

GiViTI

Gruppo Italiano per la Valutazione degli Interventi In Terapia Intensiva

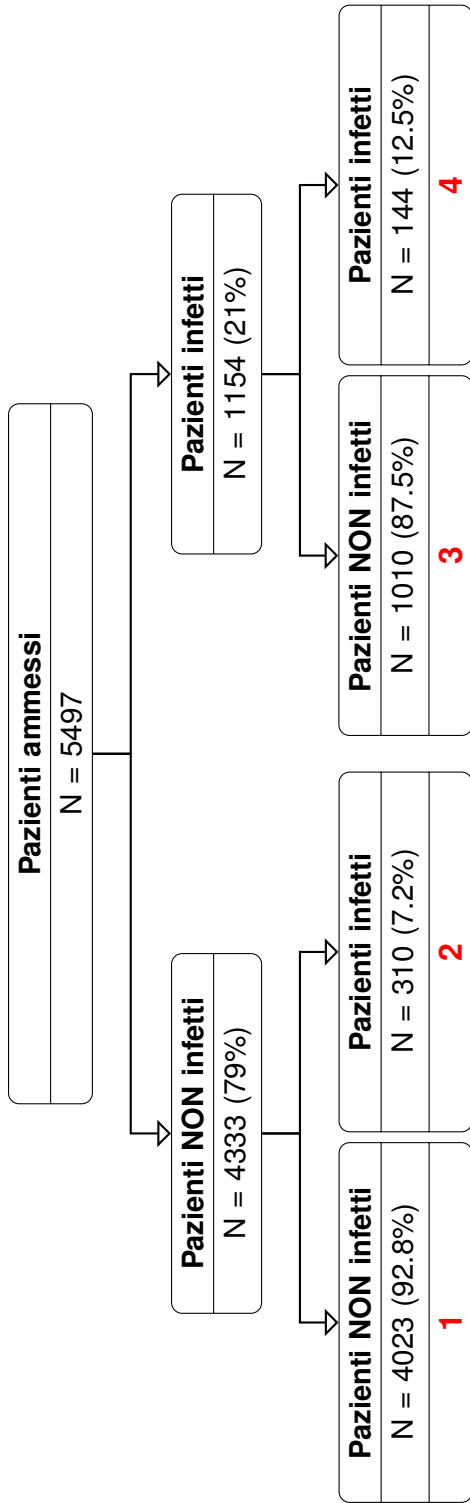
Rapporto
Progetto PROSAFE - Petalo INFEZIONI

Anno 2018

Popolazione complessiva (13 TI)

TI Polivalenti - Regione Veneto

Flow-chart



AMMISSIONE:

DEGENZA:

| | 1 | 3 | 4 | 2 | 3+4 | 2+4 |
|--|--|--|--|--|---|---|
| | Pazienti NON infetti N=4023 (73.2%) | Pazienti infetti SOLO all'ammissione N=1010 (18.4%) | Pazienti infetti all'ammissione e in degenza N=144 (2.6%) | Pazienti infetti SOLO in degenza N=310 (5.6%) | Pazienti infetti all'ammissione N=1154 (21.0%) | Pazienti infetti in degenza N=454 (8.3%) |
| Degenza in TI (giorni) Mediana; Q1-Q3 | 1; 1-3 | 4; 2-9 | 20; 11-30 | 16; 9-27 | 5; 2-11 | 17; 9-28 |
| Degenza ospedaliera (giorni) Mediana; Q1-Q3 | 12; 6-21 | 17; 9-31 | 36; 22-52 | 26; 14-39 | 20; 10-34 | 30; 16-46 |
| Mortalità in TI N; % {CI 95%} | 473; 11.8% {10.8-12.8} | 225; 22.3% {19.8-25.0} | 35; 24.3% {17.6-32.1} | 79; 25.5% {20.7-30.7} | 260; 22.5% {20.2-25.1} | 114; 25.1% {21.2-29.4} |
| Mortalità ospedaliera N; % {CI 95%} | 658; 16.8% {15.6-18.0} | 270; 29.0% {26.1-32.1} | 40; 30.5% {22.8-39.2} | 92; 32.1% {26.7-37.8} | 310; 29.2% {26.5-32.1} | 132; 31.6% {27.1-36.3} |
| Gravità massima dell'infezione N; % († Mortalità in TI; ‡ Mortalità ospedaliera) | | | | | | |
| INFEZIONE SENZA SEPSI | 183; 18.9% († 9.3; ‡ 13.8) | 14; 9.8% († 0.0; ‡ 0.0) | 81; 27.1% († 16.0; ‡ 20.5) | 197; 17.7% († 8.6; ‡ 12.8) | 95; 21.5% († 13.7; ‡ 17.6) | 244; 55.2% († 22.1; ‡ 30.2) |
| SEPSI | 488; 50.3% († 16.4; ‡ 23.0) | 299; 30.8% († 41.1; ‡ 49.1) | 65; 45.5% († 32.3; ‡ 37.9) | 38; 12.7% († 57.9; ‡ 65.7) | 364; 32.7% († 39.6; ‡ 47.2) | 103; 23.3% († 41.7; ‡ 48.4) |
| SHOCK SETTICO | | | | | | |

Sono considerate come aderenti le sole TI con almeno 4 mesi di compilazione valida.

Pazienti ammessi

Pazienti ammessi (N): 5497

| Sesso | N | % |
|---------|------|------|
| Maschio | 3251 | 59.1 |
| Femmina | 2246 | 40.9 |
| Missing | 0 | |

| Eta (anni) | N | % |
|------------|------|------|
| <17 | 46 | 0.8 |
| 17-45 | 651 | 11.8 |
| 46-65 | 1340 | 24.4 |
| 66-75 | 1408 | 25.6 |
| >75 | 2052 | 37.3 |
| Missing | 0 | |

| Degenza pre TI (giorni) | N | % |
|-------------------------|------|---|
| Media | 4.5 | |
| DS | 12.4 | |
| Mediana | 1 | |
| Q1-Q3 | 0-3 | |
| Missing | 12 | |

| Provenienza (Reparto) | N | % |
|-----------------------|------|------|
| Reparto medico | 817 | 14.9 |
| Reparto chirurgico | 2439 | 44.6 |
| Pronto soccorso | 1512 | 27.7 |
| Altra TI | 577 | 10.6 |
| Terapia subintensiva | 121 | 2.2 |
| Neonatologia | 0 | 0.0 |
| Missing | 31 | |

| Trauma | N | % |
|---------|------|------|
| No | 4799 | 87.4 |
| Sì | 693 | 12.6 |
| Missing | 5 | |

| Stato chirurgico | N | % |
|-----------------------|------|------|
| Medico | 2759 | 50.2 |
| Chirurgico d'elezione | 1497 | 27.3 |
| Chirurgico d'urgenza | 1236 | 22.5 |
| Missing | 5 | |

| Motivo di ammissione | N | % |
|--------------------------------------|------|------|
| Monitoraggio/Svezzamento | 2608 | 47.5 |
| Ricovero per presidi o trattamenti | 0 | 0.0 |
| Trattamento intensivo | 2829 | 51.5 |
| Sedazione Palliativa | 44 | 0.8 |
| Accertamento morte/Prelievo d'organo | 9 | 0.2 |
| Missing | 7 | |

| Insufficienza neurologica | N | % |
|---------------------------|------|------|
| Nessuna | 3724 | 80.4 |
| Coma cerebrale | 649 | 14.0 |
| Coma metabolico | 134 | 2.9 |
| Coma postanossico | 107 | 2.3 |
| Coma tossico | 19 | 0.4 |
| Missing o non valutabile | 864 | |

| GCS (prime 24 ore) | N | % |
|--------------------|-------|---|
| Media | 12.1 | |
| DS | 4.5 | |
| Mediana | 15 | |
| Q1-Q3 | 11-15 | |
| Non valutabile | 622 | |
| Missing | 11 | |

| Insufficienza neurologica insorta | N | % |
|-----------------------------------|------|------|
| Nessuna | 5440 | 99.1 |
| Coma cerebrale | 22 | 0.4 |
| Coma metabolico | 17 | 0.3 |
| Coma postanossico | 8 | 0.1 |
| Missing | 10 | |

| Mortalità in TI | N | % |
|-----------------|------|------|
| Vivi | 4673 | 85.2 |
| Deceduti | 813 | 14.8 |
| Missing | 11 | |

| Mortalità ospedaliera * | N | % |
|-------------------------|------|------|
| Vivi | 4203 | 79.8 |
| Deceduti | 1061 | 20.2 |
| Missing | 33 | |

| Degenza in TI (giorni) | N | % |
|------------------------|-----|---|
| Media | 5.2 | |
| DS | 9.0 | |
| Mediana | 2 | |
| Q1-Q3 | 1-5 | |
| Missing | 11 | |

| Degenza ospedaliera (giorni) * | N | % |
|--------------------------------|------|---|
| Media | 19.3 | |
| DS | 20.8 | |
| Mediana | 13 | |
| Q1-Q3 | 7-25 | |
| Missing | 36 | |

Pazienti infetti (N=1464)

| Gravità massima dell'infezione | N | % |
|--------------------------------|-----|------|
| INFEZIONE SENZA SEPSI | 278 | 19.7 |
| SEPSI | 732 | 51.8 |
| SHOCK SETTICO | 402 | 28.5 |
| Missing | 52 | |

| Mortalità per gravità dell'inf. (%) | In TI | In H |
|-------------------------------------|-------|------|
| INFEZIONE SENZA SEPSI | 10.8 | 15.1 |
| SEPSI | 18.3 | 25.4 |
| SHOCK SETTICO | 41.3 | 48.9 |

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=5297).

Report nazionale (13 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Veneto]

Pazienti NON infetti

Pazienti NON infetti (N): 4023

| Sesso | N | % |
|---------|------|------|
| Maschio | 2326 | 57.8 |
| Femmina | 1697 | 42.2 |
| Missing | 0 | |

| Eta (anni) | N | % |
|------------|------|------|
| <17 | 37 | 0.9 |
| 17-45 | 505 | 12.6 |
| 46-65 | 943 | 23.4 |
| 66-75 | 1012 | 25.2 |
| >75 | 1526 | 37.9 |
| Missing | 0 | |

| Degenza pre TI (giorni) | N | % |
|-------------------------|-----|---|
| Media | 3.4 | |
| DS | 8.9 | |
| Mediana | 1 | |
| Q1-Q3 | 0-2 | |
| Missing | 6 | |

| Provenienza (Reparto) | N | % |
|-----------------------|------|------|
| Reparto medico | 416 | 10.4 |
| Reparto chirurgico | 2052 | 51.2 |
| Pronto soccorso | 1119 | 27.9 |
| Altra TI | 349 | 8.7 |
| Terapia subintensiva | 72 | 1.8 |
| Neonatologia | 0 | 0.0 |
| Missing | 15 | |

| Trauma | N | % |
|---------|------|------|
| No | 3434 | 85.4 |
| Sì | 589 | 14.6 |
| Missing | 0 | |

| Stato chirurgico | N | % |
|-----------------------|------|------|
| Medico | 1800 | 44.7 |
| Chirurgico d'elezione | 1440 | 35.8 |
| Chirurgico d'urgenza | 783 | 19.5 |
| Missing | 0 | |

| Motivo di ammissione | N | % |
|--------------------------------------|------|------|
| Monitoraggio/Svezzamento | 2352 | 58.5 |
| Ricovero per presidi o trattamenti | 0 | 0.0 |
| Trattamento intensivo | 1620 | 40.3 |
| Sedazione Palliativa | 42 | 1.0 |
| Accertamento morte/Prelievo d'organo | 8 | 0.2 |
| Missing | 1 | |

