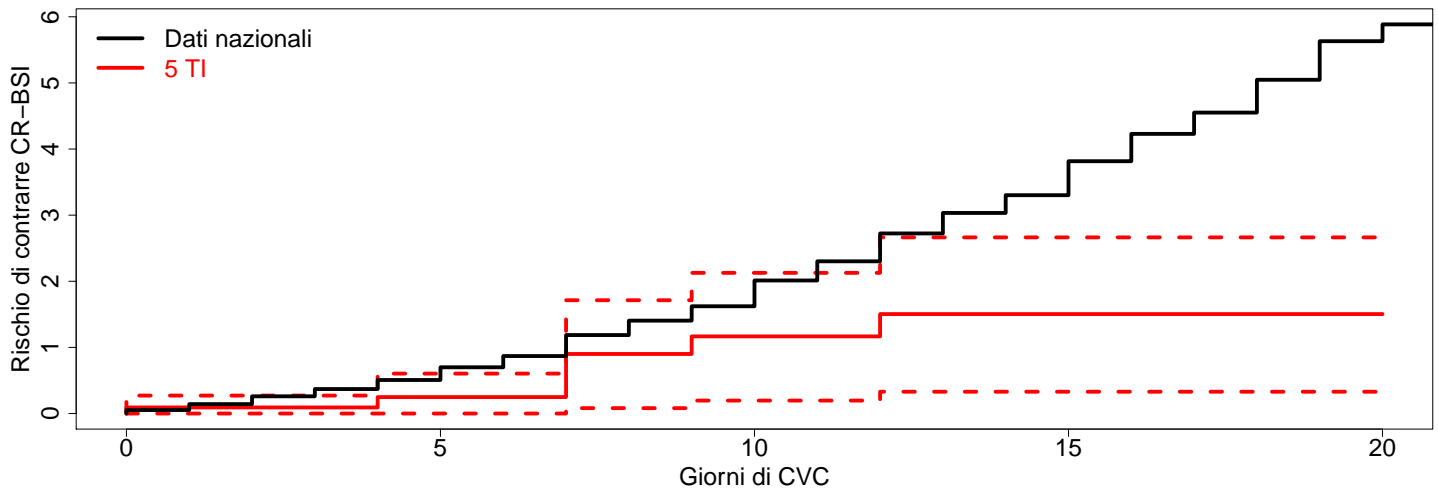
Incidenza di CR-BSI	N	%
<i>(Paz. con CR-BSI/1000 gg. di CVC pre-CR-BSI)</i>		
Stima		1.2
CI (95%)		0.6–2.0

Incidenza di CR-BSI	N	%
<i>(Paz. con CR-BSI/paz. con catetere per 12 gg.)</i>		
Stima		1.4%
CI (95%)		0.7–2.4

Report nazionale (5 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Liguria]

Pazienti infetti in degenza

Pazienti con BATTERIEMIA da CATETERE in degenza (continua)



Mortalità in TI	N	%
Vivi	4	33.3
Deceduti	8	66.7
Missing	0	

Degenza in TI (giorni)		
Media (DS)	33.2	(10.3)
Mediana (Q1–Q3)	31.5	(25.8–41)
Missing	0	

Mortalità ospedaliera	N	%
Vivi	3	25.0
Deceduti	9	75.0
Missing	0	

Degenza ospedaliera (giorni)		
Media (DS)	43.2	(18.8)
Mediana (Q1–Q3)	38	(34.2–50)
Missing	0	

Pazienti con BATTERIEMIA SECONDARIA in degenza (N): 25

Infezioni associate (top 10)	N	%
Polmonite	9	36.0
Infezione vie urinarie NON post-chir.	9	36.0
Inf. basse vie respiratorie NON polmonite	2	8.0
Endocardite NON post-chirurgica	1	4.0
Peritonite secondaria NON chir.	1	4.0
Peritonite post-chirurgica	1	4.0
Infezione di arterie o vene	1	4.0
Infezione ossa/articolazioni NON post-chir.	1	4.0
Pleurite/empiema pleurico	1	4.0
-	0	0.0
Missing	0	

Mortalità ospedaliera		
Vivi	13	52.0
Deceduti	12	48.0
Missing	0	

Degenza in TI (giorni)		
Media (DS)	41.1	(37.0)
Mediana (Q1–Q3)	32	(19–49)
Missing	0	

Mortalità in TI	N	%
Vivi	13	52.0
Deceduti	12	48.0
Missing	0	

Degenza ospedaliera (giorni)		
Media (DS)	52.3	(36.5)
Mediana (Q1–Q3)	50	(26–63)
Missing	0	