| Insufficienza neurologica | N | % |
|---------------------------|------|------|
| Nessuna | 2779 | 82.8 |
| Coma cerebrale | 404 | 12.0 |
| Coma metabolico | 76 | 2.3 |
| Coma postanossico | 80 | 2.4 |
| Coma tossico | 17 | 0.5 |
| Missing o non valutabile | 667 | |

| GCS (prime 24 ore) | N | % |
|--------------------|-------|---|
| Media | 12.6 | |
| DS | 4.3 | |
| Mediana | 15 | |
| Q1-Q3 | 13-15 | |
| Non valutabile | 432 | |
| Missing | 0 | |

| Insufficienza neurologica insorta | N | % |
|-----------------------------------|------|------|
| Nessuna | 3993 | 99.3 |
| Coma cerebrale | 14 | 0.3 |
| Coma metabolico | 11 | 0.3 |
| Coma postanossico | 5 | 0.1 |
| Missing | 0 | |

| Mortalità in TI | N | % |
|-----------------|------|------|
| Vivi | 3549 | 88.2 |
| Deceduti | 473 | 11.8 |
| Missing | 1 | |

| Mortalità ospedaliera * | N | % |
|-------------------------|------|------|
| Vivi | 3257 | 83.2 |
| Deceduti | 658 | 16.8 |
| Missing | 10 | |

| Degenza in TI (giorni) | N | % |
|------------------------|-----|---|
| Media | 3.0 | |
| DS | 4.5 | |
| Mediana | 1 | |
| Q1-Q3 | 1-3 | |
| Missing | 1 | |

| Degenza ospedaliera (giorni) * | N | % |
|--------------------------------|------|---|
| Media | 16.4 | |
| DS | 17.5 | |
| Mediana | 12 | |
| Q1-Q3 | 6-21 | |
| Missing | 12 | |

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=3925).

Pazienti infetti all'ammissione

Pazienti infetti all'ammissione (N): 1154

| Provenienza (Reparto) | N | % |
|-----------------------|-----|------|
| Reparto medico | 346 | 30.2 |
| Reparto chirurgico | 342 | 29.9 |
| Pronto soccorso | 300 | 26.2 |
| Altra TI | 119 | 10.4 |
| Terapia subintensiva | 37 | 3.2 |
| Neonatologia | 0 | 0.0 |
| Missing | 10 | |

| Trauma | N | % |
|---------|------|------|
| No | 1123 | 97.3 |
| Sì | 31 | 2.7 |
| Missing | 0 | |

| Stato chirurgico | N | % |
|-----------------------|-----|------|
| Medico | 759 | 65.8 |
| Chirurgico d'elezione | 44 | 3.8 |
| Chirurgico d'urgenza | 351 | 30.4 |
| Missing | 0 | |

| Motivo di ammissione | N | % |
|--------------------------------------|-----|------|
| Monitoraggio/Svezzamento | 220 | 19.1 |
| Ricovero per presidi o trattamenti | 0 | 0.0 |
| Trattamento intensivo | 931 | 80.7 |
| Sedazione Palliativa | 2 | 0.2 |
| Accertamento morte/Prelievo d'organo | 0 | 0.0 |
| Missing | 1 | |

| Infezioni all'ammissione (top 10) | N | % |
|---|-----|------|
| Polmonite | 323 | 28.0 |
| Peritonite secondaria NON chir. | 120 | 10.4 |
| Inf. basse vie respiratorie NON polmonite | 106 | 9.2 |
| Infezione vie urinarie NON post-chir. | 97 | 8.4 |
| Peritonite post-chirurgica | 75 | 6.5 |
| Colecistite/colangite | 68 | 5.9 |
| Infezione cute/tessuti molli NON chir. | 60 | 5.2 |
| Batteriemia primaria sconosciuta | 43 | 3.7 |
| Infezione del S.N.C. NON post-chirurgica | 39 | 3.4 |
| Sepsi clinica | 38 | 3.3 |
| Missing | 0 | |

| Infezioni multisito | N | % |
|---------------------|------|------|
| No | 1042 | 90.3 |
| Sì | 112 | 9.7 |
| Missing | 0 | |

| Gravità dell'infezione all'amm. | N | % |
|---------------------------------|-----|------|
| INFEZIONE SENZA SEPSI | 236 | 21.2 |
| SEPSI | 539 | 48.5 |
| SHOCK SETTICO | 337 | 30.3 |
| Missing | 42 | |

Pazienti con PERITONITE all'ammissione (N): 234

| Tipologia | N | % |
|---------------------------------|-----|------|
| Peritonite primaria | 34 | 14.5 |
| Peritonite secondaria NON chir. | 120 | 51.3 |
| Peritonite terziaria | 5 | 2.1 |
| Peritonite post-chirurgica | 75 | 32.1 |
| Missing | 0 | |

| Tipo di infezione | N | % |
|--------------------------------------|-----|------|
| Extraospedaliera | 114 | 48.7 |
| Ospedaliera (non in TI) | 119 | 50.9 |
| Acquisita in altra Terapia Intensiva | 1 | 0.4 |
| Missing | 0 | |

| Batteriemia | N | % |
|-------------|-----|------|
| No | 202 | 86.3 |
| Sì | 32 | 13.7 |
| Missing | 0 | |

| Infezioni multisito | N | % |
|---------------------|-----|------|
| No | 208 | 88.9 |
| Sì | 26 | 11.1 |
| Missing | 0 | |

| Gravità dell'infezione all'amm. ° | N | % |
|-----------------------------------|----|------|
| INFEZIONE SENZA SEPSI | 26 | 12.5 |
| SEPSI | 89 | 42.8 |
| SHOCK SETTICO | 93 | 44.7 |
| Missing | 0 | |

| Mortalità in TI | N | % |
|-----------------|-----|------|
| Vivi | 183 | 78.2 |
| Deceduti | 51 | 21.8 |
| Missing | 0 | |

| Mortalità ospedaliera * | N | % |
|-------------------------|-----|------|
| Vivi | 142 | 68.9 |
| Deceduti | 64 | 31.1 |
| Missing | 1 | |

| Degenza in TI (giorni) | |
|------------------------|------------|
| Media (DS) | 8.2 (10.9) |
| Mediana (Q1-Q3) | 4 (1.2-10) |
| Missing | 0 |

| Degenza ospedaliera (giorni) * | |
|--------------------------------|-------------|
| Media (DS) | 27.5 (24.1) |
| Mediana (Q1-Q3) | 22 (13-35) |
| Missing | 1 |

° Statistiche calcolate escludendo i pazienti con infezioni multiple (N=208).

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=207).

Report nazionale (13 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Veneto]

Pazienti infetti all'ammissione

Pazienti con POLMONITE all'ammissione (N): 323

| Trauma | N | % |
|---------|-----|------|
| No | 313 | 96.9 |
| Sì | 10 | 3.1 |
| Missing | 0 | |

| Stato chirurgico | N | % |
|-----------------------|-----|------|
| Medico | 302 | 93.5 |
| Chirurgico d'elezione | 6 | 1.9 |
| Chirurgico d'urgenza | 15 | 4.6 |
| Missing | 0 | |

| Tipo di infezione | N | % |
|--------------------------------------|-----|------|
| Extraospedaliera | 211 | 65.7 |
| Ospedaliera (non in TI) | 93 | 29.0 |
| Acquisita in altra Terapia Intensiva | 17 | 5.3 |
| Missing | 2 | |

| Batteriemica | N | % |
|--------------|-----|------|
| No | 246 | 76.6 |
| Sì | 75 | 23.4 |
| Missing | 2 | |

| Infezioni multisito | N | % |
|---------------------|-----|------|
| No | 282 | 87.3 |
| Sì | 41 | 12.7 |
| Missing | 0 | |

| Gravità dell'infezione all'amm. ° | N | % |
|-----------------------------------|-----|------|
| INFEZIONE SENZA SEPSI | 55 | 19.5 |
| SEPSI | 156 | 55.3 |
| SHOCK SETTICO | 71 | 25.2 |
| Missing | 0 | |

| Mortalità in TI | N | % |
|-----------------|-----|------|
| Vivi | 224 | 69.6 |
| Deceduti | 98 | 30.4 |
| Missing | 1 | |

| Mortalità ospedaliera * | N | % |
|-------------------------|-----|------|
| Vivi | 196 | 63.4 |
| Deceduti | 113 | 36.6 |
| Missing | 2 | |

| Degenza in TI (giorni) | | |
|------------------------|------|--------|
| Media (DS) | 11.0 | (12.1) |
| Mediana (Q1-Q3) | 7 | (3-14) |
| Missing | 1 | |

| Degenza ospedaliera (giorni) * | | |
|--------------------------------|------|--------|
| Media (DS) | 25.4 | (25.2) |
| Mediana (Q1-Q3) | 18 | (8-33) |
| Missing | 2 | |

° Statistiche calcolate escludendo i pazienti con infezioni multiple (N=282).

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=311).

Report nazionale (13 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Veneto]

Pazienti infetti all'ammissione

| Infezioni con microrganismi isolati | Tutte le infezioni | | Polmoniti (TOTALI) | | Polmoniti (H/altra TI) | |
|--|--------------------|------|--------------------|------|------------------------|------|
| | N | % | N | % | N | % |
| No | 393 | 35.3 | 118 | 36.8 | 36 | 32.7 |
| Sì | 719 | 64.7 | 203 | 63.2 | 74 | 67.3 |
| Numero totale di microrganismi isolati | 899 | | 273 | | 113 | |
| Missing | 42 | | 2 | | 0 | |

| Microorganismi responsabili isolati (MDR) *** | MDR | | | MDR | | | MDR | | |
|--|-----|---------------------|-------------|-----|---------------------|-------------|-----|--------------------|-------------|
| | N | % su isolati, N=719 | % su gruppo | N | % su isolati, N=203 | % su gruppo | N | % su isolati, N=74 | % su gruppo |
| Batteri | | | | | | | | | |
| Gram + | | | | | | | | | |
| Staphylococcus | 281 | 39.1 | 25.6 | 85 | 41.9 | 16.8 | 24 | 32.4 | 33.3 |
| Staphylococcus Aureus (MRSA) | 137 | 19.1 | | 37 | 18.2 | | 22 | 29.7 | |
| S. coagulasi negativo (meticillina resistente) | 80 | 11.1 | 40.0 | 30 | 14.8 | 30.0 | 17 | 23.0 | 23.5 |
| Streptococcus | 57 | 7.9 | 54.4 | 6 | 3.0 | 83.3 | 5 | 6.8 | 80.0 |
| Pneumococcus (resistente alla penicillina) | 78 | 10.8 | | 47 | 23.2 | | 2 | 2.7 | |
| Enterococcus | 59 | 8.2 | 3.4 | 45 | 22.2 | 4.4 | 2 | 2.7 | 0.0 |
| E. faecalis (vancomicina resistente) | 70 | 9.7 | | 2 | 1.0 | | 1 | 1.4 | |
| E. faecium (vancomicina resistente) | 41 | 5.7 | 2.4 | 0 | 0.0 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Clostridium difficile | 27 | 3.8 | 25.9 | 2 | 1.0 | | 1 | 1.4 | 0.0 |
| Gram - | 8 | 1.1 | | 1 | 0.5 | | 0 | 0.0 | |
| Klebsiella (prod. ESBL) | 406 | 56.5 | 26.6 | 99 | 48.8 | 29.3 | 50 | 67.6 | 40.0 |
| Enterobacter (prod. ESBL) | 81 | 11.3 | 28.4 | 17 | 8.4 | 23.5 | 10 | 13.5 | 20.0 |
| Serratia (prod. ESBL) | 36 | 5.0 | 19.4 | 10 | 4.9 | 20.0 | 7 | 9.5 | 0.0 |
| Pseudomonas aer. | 20 | 2.8 | 15.0 | 5 | 2.5 | 0.0 | 5 | 6.8 | 0.0 |
| MDR pseudomonas aer. sensibile a carbapenemi | 77 | 10.7 | | 33 | 16.3 | | 21 | 28.4 | |
| MDR pseudomonas aer. resistente anche a carbapenemi | | | | | | | | | |
| Escherichia coli (prod. ESBL) | 184 | 25.6 | 14.3 | 20 | 9.9 | 10.0 | 8 | 10.8 | 25.0 |
| Proteus (prod. ESBL) | 11 | 1.5 | 18.2 | 1 | 0.5 | 0.0 | 1 | 1.4 | 0.0 |
| Acinetobacter (resistente ai carbapenemi) | 14 | 1.9 | 71.4 | 6 | 3.0 | 50.0 | 5 | 6.8 | 60.0 |
| Stenotrophomonas | | | 100.0 | | | 100.0 | | | 100.0 |
| Haemophilus influenzae | 18 | 2.5 | | 11 | 5.4 | | 3 | 4.1 | |
| Legionella | 9 | 1.3 | | 11 | 5.4 | | 0 | 0.0 | |
| Citrobacter (prod. ESBL) | 6 | 0.8 | 16.7 | 2 | 1.0 | 0.0 | 1 | 1.4 | 0.0 |
| Neisseria meningitidis | 1 | 0.1 | | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Funghi | | | | | | | | | |
| Candida | 47 | 6.5 | | 17 | 8.4 | | 8 | 10.8 | |
| Candida albicans (resistente agli azolici) | 36 | 5.0 | 5.6 | 15 | 7.4 | 13.3 | 8 | 10.8 | 25.0 |
| Candida non albicans (resistente agli azolici) | 10 | 1.4 | 10.0 | 3 | 1.5 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Aspergillus sp. | 8 | 1.1 | | 7 | 3.4 | | 3 | 4.1 | |
| Pneumocistis carinii | 4 | 0.6 | | 4 | 2.0 | | 1 | 1.4 | |
| Virus | 32 | 4.5 | | 19 | 9.4 | | 6 | 8.1 | |
| Altro | | | | | | | | | |
| Mycobatteri | 4 | 0.6 | | 4 | 2.0 | | 1 | 1.4 | |
| Mycobatteri (polmoniti atipiche) | 2 | 0.3 | | 1 | 0.5 | | 0 | 0.0 | |
| Altro | 33 | 4.6 | | 9 | 4.4 | | 2 | 2.7 | |
| Totale | | | 24.1 | | | 21.2 | | | 36.5 |
| Totale (escluso s. coagulasi negativo meticillina resistente) | | | 20.4 | | | 19.7 | | | 32.4 |
| | | | 173 | | 43 | | | | 27 |
| | | | 147 | | 40 | | | | 24 |

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Report nazionale (13 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Veneto]

Pazienti infetti all'ammissione

| Infezioni con microrganismi isolati | Tutte le infezioni | | Polmoniti (TOTALI) | | Polmoniti (H/altra TI) | |
|--|--------------------|------|--------------------|------|------------------------|------|
| | N | % | N | % | N | % |
| No | 393 | 35.3 | 118 | 36.8 | 36 | 32.7 |
| Si | 719 | 64.7 | 203 | 63.2 | 74 | 67.3 |
| Numero totale di microrganismi isolati | 899 | | 273 | | 113 | |
| Missing | 42 | | 2 | | 0 | |

| Microrganismi responsabili isolati (MDR) *** | N | % su gruppo | % su isolati, N=719 | N | % su gruppo | % su isolati, N=203 | N | % su gruppo | % su isolati, N=74 |
|---|------------|-------------|------------------------|-----------|-------------|------------------------|-----------|-------------|-----------------------|
| Gram - | | | | | | | | | |
| <i>Klebsiella</i> | 81 | | 11.3 | 17 | | 8.4 | 10 | | 13.5 |
| Klebsiella prod. ESBL | 23 | 28.4* | 3.2 | 4 | 23.5* | 2.0 | 2 | 20.0* | 2.7 |
| Klebsiella res. carb. | 12 | 15.0* | 1.7 | 3 | 17.6* | 1.5 | 2 | 20.0* | 2.7 |
| Klebsiella res. Colistina | 1 | 8.3° | 0.1 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Klebsiella res. Tigeciclina | 6 | 54.5° | 0.8 | 1 | 50.0° | 0.5 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Klebsiella res. Gentamicina | 4 | 33.3° | 0.6 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Klebsiella res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Enterobacter</i> | 36 | | 5.0 | 10 | | 4.9 | 7 | | 9.5 |
| Enterobacter prod. ESBL | 7 | 19.4* | 1.0 | 2 | 20.0* | 1.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Enterobacter res. carb. | 1 | 2.8* | 0.1 | 1 | 10.0* | 0.5 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Enterobacter res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Enterobacter res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Enterobacter res. Gentamicina | 1 | 100.0° | 0.1 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Enterobacter res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Serratia</i> | 20 | | 2.8 | 5 | | 2.5 | 5 | | 6.8 |
| Serratia prod. ESBL | 3 | 15.0* | 0.4 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Serratia res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Serratia res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Serratia res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Serratia res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Serratia res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Pseudomonas aer.</i> | 77 | | 10.7 | 33 | | 16.3 | 21 | | 28.4 |
| Pseudomonas aer. res. carb. | 11 | 14.3* | 1.5 | 5 | 15.2* | 2.5 | 3 | 14.3* | 4.1 |
| Pseudomonas res. Colistina | 1 | 10.0° | 0.1 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Escherichia Coli</i> | 184 | | 25.6 | 20 | | 9.9 | 8 | | 10.8 |
| Escherichia Coli prod. ESBL | 31 | 16.8* | 4.3 | 2 | 10.0* | 1.0 | 2 | 25.0* | 2.7 |
| Escherichia Coli res. carb. | 1 | 0.5* | 0.1 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Escherichia Coli res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Escherichia Coli res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Escherichia Coli res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Escherichia Coli res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Proteus</i> | 11 | | 1.5 | 1 | | 0.5 | 1 | | 1.4 |
| Proteus prod. ESBL | 2 | 18.2* | 0.3 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Proteus res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Proteus res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Proteus res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Proteus res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Proteus res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Citrobacter</i> | 6 | | 0.8 | 2 | | 1.0 | 1 | | 1.4 |
| Citrobacter prod. ESBL | 1 | 16.7* | 0.1 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Citrobacter res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Citrobacter res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Citrobacter res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Citrobacter res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Citrobacter res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Acinetobacter</i> | 14 | | 1.9 | 6 | | 3.0 | 5 | | 6.8 |
| Acinetobacter res. carb. | 10 | 71.4* | 1.4 | 3 | 50.0* | 1.5 | 3 | 60.0* | 4.1 |
| Acinetobacter res. Colistina | 2 | 22.2° | 0.3 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Acinetobacter res. Tigeciclina | 3 | 37.5° | 0.4 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Acinetobacter res. Col+Tig | 2 | 22.2° | 0.3 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |

* % calcolata sul numero di microrganismi dello stesso tipo.

°% calcolata sul numero di microrganismi resistenti ai carbapenemi dello stesso tipo. La % è calcolata sui soli microrganismi di cui è stata testata la resistenza.

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Pazienti infetti in degenza

Pazienti infetti in degenza (N): 454

| Sesso | N | % |
|---------|-----|------|
| Maschio | 301 | 66.3 |
| Femmina | 153 | 33.7 |
| Missing | 0 | |

| Eta (anni) | N | % |
|------------|-----|------|
| <17 | 1 | 0.2 |
| 17-45 | 53 | 11.7 |
| 46-65 | 127 | 28.0 |
| 66-75 | 130 | 28.6 |
| >75 | 143 | 31.5 |
| Missing | 0 | |

| Degenza pre TI (giorni) | N | % |
|-------------------------|-------|---|
| Media | 7.1 | |
| DS | 13.6 | |
| Mediana | 1 | |
| Q1-Q3 | 0-7.8 | |
| Missing | 0 | |

| Provenienza (Reparto) | N | % |
|-----------------------|-----|------|
| Reparto medico | 102 | 22.5 |
| Reparto chirurgico | 80 | 17.7 |
| Pronto soccorso | 114 | 25.2 |
| Altra TI | 141 | 31.1 |
| Terapia subintensiva | 16 | 3.5 |
| Neonatologia | 0 | 0.0 |
| Missing | 1 | |

| Trauma | N | % |
|---------|-----|------|
| No | 374 | 82.4 |
| Sì | 80 | 17.6 |
| Missing | 0 | |

| Stato chirurgico | N | % |
|-----------------------|-----|------|
| Medico | 288 | 63.4 |
| Chirurgico d'elezione | 17 | 3.7 |
| Chirurgico d'urgenza | 149 | 32.8 |
| Missing | 0 | |

| Motivo di ammissione | N | % |
|--------------------------------------|-----|------|
| Monitoraggio/Svezzamento | 50 | 11.0 |
| Ricovero per presidi o trattamenti | 0 | 0.0 |
| Tattamento intensivo | 403 | 88.8 |
| Sedazione Palliativa | 0 | 0.0 |
| Accertamento morte/Prelievo d'organo | 1 | 0.2 |
| Missing | 0 | |

| Insufficienza neurologica | N | % |
|---------------------------|-----|------|
| Nessuna | 191 | 48.1 |
| Coma cerebrale | 169 | 42.6 |
| Coma metabolico | 24 | 6.0 |
| Coma postanossico | 12 | 3.0 |
| Coma tossico | 1 | 0.3 |
| Missing o non valutabile | 57 | |

| GCS (prime 24 ore) | N | % |
|--------------------|------|---|
| Media | 7.5 | |
| DS | 5.2 | |
| Mediana | 3 | |
| Q1-Q3 | 3-14 | |
| Non valutabile | 60 | |
| Missing | 0 | |

| Insufficienza neurologica insorta | N | % |
|-----------------------------------|-----|------|
| Nessuna | 449 | 98.9 |
| Coma cerebrale | 3 | 0.7 |
| Coma metabolico | 1 | 0.2 |
| Coma postanossico | 1 | 0.2 |
| Missing | 0 | |

| Mortalità in TI | N | % |
|-----------------|-----|------|
| Vivi | 340 | 74.9 |
| Deceduti | 114 | 25.1 |
| Missing | 0 | |

| Mortalità ospedaliera * | N | % |
|-------------------------|-----|------|
| Vivi | 286 | 68.4 |
| Deceduti | 132 | 31.6 |
| Missing | 4 | |

| Degenza in TI (giorni) | N | % |
|------------------------|--------|---|
| Media | 20.5 | |
| DS | 18.0 | |
| Mediana | 17 | |
| Q1-Q3 | 9-27.8 | |
| Missing | 0 | |

| Degenza ospedaliera (giorni) * | N | % |
|--------------------------------|-------|---|
| Media | 35.2 | |
| DS | 29.7 | |
| Mediana | 30 | |
| Q1-Q3 | 16-46 | |
| Missing | 4 | |

Pazienti infetti SOLO in degenza (N=310)

| Gravità massima dell'infezione | N | % |
|--------------------------------|-----|------|
| INFEZIONE SENZA SEPSI | 81 | 27.1 |
| SEPSI | 180 | 60.2 |
| SHOCK SETTICO | 38 | 12.7 |
| Missing | 11 | |

| Mortalità per gravità dell'inf. (%) | In TI | In H |
|-------------------------------------|-------|------|
| INFEZIONE SENZA SEPSI | 16.0 | 20.5 |
| SEPSI | 22.2 | 30.1 |
| SHOCK SETTICO | 57.9 | 65.7 |

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=427).