Report nazionale (5 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Liguria]
Pazienti infetti in degenza

Batteriemie con microrganismi isolati	Batteriemia primaria sconosciuta		Batteriemia da catetere (CR-BSI)		Batteriemia (nuovi episodi)	
	N	%	N	%	N	%
No	0	0.0	0	0.0	0	0.0
Sì	33	100.0	12	100.0	10	100.0
Numero totale di microrganismi isolati	36		13		13	
Missing	0		0		0	

Microorganismi responsabili isolati (MDR) ***	MDR			MDR			MDR		
	N	% su isolati, N=33	% su gruppo	N	% su isolati, N=12	% su gruppo	N	% su isolati, N=10	% su gruppo
Batteri									
Gram +									
Staphylococcus	18	54.5	33.3	8	66.7	62.5	7	70.0	14.3
Staphylococcus Aureus (MRSA)	14	42.4		7	58.3		4	40.0	
S. coagulasi negativo (meticillina resistente)	2	6.1	50.0	1	8.3	0.0	2	20.0	0.0
Streptococcus	8	24.2	62.5	5	41.7	100.0	1	10.0	100.0
Pneumococcus (resistente alla penicillina)	1	3.0		1	8.3		1	10.0	
Enterococcus	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
E. faecalis (vancomicina resistente)	3	9.1		0	0.0		3	30.0	
E. faecium (vancomicina resistente)	2	6.1	0.0	0	0.0	0.0	1	10.0	0.0
Clostridium difficile	1	3.0	0.0	0	0.0	0.0	2	20.0	0.0
Gram -									
Klebsiella (prod. ESBL)	12	36.4	33.3	0	0.0	0.0	3	30.0	33.3
Enterobacter (prod. ESBL)	4	12.1	0.0	0	0.0	0.0	1	10.0	0.0
Serratia (prod. ESBL)	1	3.0	0.0	0	0.0	0.0	1	10.0	0.0
Pseudomonas aer.	1	3.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
MDR pseudomonas aer. sensibile a carbapenemi	3	9.1	100.0	0	0.0		1	10.0	100.0
MDR pseudomonas aer. resistente anche a carbapenemi	0	0.0		0	0.0		0	0.0	0.0
Escherichia coli (prod. ESBL)	2	6.1	50.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Proteus (prod. ESBL)	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Acinetobacter (resistente ai carbapenemi)	1	3.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Stenotrophomonas	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Haemophilus influenzae	0	0.0		0	0.0		0	0.0	
Legionella	0	0.0		0	0.0		0	0.0	
Citrobacter (prod. ESBL)	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Neisseria meningitidis	0	0.0		0	0.0		0	0.0	
Funghi									
Candida	5	15.2		3	25.0		2	20.0	
Candida albicans (resistente agli azolici)	1	3.0	0.0	2	16.7	0.0	0	0.0	0.0
Candida non albicans (resistente agli azolici)	3	9.1	66.7	2	16.7	0.0	2	20.0	50.0
Aspergillus sp.	0	0.0		0	0.0		0	0.0	
Pneumocistis carinii	0	0.0		0	0.0		0	0.0	
Virus									
Altro	0	0.0		0	0.0		0	0.0	
Mycobatteri	0	0.0		0	0.0		0	0.0	
Mycobatteri (polmoniti atipiche)	0	0.0		0	0.0		0	0.0	
Altro	1	3.0		1	8.3		0	0.0	
Totale									
Totale (escluso s. coagulasi negativo meticillina resistente)	11	33.3	21.2	5	41.7	0.0	2	20.0	20.0
	7	21.2	0.0	0	0.0		1	10.0	10.0

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Pazienti infetti in degenza

Batteriemia con microrganismi isolati	Batteriemia primaria sconosciuta		Batteriemia da catetere (CR-BSI)		Batteriemia (nuovi episodi)	
	N	%	N	%	N	%
No	0	0.0	0	0.0	0	0.0
Si	33	100.0	12	100.0	10	100.0
Numero totale di microrganismi isolati	36		13		13	
Missing	0		0		0	