Report nazionale (13 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Veneto]**Pazienti infetti in degenza**

| Infezioni in degenza (top 10) | N | % |
|---|-----|------|
| Inf. basse vie respiratorie NON polmonite | 220 | 48.5 |
| Batteriemia da catetere (CR-BSI) | 116 | 25.6 |
| Infezione vie urinarie NON post-chir. | 83 | 18.3 |
| Polmonite | 61 | 13.4 |
| Batteriemia primaria sconosciuta | 40 | 8.8 |
| Altra infezione fungina | 40 | 8.8 |
| Infezione cute/tessuti molli post-chir. | 24 | 5.3 |
| Infezione cute/tessuti molli NON chir. | 19 | 4.2 |
| Altra infezione virale | 15 | 3.3 |
| Peritonite post-chirurgica | 12 | 2.6 |
| Missing | 0 | |

| Infezioni multisito | N | % |
|----------------------------|-----|------|
| No | 306 | 67.4 |
| Sì | 148 | 32.6 |
| Missing | 0 | |

Infezioni in degenza

| | |
|--|-----|
| Numero totale di episodi infettivi* | 704 |
| Numero totale di microrganismi isolati | 759 |

Giorni per contrarre infezione

| | |
|---------|------|
| Media | 6.2 |
| DS | 10.7 |
| Mediana | 4 |
| Q1–Q3 | 1–8 |
| Missing | 0 |

Incidenza di infezioni in degenza (1)*(Paz. infetti in degenza/1000 gg. pre-infezione)*

| | |
|----------|-----------|
| Stima | 20.1 |
| CI (95%) | 18.2–22.0 |

Incidenza di infezioni in degenza (2)*(Paz. infetti in degenza/paz. ricoverati per 7 gg.)*

| | |
|----------|-----------|
| Stima | 14.1% |
| CI (95%) | 12.8–15.4 |

L'incidenza di infezioni in TI, completata dall'intervallo di confidenza al 95%, è calcolata con le formule seguenti:

$$\text{Incidenza infezioni in degenza} = \frac{\text{Numero di pazienti con infezione in degenza}}{(\text{Giornate di degenza pre - infezione})} \times 1000 \quad (1)$$

$$\text{Incidenza infezioni in degenza} = \frac{\text{Numero di pazienti con infezione in degenza}}{(\text{Giornate di degenza pre - infezione})/7} \times 100 \quad (2)$$

dove la variabile *Giornate di degenza pre-infezione* è pari alla somma, per tutti i pazienti ammessi in TI, delle giornate di degenza sino all'insorgenza dell'infezione o alla dimissione del paziente. E' quindi pari alla degenza totale se il paziente non sviluppa infezione mentre è pari alla differenza tra data di insorgenza dell'infezione e la data di ingresso in TI se il paziente è infetto. Il secondo tasso è una rielaborazione del primo e risponde alla domanda: 'Su 100 pazienti ricoverati per 7 giorni in TI, quanti sviluppano infezione in degenza?'.

* Non sono considerati gli episodi multipli nella stessa sede.

Report nazionale (13 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Veneto]

Pazienti infetti in degenza

| Episodi con microrganismi isolati | Pazienti infetti solo in degenza | | Pazienti infetti sia all'am. che in deg. | |
|--|----------------------------------|------|--|------|
| | N | % | N | % |
| No | 36 | 7.6 | 29 | 12.6 |
| Sì | 437 | 92.4 | 202 | 87.4 |
| Numero totale di microrganismi isolati | 517 | | 242 | |
| Missing | 0 | | 0 | |

| Microorganismi responsabili isolati (MDR) *** | MDR | | | MDR | | |
|--|------------|---------------------|-------------|------------|---------------------|-------------|
| | N | % su isolati, N=437 | % su gruppo | N | % su isolati, N=202 | % su gruppo |
| Batteri | | | | | | |
| Gram + | 154 | 35.2 | 24.0 | 67 | 33.2 | 38.8 |
| Staphylococcus | 123 | 28.1 | | 40 | 19.8 | |
| Staphylococcus Aureus (MRSA) | 64 | 14.6 | 21.9 | 14 | 6.9 | 42.9 |
| S. coagulans negativo (metlicillina resistente) | 58 | 13.3 | 39.7 | 25 | 12.4 | 68.0 |
| Streptococcus | 11 | 2.5 | | 8 | 4.0 | |
| Pneumococcus (resistente alla penicillina) | 6 | 1.4 | 0.0 | 5 | 2.5 | 0.0 |
| Enterococcus | 26 | 5.9 | | 21 | 10.4 | |
| E. faecalis (vancomicina resistente) | 20 | 4.6 | 0.0 | 11 | 5.4 | 0.0 |
| E. faecium (vancomicina resistente) | 6 | 1.4 | 0.0 | 10 | 5.0 | 30.0 |
| Clostridium difficile | 2 | 0.5 | | 2 | 1.0 | |
| Gram - | 274 | 62.7 | 16.8 | 104 | 51.5 | 28.8 |
| Klebsiella (prod. ESBL) | 69 | 15.8 | 10.1 | 28 | 13.9 | 42.9 |
| Enterobacter (prod. ESBL) | 35 | 8.0 | 2.9 | 12 | 5.9 | 0.0 |
| Serratia (prod. ESBL) | 10 | 2.3 | 0.0 | 3 | 1.5 | 0.0 |
| Pseudomonas aer. | 86 | 19.7 | | 27 | 13.4 | |
| MDR pseudomonas aer. sensibile a carbapenemi | | | 19.8 | | | 25.9 |
| MDR pseudomonas aer. resistente anche a carbapenemi | | | 5.8 | | | 7.4 |
| Escherichia coli (prod. ESBL) | 52 | 11.9 | 11.5 | 32 | 15.8 | 12.5 |
| Proteus (prod. ESBL) | 9 | 2.1 | 0.0 | 4 | 2.0 | 0.0 |
| Acinetobacter (resistente ai carbapenemi) | 10 | 2.3 | 50.0 | 5 | 2.5 | 60.0 |
| Stenotrophomonas | | | 100.0 | | | 100.0 |
| Haemophilus influenzae | 11 | 2.5 | | 4 | 2.0 | |
| Legionella | 1 | 0.2 | | 0 | 0.0 | |
| Citrobacter (prod. ESBL) | 7 | 1.6 | 0.0 | 1 | 0.5 | 0.0 |
| Neisseria meningitidis | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Funghi | | | | | | |
| Candida | 43 | 9.8 | | 34 | 16.8 | |
| Candida albicans (resistente agli azolici) | 35 | 8.0 | 0.0 | 27 | 13.4 | 0.0 |
| Candida non albicans (resistente agli azolici) | 7 | 1.6 | 14.3 | 8 | 4.0 | 12.5 |
| Aspergillus sp. | 0 | 0.0 | | 2 | 1.0 | |
| Pneumocistis carinii | 0 | 0.0 | | 2 | 1.0 | |
| Virus | 5 | 1.1 | | 9 | 4.5 | |
| Altro | | | | | | |
| Mycobatteri | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Mycobatteri (polmoniti atipiche) | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Altro | 5 | 1.1 | | 4 | 2.0 | |
| Totale | | | 19.2 | | | 27.7 |
| Totale (escluso s. coagulans negativo metilicillina resistente) | | | 14.0 | | | 19.3 |

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Report nazionale (13 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Veneto]

Pazienti infetti in degenza

| Episodi con microrganismi isolati | Pazienti infetti solo in degenza | | Pazienti infetti sia all'amm. che in deg. | |
|--|----------------------------------|------|---|------|
| | No | Si | N | % |
| | 36 | 437 | 29 | 202 |
| | 7.6 | 92.4 | 12.6 | 87.4 |
| Numero totale di microrganismi isolati | 517 | | 242 | |
| Missing | 0 | | 0 | |

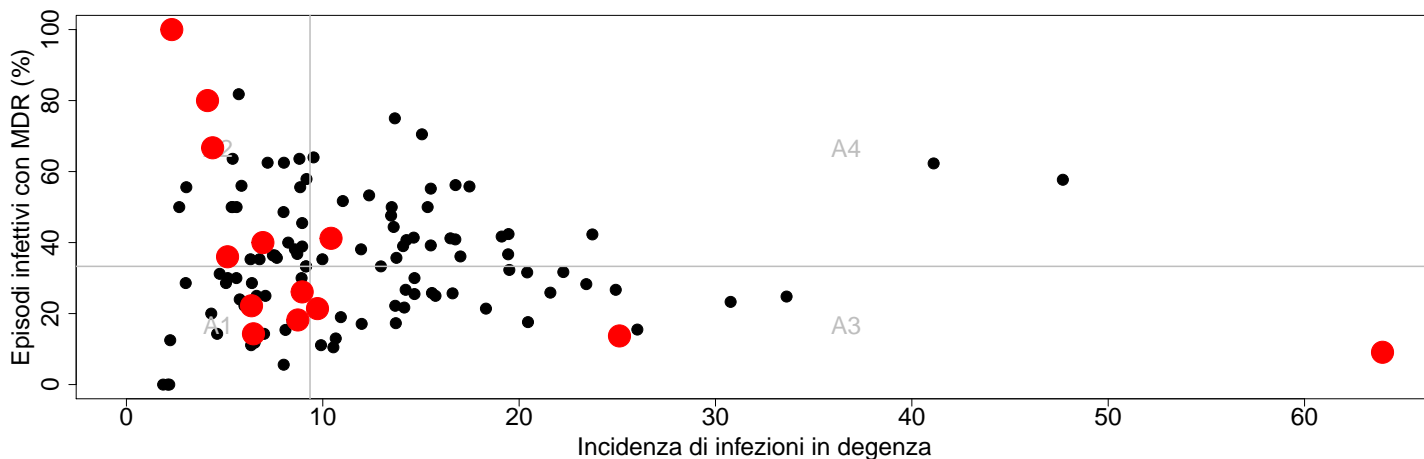
| Microrganismi responsabili isolati (MDR) *** | N | % su gruppo | % su isolati, N=437 | N | % su gruppo | % su isolati, N=202 |
|--|-----------|-------------|---------------------|-----------|-------------|---------------------|
| Gram - | | | | | | |
| <i>Klebsiella</i> | 69 | | 15.8 | 28 | | 13.9 |
| Klebsiella prod. ESBL | 7 | 10.1* | 1.6 | 12 | 42.9* | 5.9 |
| Klebsiella res. carb. | 5 | 7.2* | 1.1 | 10 | 35.7* | 5.0 |
| Klebsiella res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Klebsiella res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 2 | 22.2° | 1.0 |
| Klebsiella res. Gentamicina | 1 | 20.0° | 0.2 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Klebsiella res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Enterobacter</i> | 35 | | 8.0 | 12 | | 5.9 |
| Enterobacter prod. ESBL | 1 | 2.9* | 0.2 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Enterobacter res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Enterobacter res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Enterobacter res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Enterobacter res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Enterobacter res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Serratia</i> | 10 | | 2.3 | 3 | | 1.5 |
| Serratia prod. ESBL | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Serratia res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Serratia res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Serratia res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Serratia res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Serratia res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Pseudomonas aer.</i> | 86 | | 19.7 | 27 | | 13.4 |
| Pseudomonas aer. res. carb. | 5 | 5.8* | 1.1 | 2 | 7.4* | 1.0 |
| Pseudomonas res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Escherichia Coli</i> | 52 | | 11.9 | 32 | | 15.8 |
| Escherichia Coli prod. ESBL | 6 | 11.5* | 1.4 | 4 | 12.5* | 2.0 |
| Escherichia Coli res. carb. | 1 | 1.9* | 0.2 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Escherichia Coli res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Escherichia Coli res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Escherichia Coli res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Escherichia Coli res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Proteus</i> | 9 | | 2.1 | 4 | | 2.0 |
| Proteus prod. ESBL | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Proteus res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Proteus res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Proteus res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Proteus res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Proteus res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Citrobacter</i> | 7 | | 1.6 | 1 | | 0.5 |
| Citrobacter prod. ESBL | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Citrobacter res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Citrobacter res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Citrobacter res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Citrobacter res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Citrobacter res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Acinetobacter</i> | 10 | | 2.3 | 5 | | 2.5 |
| Acinetobacter res. carb. | 5 | 50.0* | 1.1 | 3 | 60.0* | 1.5 |
| Acinetobacter res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 1 | 50.0° | 0.5 |
| Acinetobacter res. Tigeciclina | 2 | 40.0° | 0.5 | 1 | 50.0° | 0.5 |
| Acinetobacter res. Col+Tig | 0 | 0.0° | 0.0 | 1 | 50.0° | 0.5 |

* % calcolata sul numero di microrganismi dello stesso tipo.

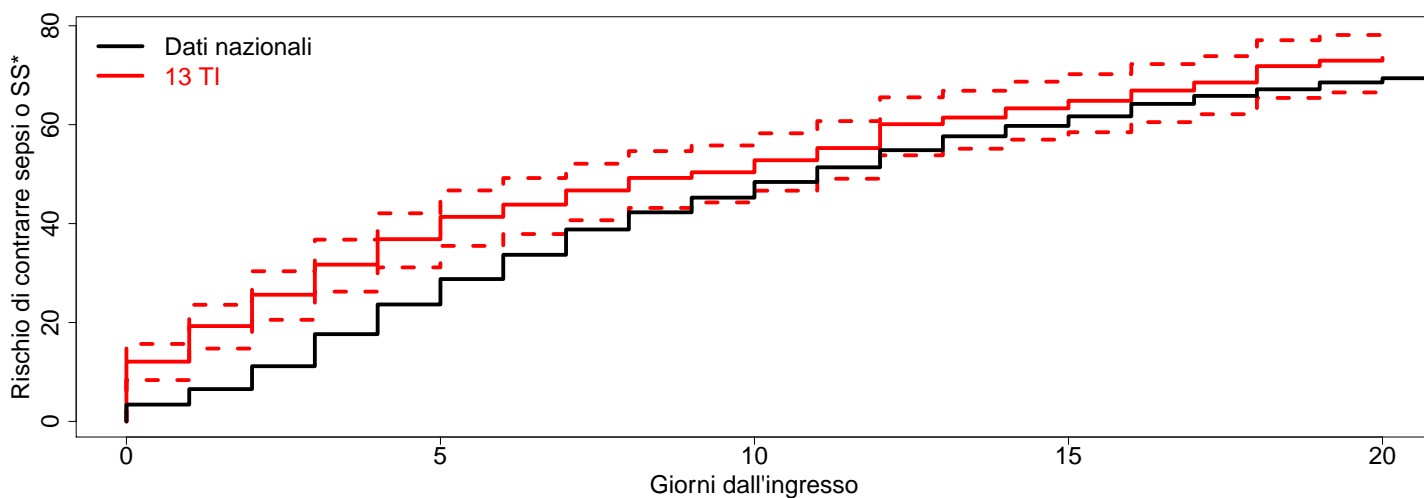
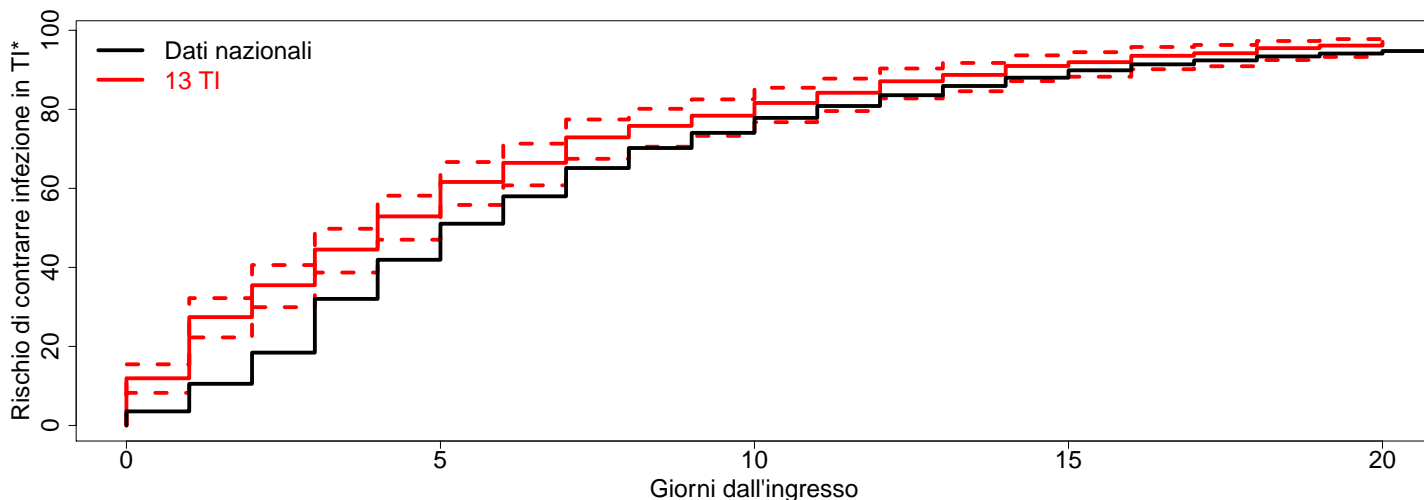
°% calcolata sul numero di microrganismi resistenti ai carbapenemi dello stesso tipo. La % è calcolata sui soli microrganismi di cui è stata testata la resistenza.

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Pazienti infetti in degenza



Il grafico sovrastante incrocia le variabili *Incidenza di infezioni in degenza* e *Percentuale di infezioni multiresistenti* (ad esclusione del germe *S. Coagulasi negativo meticillina resistente*). La nuvola nera di punti racchiude i dati delle TI nazionali. 2 linee grigie intersecano il grafico in corrispondenza dei valori mediani nazionali e delineano 4 aree. L'area **A1** identifica i centri che sembrano praticare un'efficace prevenzione delle infezioni e una buona gestione dell'antibiotico terapia. Per contro a cadere nell'area **A4** sono i centri che, osservando un'elevata incidenza di infezioni in degenza ed un'alta percentuale di multiresistenze, paiono non riuscire a controllare efficacemente i fenomeni. E' bene sottolineare che ad influire notevolmente su tali statistiche sono i case-mix delle TI. E' pertanto importante valutare con estrema cautela tale grafico e quella appena fornita è solo una delle tante possibili chiavi di lettura.



I due grafici sovrastanti mostrano le curve di rischio di contrarre infezione e sepsi/shock settico in TI all'aumentare dei giorni trascorsi in reparto. Come è logico, il rischio aumenta all'aumentare della degenza del paziente. Per esempio, la probabilità di aver contratto un'infezione in TI è pari al 78% alla decima giornata di degenza. Tale probabilità sfiora il 95% se il paziente rimane ricoverato per almeno 20 giorni (dati nazionali). Entrambi i grafici sono 'troncati' alla ventesima giornata di degenza poichè le stime successive, basate sui pochi pazienti con degenza superiore a 20 giorni, sarebbero risultate instabili. Le linee tratteggiate delineano l'intervallo di confidenza al 95% delle stime.

* Pazienti non infetti all'ammissione (N=4333).

Report nazionale (13 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Veneto]

Pazienti infetti in degenza

Pazienti con POLMONITE in degenza (N): 61

| Trauma | N | % |
|---------|----|------|
| No | 52 | 85.2 |
| Sì | 9 | 14.8 |
| Missing | 0 | |

| Stato chirurgico | N | % |
|-----------------------|----|------|
| Medico | 48 | 78.7 |
| Chirurgico d'elezione | 4 | 6.6 |
| Chirurgico d'urgenza | 9 | 14.8 |
| Missing | 0 | |

| Batteriemica | N | % |
|--------------|----|------|
| No | 47 | 77.0 |
| Sì | 14 | 23.0 |
| Missing | 0 | |

| Infezioni multisito | N | % |
|---------------------|----|------|
| No | 52 | 85.2 |
| Sì | 9 | 14.8 |
| Missing | 0 | |

| Nuovi episodi oltre il primo | N | % |
|------------------------------|----|------|
| No | 45 | 73.8 |
| Sì | 16 | 26.2 |
| Missing | 0 | |

| Polmonite associata a ventilazione (VAP) ° | N | % |
|--|----|------|
| No | 15 | 24.6 |
| Sì | 46 | 75.4 |
| Missing | 0 | |

° VAP: polmonite associata a ventilazione invasiva (polmonite con esordio successivo al 2° giorno di ventilazione o sviluppata entro i due giorni dal termine della ventilazione).

Pazienti con VAP in degenza (N): 46

| VAP precoce | N | % |
|-------------|----|------|
| No | 15 | 32.6 |
| Sì | 31 | 67.4 |
| Missing | 0 | |

| Diagnosi | N | % |
|-------------------|----|------|
| Possibile | 28 | 60.9 |
| Probabile - certa | 18 | 39.1 |
| Missing | 0 | |

Criteri diagnostici microbiologici

| | N | % |
|---|----|------|
| Probabile - certa: Sierologia/tecniche di biologia molecolare/antigeni urinari (legionella, ecc) | 0 | 0.0 |
| Probabile - certa: Campione distale non protetto (bal non broncoscopico) quantitativo | 1 | 2.2 |
| Possibile: Campione distale non protetto (bal non broncoscopico) qualitativo | 0 | 0.0 |
| Possibile: Campione distale protetto qualitativo (bal, psb) | 6 | 13.0 |
| Probabile - certa: Campione distale protetto quantitativo (bal, psb) | 3 | 6.5 |
| Probabile - certa: Aspirato tracheale quantitativo ≥ 10 alla 5a cfu/ml | 13 | 28.3 |
| Probabile - certa: Aspirato tracheale qualitativo + emocoltura e/o liquido pleurico concordati | 2 | 4.3 |
| Possibile: Aspirato tracheale qualitativo | 15 | 32.6 |
| Possibile: Agente eziologico NON ricercato o NON isolato | 6 | 13.0 |
| Missing | 0 | |

Fattori di rischio (N=5497)

| Ventilazione invasiva | N | % |
|--------------------------|------|------|
| No | 1995 | 36.3 |
| Sì | 3496 | 63.7 |
| Iniziata il primo giorno | 3311 | 60.2 |
| Missing | 6 | |

Durata (giorni)

| | |
|-----------------|-----------|
| Media (DS) | 4.3 (7.9) |
| Mediana (Q1-Q3) | 1 (1-4) |
| Missing | 4 |

Durata/degenza in TI (%)

| | |
|-----------------|--------------|
| Media (DS) | 75.8 (30.3) |
| Mediana (Q1-Q3) | 100 (50-100) |
| Missing | 4 |