Microrganismi responsabili isolati (MDR)	N	% su gruppo	% su isolati, N=33	N	% su gruppo	% su isolati, N=12	N	% su gruppo	% su isolati, N=10
Gram -									
<i>Klebsiella</i>	4		12.1	0		0.0	1		10.0
Klebsiella prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Klebsiella res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Klebsiella res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Klebsiella res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Klebsiella res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Klebsiella res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Enterobacter</i>	1		3.0	0		0.0	1		10.0
Enterobacter prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Enterobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Enterobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Serratia</i>	1		3.0	0		0.0	0		0.0
Serratia prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Serratia res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Serratia res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Serratia res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Pseudomonas aer.</i>	3		9.1	0		0.0	1		10.0
Pseudomonas aer. res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Pseudomonas res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Escherichia Coli</i>	2		6.1	0		0.0	0		0.0
Escherichia Coli prod. ESBL	1	50.0*	3.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Escherichia Coli res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Escherichia Coli res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Escherichia Coli res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Proteus</i>	0		0.0	0		0.0	0		0.0
Proteus prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Proteus res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Proteus res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Proteus res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Citrobacter</i>	0		0.0	0		0.0	0		0.0
Citrobacter prod. ESBL	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Citrobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Citrobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Gentamicina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Citrobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
<i>Acinetobacter</i>	1		3.0	0		0.0	0		0.0
Acinetobacter res. carb.	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0	0	0.0*	0.0
Acinetobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Acinetobacter res. Tigeciclina	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0
Acinetobacter res. Col+Tig	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0	0	0.0°	0.0

* % calcolata sul numero di microrganismi dello stesso tipo.

° % calcolata sul numero di microrganismi resistenti ai carbapenemi dello stesso tipo. La % è calcolata sui soli microrganismi di cui è stata testata la resistenza.

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Appendice

Di seguito viene data la chiave di lettura delle tabelle dei microrganismi del Report. A titolo esplicativo, viene fatto riferimento agli episodi di **polmonite all'ammissione**. Il discorso può essere però generalizzato agli altri episodi presi in considerazione nel Report, in particolare:

- polmoniti acquisite in ospedale o in altra TI (pagina 8 e 9);
- episodi infettivi in degenza dei pazienti infetti solo in degenza (pagina 12 e 13) ;
- episodi infettivi in degenza dei pazienti infetti sia all'ammissione che in degenza (pagina 12 e 13);
- VAP (pagina 17 e 18);
- VAP probabili-certe (pagina 17 e 18);
- VAP altri episodi (pagina 17 e 18);
- batteriemie primarie sconosciute (pagina 21 e 22);
- batteriemie da catetere (pagina 21 e 22);
- batteriemie nuovi episodi (pagina 21 e 22).

Tabella generale dei microrganismi (pagina 8, 12, 17 e 21)

Pazienti infetti all'ammissione		Polmoniti (TOTALI)	
Polmoniti con microrganismi isolati		N	%
No		1909	49.1
Si		1982	50.9
Numero totale di microrganismi isolati		2551	
	Missing	26	

Microrganismi responsabili isolati (MDR)	N	% su isolati, N=1982	MDR	
			N	% su gruppo
Batteri				
Gram -	1103	55.7	484	43.9
Klebsiella (prod. ESBL)	240	12.1	118	49.2
Enterobacter (prod. ESBL)	65	3.3	11	16.9
Serratia (prod. ESBL)	41	2.1	8	19.5
Pseudomonas aer.	305	15.4		
MDR pseudomonas aer. sensibile a carbapenemi			101	33.1
MDR pseudomonas aer. resistente anche a carbapenemi			79	25.9
Escherichia coli (prod. ESBL)	200	10.1	54	27.0
Proteus (prod. ESBL)	34	1.7	10	29.4
Acinetobacter (resistente ai carbapenemi)	143	7.2	110	76.9
Stenotrophomonas			36	100.0
Haemophilus influenzae	75	3.8		
Legionella	117	5.9		
Citrobacter (prod. ESBL)	14	0.7	3	21.4
Neisseria meningitidis	3	0.2		

- Tabella *Polmoniti con microrganismi isolati*

In questa tabella sono riportati il numero assoluto e relativo degli episodi di polmonite in cui sono stati isolati microrganismi. Nell'esempio, si sono osservati 1909 episodi di polmonite senza microrganismi isolati e 1982 episodi di polmonite con microrganismi isolati. In questi 1982 episodi, sono stati isolati in tutto 2551 microrganismi.

- Tabella *Microrganismi responsabili isolati (MDR)*

- prime due colonne (colonne 'N' e '% su isolati, N=1982'):

La prima colonna (**N**) rappresenta il numero assoluto di microrganismi osservati negli episodi selezionati. Nella figura, ad esempio, **240** sono le Klebsielle registrate nelle polmoniti all'ammissione; **200** i batteri Escherichia coli registrati negli stessi episodi. In totale sono riportati **1103** episodi con un batterio Gram negativo.

La seconda colonna (**% su isolati, N=1982**) rappresenta la percentuale ricoperta da N sul totale degli episodi (in questo caso le polmoniti) con microrganismi isolati. Il numero **1982** è quello presente nella tabella sovrastante *Polmoniti con microrganismi isolati* in corrispondenza della riga 'Sì'. Quindi, ad esempio, tra i 1982 episodi dove sono stati isolati microrganismi, nel **2.1%** dei casi (41 su 1982) è stata isolata una Serratia, mentre nel **15.4%** dei casi (305 su 1982) sono stati isolati Pseudomonas aer.

Sono lasciate vuote le caselle corrispondenti ai microrganismi multiresistenti (nell'esempio, MDR Pseudomonas aer. e Stenotrophomonas), le cui informazioni sono riportate nella terza e quarta colonna.

• **terza e quarta colonna (MDR, colonne 'N' e '% su gruppo'):**

Questa metà della tabella riguarda i microrganismi multiresistenti (come si evince dal sottotitolo *MDR*). In particolare, la tipologia di multiresistente considerata per il microrganismo è quella scritta tra parentesi tonde nell'elenco dei microrganismi. Ad esempio, si sono registrati **118** microrganismi Klebsiella produttrice di ESBL, che rappresentano il **49.2%** delle Klebsielle totali isolate nelle polmoniti (che si vedono nella prima colonna della prima metà della tabella: 240). I microrganismi Acinetobacter resistenti ai carbapenemi registrati sono stati **110** su un totale di 143 (ovvero, **76.9%** degli Acinetobacter totali).

Questa seconda metà della tabella è vuota per quei microrganismi accanto al cui nome non c'è il dettaglio della forma multiresistente (nell'esempio, Pseudomonas aer. non MDR, Haemophilus influenzae, Legionella e Neisseria meningitidis).

Tabella dettaglio Gram Negativi (pagina 9, 13, 18 e 22)

Microrganismi responsabili isolati (MDR)	N	% su gruppo	% su isolati, N=1982
Gram -			
<i>Klebsiella</i>	240		12.1
Klebsiella prod. ESBL	118	49.2*	6.0
Klebsiella res. carb.	93	38.8*	4.7
Klebsiella res. Colistina	20	21.7°	1.0
Klebsiella res. Tigeciclina	31	48.4°	1.6
Klebsiella res. Gentamicina	39	45.3°	2.0
Klebsiella res. Col+Tig+Gent	4	4.6°	0.2
<i>Enterobacter</i>	65		3.3
Enterobacter prod. ESBL	11	16.9*	0.6
Enterobacter res. carb.	3	4.7*	0.2
Enterobacter res. Colistina	0	0.0°	0.0
Enterobacter res. Tigeciclina	1	33.3°	0.1
Enterobacter res. Gentamicina	3	100.0°	0.2
Enterobacter res. Col+Tig+Gent	0	0.0°	0.0

- Tabella Microrganismi responsabili isolati (MDR)

Questa tabella presenta un dettaglio ulteriore rispetto alla tabella descritta precedentemente. Oltre al numero di microrganismi osservati negli episodi selezionati (nell'esempio si sono registrate 240 Klebsielle e 65 Enterobacter), vengono forniti ulteriori dettagli sulle resistenze ad antibiotici specifici. Nell'esempio, delle **240** Klebsielle, **118** sono produttrici di ESBL, che in percentuale corrispondono al **49.2%** (colonna '% su gruppo') delle Klebsielle registrate. Tra le Klebsielle produttrici di ESBL ce ne sono **93** resistenti ai carbapenemi, che corrispondono al **38.8%** (93/240) delle Klebsielle registrate.

Tra le 93 Klebsielle resistenti ai carbapenemi, **20** sono resistenti alla Colistina. La percentuale **21.7%** non è data da 20/93, perchè di alcune Klebsielle può risultare 'non testata' la resistenza all'antibiotico. Il 21.7% sono le Klebsielle resistenti alla Colistina tra quelle per cui la resistenza a tale antibiotico è stata testata. Analogamente, per gli altri antibiotici (Tigeciclina e Gentamicina).

La terza colonna (% **su isolati, N=1982**) rappresenta la percentuale ricoperta dal numero di microrganismi sul totale degli episodi con microrganismi isolati (che sono appunto 1982, come si evince dalla tabella *Polmoniti con microrganismi isolati* alla riga 'Sì'). Quindi, ad esempio, tra i 1982 episodi dove sono stati isolati microrganismi, nel **6%** (118/1982) dei casi è stata isolata una Klebsiella produttrice di ESBL; nell'**1.6%** (31/1982) dei casi è stata isolata una Klebsiella resistente alla Tigeciclina.