Giorni di VM pre-VAP

| | N | 46 |
|-----------------|-----------|----|
| Media (DS) | 6.7 (6.5) | |
| Mediana (Q1-Q3) | 4 (3-8.8) | |
| Missing | 0 | |

Incidenza di VAP (3)

(Paz. con VAP/1000 gg. di VM pre-VAP)

| | |
|----------|---------|
| Stima | 3.5 |
| CI (95%) | 2.6-4.7 |

Incidenza di VAP (4)

(Paz. con VAP/paz. ventilati per 8 gg.)

| | |
|----------|---------|
| Stima | 2.8% |
| CI (95%) | 2.0-3.7 |

Pazienti infetti in degenza

Pazienti con VAP in degenza (continua)

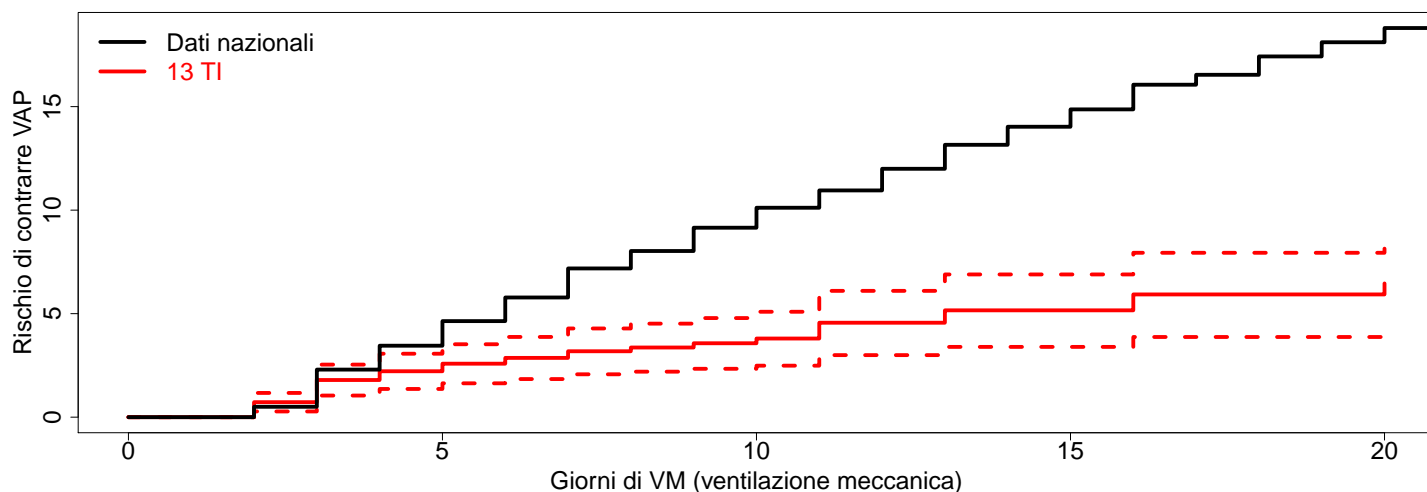
Di seguito le formule utilizzate per il calcolo dei due tassi di incidenza:

$$\text{Incidenza VAP in TI} = \frac{\text{Numero di pazienti con VAP in degenza}}{\text{Giornate di ventilazione meccanica pre - VAP}} \times 1000 \quad (3)$$

dove la variabile *Giornate di ventilazione meccanica pre-VAP* è pari alla somma delle giornate di ventilazione meccanica pre-VAP di tutti i pazienti ammessi in reparto. E' pari alla durata totale della ventilazione meccanica per i pazienti che non sviluppano VAP e alla differenza tra la data di insorgenza della VAP e la data di inizio della ventilazione meccanica per i pazienti infetti. Sono esclusi dal denominatore i giorni di ventilazione meccanica dei pazienti dimessi o deceduti entro 2 giorni dall'inizio della ventilazione.

$$\text{Incidenza VAP in TI} = \frac{\text{Numero di pazienti con VAP in degenza}}{(\text{Giornate di ventilazione meccanica pre - VAP})/8} \times 100 \quad (4)$$

Il secondo tasso è solo una rielaborazione del precedente, per permettere una lettura più semplice del dato. Risponde infatti alla domanda: 'Su 100 pazienti ventilati per 8 giorni in TI, quanti sviluppano VAP?'. Il cutoff di 8 giorni è stato stabilito per convenzione. I tassi sono corredati dagli intervalli di confidenza al 95%.



| Mortalità in TI | N | % |
|------------------------|----|------|
| Vivi | 30 | 65.2 |
| Deceduti | 16 | 34.8 |
| Missing | 0 | |

| Degenza in TI (giorni) | |
|-------------------------------|----------------|
| Media (DS) | 26.3 (16.3) |
| Mediana (Q1-Q3) | 22 (13.2-36.8) |
| Missing | 0 |

| Mortalità ospedaliera * | N | % |
|--------------------------------|----|------|
| Vivi | 26 | 61.9 |
| Deceduti | 16 | 38.1 |
| Missing | 1 | |

| Degenza ospedaliera (giorni) * | |
|---------------------------------------|------------------|
| Media (DS) | 35.8 (21.0) |
| Mediana (Q1-Q3) | 37.5 (17.2-48.8) |
| Missing | 1 |

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto (N=43).

Report nazionale (13 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Veneto]
Pazienti infetti in degenza

| VAP con microrganismi isolati | VAP | | VAP probabili-certe | | VAP (nuovi episodi) | |
|--|-----|------|---------------------|-------|---------------------|------|
| | N | % | N | % | N | % |
| No | 6 | 13.0 | 0 | 0.0 | 2 | 15.4 |
| Sì | 40 | 87.0 | 18 | 100.0 | 11 | 84.6 |
| Numero totale di microrganismi isolati | 61 | | 26 | | 18 | |
| Missing | 0 | | 0 | | 0 | |

| Microorganismi responsabili isolati (MDR) *** | MDR | | | MDR | | | MDR | | |
|--|-----------|--------------------|-------------|-----------|--------------------|-------------|----------|--------------------|-------------|
| | N | % su isolati, N=40 | % su gruppo | N | % su isolati, N=18 | % su gruppo | N | % su isolati, N=11 | % su gruppo |
| Batteri | | | | | | | | | |
| Gram + | 13 | 32.5 | 30.8 | 6 | 33.3 | 33.3 | 2 | 18.2 | 50.0 |
| Staphylococcus | 11 | 27.5 | | 5 | 27.8 | | 1 | 9.1 | |
| Staphylococcus Aureus (MRSA) | 9 | 22.5 | 22.2 | 3 | 16.7 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| S. coagulasi negativo (meticillina resistente) | 2 | 5.0 | 100.0 | 2 | 11.1 | 100.0 | 2 | 9.1 | 100.0 |
| Streptococcus | 1 | 2.5 | | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Pneumococcus (resistente alla penicillina) | 0 | 0.0 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Enterococcus | 1 | 2.5 | | 1 | 5.6 | | 0 | 0.0 | |
| E. faecalis (vancomicina resistente) | 0 | 0.0 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| E. faecium (vancomicina resistente) | 1 | 2.5 | 0.0 | 1 | 5.6 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Clostridium difficile | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | | 1 | 9.1 | |
| Gram - | 32 | 80.0 | 40.6 | 15 | 83.3 | 46.7 | 7 | 81.8 | 66.7 |
| Klebsiella (prod. ESBL) | 10 | 25.0 | 30.0 | 3 | 16.7 | 66.7 | 2 | 18.2 | 66.7 |
| Enterobacter (prod. ESBL) | 3 | 7.5 | 0.0 | 1 | 5.6 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Serratia (prod. ESBL) | 3 | 7.5 | 0.0 | 1 | 5.6 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Pseudomonas aer. | 9 | 22.5 | | 6 | 33.3 | | 4 | 36.4 | |
| MDR pseudomonas aer. sensibile a carbapenemi | 2 | 5.0 | 22.2 | 2 | 11.1 | 33.3 | 2 | 18.2 | 0.0 |
| MDR pseudomonas aer. resistente anche a carbapenemi | 2 | 5.0 | 22.2 | 2 | 11.1 | 66.7 | 1 | 9.1 | 50.0 |
| Escherichia coli (prod. ESBL) | 7 | 17.5 | 14.3 | 3 | 16.7 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Proteus (prod. ESBL) | 1 | 2.5 | 0.0 | 1 | 5.6 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Acinetobacter (resistente ai carbapenemi) | 5 | 12.5 | 80.0 | 1 | 5.6 | 100.0 | 2 | 18.2 | 100.0 |
| Stenotrophomonas | 2 | 5.0 | 100.0 | 2 | 11.1 | 100.0 | 2 | 18.2 | 100.0 |
| Haemophilus influenzae | 1 | 2.5 | | 1 | 5.6 | | 0 | 0.0 | |
| Legionella | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Citrobacter (prod. ESBL) | 0 | 0.0 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Neisseria meningitidis | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Funghi | | | | | | | | | |
| Candida | 6 | 15.0 | | 1 | 5.6 | | 3 | 27.3 | |
| Candida albicans (resistente agli azolici) | 4 | 10.0 | 0.0 | 1 | 5.6 | 0.0 | 3 | 27.3 | 0.0 |
| Candida non albicans (resistente agli azolici) | 3 | 7.5 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 | 2 | 18.2 | 50.0 |
| Aspergillus sp. | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Pneumocistis carinii | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Virus | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Altro | | | | | | | | | |
| Mycobatteri | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Mycobatteri (polmoniti atipiche) | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Altro | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | | 1 | 9.1 | |
| Totale | 17 | 42.5 | | 9 | 50.0 | | 7 | 63.6 | |
| Totale (escluso s. coagulasi negativo meticillina resistente) | 15 | 37.5 | | 7 | 38.9 | | 7 | 63.6 | |

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Pazienti infetti in degenza

| VAP con microrganismi isolati | VAP | | VAP probabili-certe | | VAP (nuovi episodi) | |
|--|-----|------|---------------------|-------|---------------------|------|
| | N | % | N | % | N | % |
| No | 6 | 13.0 | 0 | 0.0 | 2 | 15.4 |
| Si | 40 | 87.0 | 18 | 100.0 | 11 | 84.6 |
| Numero totale di microrganismi isolati | 61 | | 26 | | 18 | |
| Missing | 0 | | 0 | | 0 | |

| Microrganismi responsabili isolati (MDR) *** | N | % su gruppo | % su isolati, N=40 | N | % su gruppo | % su isolati, N=18 | N | % su gruppo | % su isolati, N=11 |
|---|-----------|-------------|-----------------------|----------|-------------|-----------------------|----------|-------------|-----------------------|
| Gram - | | | | | | | | | |
| <i>Klebsiella</i> | 10 | | 25.0 | 3 | | 16.7 | 1 | | 9.1 |
| Klebsiella prod. ESBL | 3 | 30.0* | 7.5 | 2 | 66.7* | 11.1 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Klebsiella res. carb. | 2 | 20.0* | 5.0 | 1 | 33.3* | 5.6 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Klebsiella res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Klebsiella res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Klebsiella res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Klebsiella res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Enterobacter</i> | 3 | | 7.5 | 1 | | 5.6 | 1 | | 9.1 |
| Enterobacter prod. ESBL | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Enterobacter res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Enterobacter res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Enterobacter res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Enterobacter res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Enterobacter res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Serratia</i> | 3 | | 7.5 | 1 | | 5.6 | 0 | | 0.0 |
| Serratia prod. ESBL | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Serratia res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Serratia res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Serratia res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Serratia res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Serratia res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Pseudomonas aer.</i> | 9 | | 22.5 | 6 | | 33.3 | 4 | | 36.4 |
| Pseudomonas aer. res. carb. | 2 | 22.2* | 5.0 | 1 | 16.7* | 5.6 | 2 | 50.0* | 18.2 |
| Pseudomonas res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Escherichia Coli</i> | 7 | | 17.5 | 3 | | 16.7 | 0 | | 0.0 |
| Escherichia Coli prod. ESBL | 1 | 14.3* | 2.5 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Escherichia Coli res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Escherichia Coli res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Escherichia Coli res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Escherichia Coli res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Escherichia Coli res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Proteus</i> | 1 | | 2.5 | 1 | | 5.6 | 0 | | 0.0 |
| Proteus prod. ESBL | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Proteus res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Proteus res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Proteus res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Proteus res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Proteus res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Citrobacter</i> | 0 | | 0.0 | 0 | | 0.0 | 0 | | 0.0 |
| Citrobacter prod. ESBL | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Citrobacter res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Citrobacter res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Citrobacter res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Citrobacter res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Citrobacter res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Acinetobacter</i> | 5 | | 12.5 | 1 | | 5.6 | 2 | | 18.2 |
| Acinetobacter res. carb. | 4 | 80.0* | 10.0 | 1 | 100.0* | 5.6 | 2 | 100.0* | 18.2 |
| Acinetobacter res. Colistina | 1 | 33.3° | 2.5 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Acinetobacter res. Tigeciclina | 3 | 100.0° | 7.5 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Acinetobacter res. Col+Tig | 1 | 33.3° | 2.5 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |

* % calcolata sul numero di microrganismi dello stesso tipo.

°% calcolata sul numero di microrganismi resistenti ai carbapenemi dello stesso tipo. La % è calcolata sui soli microrganismi di cui è stata testata la resistenza.

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Report nazionale (13 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Veneto]

Pazienti infetti in degenza

Pazienti con BATTERIEMIA in degenza (N): 281

| Trauma | N | % |
|---------|-----|------|
| No | 225 | 80.1 |
| Sì | 56 | 19.9 |
| Missing | 0 | |

| Stato chirurgico | N | % |
|-----------------------|-----|------|
| Medico | 164 | 58.4 |
| Chirurgico d'elezione | 10 | 3.6 |
| Chirurgico d'urgenza | 107 | 38.1 |
| Missing | 0 | |

| Tipologia | N | % |
|----------------------------------|-----|------|
| Batteriemia primaria sconosciuta | 40 | 14.2 |
| Batteriemia da catetere (CR-BSI) | 116 | 41.3 |
| Batteriemia secondaria | 214 | 76.2 |
| Missing | 0 | |

| Nuovi episodi oltre il primo | N | % |
|------------------------------|-----|------|
| No | 123 | 86.6 |
| Sì | 19 | 13.4 |
| Missing | 0 | |

Pazienti con BATTERIEMIA (ORIGINE SCONOSCIUTA) in degenza (N): 40

| Infezioni multisito | N | % |
|---------------------|----|------|
| No | 16 | 40.0 |
| Sì | 24 | 60.0 |
| Missing | 0 | |

Incidenza di batteriemia (origine sconosciuta)

(Paz. infetti in degenza/paz. ricoverati per 7 gg.)

| | |
|----------|---------|
| Stima | 1.0% |
| CI (95%) | 0.7–1.4 |

| Mortalità in TI | N | % |
|-----------------|----|------|
| Vivi | 26 | 65.0 |
| Deceduti | 14 | 35.0 |
| Missing | 0 | |

| Mortalità ospedaliera * | N | % |
|-------------------------|----|------|
| Vivi | 21 | 56.8 |
| Deceduti | 16 | 43.2 |
| Missing | 0 | |

Degenza in TI (giorni)

| | |
|-----------------|----------------|
| Media (DS) | 25.2 (21.3) |
| Mediana (Q1–Q3) | 17 (11.8–30.2) |
| Missing | 0 |

Degenza ospedaliera (giorni) *

| | |
|-----------------|-------------|
| Media (DS) | 38.2 (31.2) |
| Mediana (Q1–Q3) | 29 (15–56) |
| Missing | 0 |

Pazienti con BATTERIEMIA da CATETERE in degenza (CR-BSI) (N): 116

| Infezioni multisito | N | % |
|---------------------|----|------|
| No | 32 | 27.6 |
| Sì | 84 | 72.4 |
| Missing | 0 | |

Fattori di rischio (N=5497)

| CVC (Catetere Venoso Centrale) | N | % |
|--------------------------------|------|------|
| No | 2359 | 43.0 |
| Sì | 3132 | 57.0 |
| Iniziata il primo giorno | 2936 | 53.4 |
| Missing | 6 | |

Durata (giorni)

| | |
|-----------------|------------|
| Media (DS) | 7.3 (10.2) |
| Mediana (Q1–Q3) | 4 (1–9) |
| Missing | 5 |

Durata/degenza in TI (%)

| | |
|-----------------|---------------|
| Media (DS) | 94.7 (13.8) |
| Mediana (Q1–Q3) | 100 (100–100) |
| Missing | 5 |

| Infezione locale da catetere (N=5497) | N | % |
|---------------------------------------|------|------|
| No | 5486 | 99.9 |
| Sì | 5 | 0.1 |
| Missing | 6 | |

Giorni di CVC pre-batteriemia

| | |
|-----------------|-----------|
| N | 113 |
| Media (DS) | 9.3 (8.3) |
| Mediana (Q1–Q3) | 7 (4–13) |
| Missing | 3 |

Incidenza di CR-BSI

(Paz. con CR-BSI/1000 gg. di CVC pre-CR-BSI)

| | |
|----------|---------|
| Stima | 5.5 |
| CI (95%) | 4.5–6.6 |

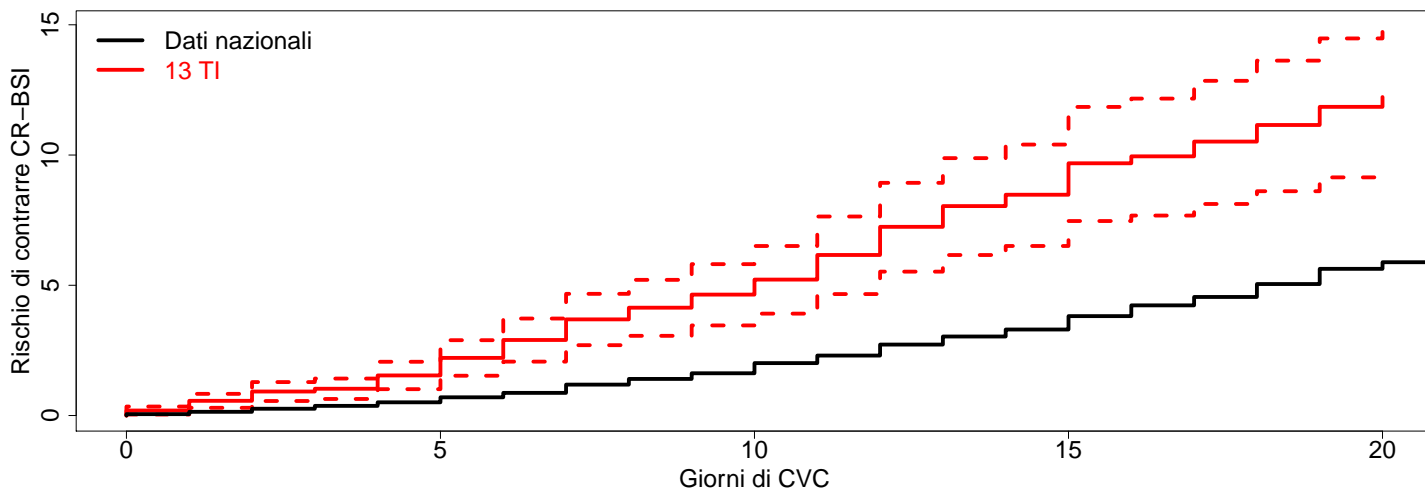
Incidenza di CR-BSI

(Paz. con CR-BSI/paz. con catetere per 12 gg.)

| | |
|----------|---------|
| Stima | 6.6% |
| CI (95%) | 5.4–7.9 |

Pazienti infetti in degenza

Pazienti con BATTERIEMIA da CATETERE in degenza (continua)



| Mortalità in TI | N | % |
|------------------------|----|------|
| Vivi | 91 | 78.4 |
| Deceduti | 25 | 21.6 |
| Missing | 0 | |

| Degenza in TI (giorni) | |
|-------------------------------|--------------|
| Media (DS) | 24.1 (14.4) |
| Mediana (Q1–Q3) | 22 (14.8–31) |
| Missing | 0 |

| Mortalità ospedaliera * | N | % |
|--------------------------------|----|------|
| Vivi | 77 | 73.3 |
| Deceduti | 28 | 26.7 |
| Missing | 3 | |

| Degenza ospedaliera (giorni) * | |
|---------------------------------------|-------------|
| Media (DS) | 39.3 (28.5) |
| Mediana (Q1–Q3) | 32 (23–48) |
| Missing | 3 |

Pazienti con BATTERIEMIA SECONDARIA in degenza (N): 214

| Infezioni associate (top 10) | N | % |
|---|-----|------|
| Inf. basse vie respiratorie NON polmonite | 143 | 66.8 |
| Infezione vie urinarie NON post-chir. | 45 | 21.0 |
| Altra infezione fungina | 28 | 13.1 |
| Polmonite | 14 | 6.5 |
| Infezione cute/tessuti molli NON chir. | 12 | 5.6 |
| Infezione cute/tessuti molli post-chir. | 9 | 4.2 |
| Infezione del S.N.C. NON post-chirurgica | 6 | 2.8 |
| Endocardite NON post-chirurgica | 6 | 2.8 |
| Infezione delle alte vie respiratorie | 4 | 1.9 |
| Peritonite post-chirurgica | 4 | 1.9 |
| Missing | 0 | |

| Mortalità ospedaliera * | N | % |
|--------------------------------|-----|------|
| Vivi | 128 | 66.3 |
| Deceduti | 65 | 33.7 |
| Missing | 2 | |

| Degenza in TI (giorni) | |
|-------------------------------|-------------|
| Media (DS) | 19.4 (17.5) |
| Mediana (Q1–Q3) | 16 (9–25.8) |
| Missing | 0 |

| Mortalità in TI | N | % |
|------------------------|-----|------|
| Vivi | 158 | 73.8 |
| Deceduti | 56 | 26.2 |
| Missing | 0 | |

| Degenza ospedaliera (giorni) * | |
|---------------------------------------|-------------|
| Media (DS) | 33.9 (29.4) |
| Mediana (Q1–Q3) | 27 (16–43) |
| Missing | 2 |

* Statistiche calcolate escludendo le riammissioni da reparto.

Report nazionale (13 TI) - Anno 2018 [TI Polivalenti - Regione Veneto]
Pazienti infetti in degenza

| Batteriemie con microrganismi isolati | Batteriemia primaria sconosciuta | | Batteriemia da catetere (CR-BSI) | | Batteriemia (nuovi episodi) | |
|--|----------------------------------|-------|----------------------------------|-------|-----------------------------|-------|
| | N | % | N | % | N | % |
| No | 0 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0 | 0.0 |
| Sì | 40 | 100.0 | 116 | 100.0 | 21 | 100.0 |
| Numero totale di microrganismi isolati | 45 | | 128 | | 15 | |
| Missing | 0 | | 0 | | 0 | |

| Microorganismi responsabili isolati (MDR) *** | MDR | | | MDR | | | MDR | | |
|--|-----|--------------------|-------------|-----|---------------------|-------------|-----|--------------------|-------------|
| | N | % su isolati, N=40 | % su gruppo | N | % su isolati, N=116 | % su gruppo | N | % su isolati, N=21 | % su gruppo |
| Batteri | | | | | | | | | |
| Gram + | | | | | | | | | |
| Staphylococcus | 19 | 47.5 | 8 | 77 | 66.4 | 40.3 | 11 | 52.4 | 54.5 |
| Staphylococcus Aureus (MRSA) | 18 | 45.0 | 2 | 71 | 61.2 | 31.8 | 10 | 47.6 | |
| S. coagulasi negativo (meticillina resistente) | 4 | 10.0 | 6 | 22 | 19.0 | 46.0 | 2 | 9.5 | 0.0 |
| Streptococcus | 14 | 35.0 | 0 | 50 | 43.1 | 0.0 | 8 | 38.1 | 75.0 |
| Pneumococcus (resistente alla penicillina) | 0 | 0.0 | 0 | 3 | 2.6 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Enterococcus | 2 | 5.0 | 0 | 2 | 1.7 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| E. faecalis (vancomicina resistente) | 2 | 5.0 | 0 | 7 | 6.0 | 0.0 | 1 | 4.8 | 0.0 |
| E. faecium (vancomicina resistente) | 0 | 0.0 | 0 | 3 | 2.6 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Clostridium difficile | 0 | 0.0 | 0 | 4 | 3.4 | 25.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Gram - | | | | | | | | | |
| Klebsiella (prod. ESBL) | 23 | 57.5 | 2 | 40 | 34.5 | 20.0 | 4 | 19.0 | 25.0 |
| Enterobacter (prod. ESBL) | 6 | 15.0 | 0 | 10 | 8.6 | 30.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Serratia (prod. ESBL) | 6 | 15.0 | 0 | 6 | 5.2 | 0.0 | 1 | 4.8 | 0.0 |
| Pseudomonas aer. | 2 | 5.0 | 0 | 1 | 0.9 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| MDR pseudomonas aer. sensibile a carbapenemi | 3 | 7.5 | 2 | 14 | 12.1 | 14.3 | 1 | 4.8 | 0.0 |
| MDR pseudomonas aer. resistente anche a carbapenemi | | | 0 | | | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Escherichia coli (prod. ESBL) | 5 | 12.5 | 0 | 4 | 3.4 | 25.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Proteus (prod. ESBL) | 0 | 0.0 | 0 | 1 | 0.9 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Acinetobacter (resistente ai carbapenemi) | 0 | 0.0 | 0 | 3 | 2.6 | 66.7 | 2 | 9.5 | 50.0 |
| Stenotrophomonas | | | 0 | | | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Haemophilus influenzae | 1 | 2.5 | | 1 | 0.9 | | 0 | 0.0 | |
| Legionella | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Citrobacter (prod. ESBL) | 0 | 0.0 | 0 | 0 | 0.0 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Neisseria meningitidis | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Funghi | | | | | | | | | |
| Candida | 1 | 2.5 | | 5 | 4.3 | | 0 | 0.0 | |
| Candida albicans (resistente agli azolici) | 1 | 2.5 | 0 | 3 | 2.6 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Candida non albicans (resistente agli azolici) | 0 | 0.0 | 0 | 2 | 1.7 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0.0 |
| Aspergillus sp. | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Pneumocistis carinii | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Virus | | | | | | | | | |
| Altro | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Mycobatteri | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Mycobatteri (polmoniti atipiche) | 1 | 2.5 | | 0 | 0.0 | | 0 | 0.0 | |
| Totale | | | 10 | | | 33.6 | 39 | | 33.3 |
| Totale (escluso s. coagulasi negativo meticillina resistente) | | | 4 | | | 13.8 | 16 | | 4.8 |

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Pazienti infetti in degenza

| Batteriemi con microrganismi isolati | Batteriemia primaria sconosciuta | | Batteriemia da catetere (CR-BSI) | | Batteriemia (nuovi episodi) | |
|--|----------------------------------|-------|----------------------------------|-------|-----------------------------|-------|
| | N | % | N | % | N | % |
| No | 0 | 0.0 | 0 | 0.0 | 0 | 0.0 |
| Si | 40 | 100.0 | 116 | 100.0 | 21 | 100.0 |
| Numero totale di microrganismi isolati | 45 | | 128 | | 15 | |
| Missing | 0 | | 0 | | 0 | |

| Microrganismi responsabili isolati (MDR) | N | % su gruppo | % su isolati, N=40 | N | % su gruppo | % su isolati, N=116 | N | % su gruppo | % su isolati, N=21 |
|--|----------|-------------|--------------------|-----------|-------------|---------------------|----------|-------------|--------------------|
| Gram - | | | | | | | | | |
| <i>Klebsiella</i> | 6 | | 15.0 | 10 | | 8.6 | 0 | | 0.0 |
| Klebsiella prod. ESBL | 0 | 0.0* | 0.0 | 3 | 30.0* | 2.6 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Klebsiella res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 2 | 20.0* | 1.7 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Klebsiella res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Klebsiella res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 1 | 50.0° | 0.9 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Klebsiella res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Klebsiella res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Enterobacter</i> | 6 | | 15.0 | 6 | | 5.2 | 1 | | 4.8 |
| Enterobacter prod. ESBL | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Enterobacter res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Enterobacter res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Enterobacter res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Enterobacter res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Enterobacter res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Serratia</i> | 2 | | 5.0 | 1 | | 0.9 | 0 | | 0.0 |
| Serratia prod. ESBL | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Serratia res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Serratia res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Serratia res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Serratia res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Serratia res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Pseudomonas aer.</i> | 3 | | 7.5 | 14 | | 12.1 | 1 | | 4.8 |
| Pseudomonas aer. res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Pseudomonas res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Escherichia Coli</i> | 5 | | 12.5 | 4 | | 3.4 | 0 | | 0.0 |
| Escherichia Coli prod. ESBL | 0 | 0.0* | 0.0 | 1 | 25.0* | 0.9 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Escherichia Coli res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Escherichia Coli res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Escherichia Coli res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Escherichia Coli res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Escherichia Coli res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Proteus</i> | 0 | | 0.0 | 1 | | 0.9 | 0 | | 0.0 |
| Proteus prod. ESBL | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Proteus res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Proteus res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Proteus res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Proteus res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Proteus res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Citrobacter</i> | 0 | | 0.0 | 0 | | 0.0 | 0 | | 0.0 |
| Citrobacter prod. ESBL | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Citrobacter res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 | 0 | 0.0* | 0.0 |
| Citrobacter res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Citrobacter res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Citrobacter res. Gentamicina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Citrobacter res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| <i>Acinetobacter</i> | 0 | | 0.0 | 3 | | 2.6 | 2 | | 9.5 |
| Acinetobacter res. carb. | 0 | 0.0* | 0.0 | 2 | 66.7* | 1.7 | 1 | 50.0* | 4.8 |
| Acinetobacter res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Acinetobacter res. Tigeciclina | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Acinetobacter res. Col+Tig | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 | 0 | 0.0° | 0.0 |

* % calcolata sul numero di microrganismi dello stesso tipo.

° % calcolata sul numero di microrganismi resistenti ai carbapenemi dello stesso tipo. La % è calcolata sui soli microrganismi di cui è stata testata la resistenza.

*** Per informazioni su come leggere la tabella, si veda l'Appendice.

Appendice

Di seguito viene data la chiave di lettura delle tabelle dei microrganismi del Report. A titolo esplicativo, viene fatto riferimento agli episodi di **polmonite all'ammissione**. Il discorso può essere però generalizzato agli altri episodi presi in considerazione nel Report, in particolare:

- polmoniti acquisite in ospedale o in altra TI (pagina 8 e 9);
- episodi infettivi in degenza dei pazienti infetti solo in degenza (pagina 12 e 13);
- episodi infettivi in degenza dei pazienti infetti sia all'ammissione che in degenza (pagina 12 e 13);
- VAP (pagina 17 e 18);
- VAP probabili-certe (pagina 17 e 18);
- VAP altri episodi (pagina 17 e 18);
- batteriemie primarie sconosciute (pagina 21 e 22);
- batteriemie da catetere (pagina 21 e 22);
- batteriemie nuovi episodi (pagina 21 e 22).

Tabella generale dei microrganismi (pagina 8, 12, 17 e 21)

| Pazienti infetti all'ammissione | | Polmoniti (TOTALI) | |
|--|---------|--------------------|------|
| Polmoniti con microrganismi isolati | | N | % |
| No | | 1909 | 49.1 |
| Si | | 1982 | 50.9 |
| Numero totale di microrganismi isolati | | 2551 | |
| | Missing | 26 | |

| Microrganismi responsabili isolati (MDR) | N | % su isolati, N=1982 | MDR | |
|---|-------------|----------------------|------------|-------------|
| | | | N | % su gruppo |
| Batteri | | | | |
| Gram - | 1103 | 55.7 | 484 | 43.9 |
| Klebsiella (prod. ESBL) | 240 | 12.1 | 118 | 49.2 |
| Enterobacter (prod. ESBL) | 65 | 3.3 | 11 | 16.9 |
| Serratia (prod. ESBL) | 41 | 2.1 | 8 | 19.5 |
| Pseudomonas aer. | 305 | 15.4 | | |
| MDR pseudomonas aer. sensibile a carbapenemi | | | 101 | 33.1 |
| MDR pseudomonas aer. resistente anche a carbapenemi | | | 79 | 25.9 |
| Escherichia coli (prod. ESBL) | 200 | 10.1 | 54 | 27.0 |
| Proteus (prod. ESBL) | 34 | 1.7 | 10 | 29.4 |
| Acinetobacter (resistente ai carbapenemi) | 143 | 7.2 | 110 | 76.9 |
| Stenotrophomonas | | | 36 | 100.0 |
| Haemophilus influenzae | 75 | 3.8 | | |
| Legionella | 117 | 5.9 | | |
| Citrobacter (prod. ESBL) | 14 | 0.7 | 3 | 21.4 |
| Neisseria meningitidis | 3 | 0.2 | | |

- Tabella *Polmoniti con microrganismi isolati*

In questa tabella sono riportati il numero assoluto e relativo degli episodi di polmonite in cui sono stati isolati microrganismi. Nell'esempio, si sono osservati 1909 episodi di polmonite senza microrganismi isolati e 1982 episodi di polmonite con microrganismi isolati. In questi 1982 episodi, sono stati isolati in tutto 2551 microrganismi.

- Tabella *Microrganismi responsabili isolati (MDR)*

- prime due colonne (colonne 'N' e '% su isolati, N=1982'):

La prima colonna (**N**) rappresenta il numero assoluto di microrganismi osservati negli episodi selezionati. Nella figura, ad esempio, **240** sono le Klebsielle registrate nelle polmoniti all'ammissione; **200** i batteri Escherichia coli registrati negli stessi episodi. In totale sono riportati **1103** episodi con un batterio Gram negativo.

La seconda colonna (**% su isolati, N=1982**) rappresenta la percentuale ricoperta da N sul totale degli episodi (in questo caso le polmoniti) con microrganismi isolati. Il numero **1982** è quello presente nella tabella sovrastante *Polmoniti con microrganismi isolati* in corrispondenza della riga 'Sì'. Quindi, ad esempio, tra i 1982 episodi dove sono stati isolati microrganismi, nel **2.1%** dei casi (41 su 1982) è stata isolata una Serratia, mentre nel **15.4%** dei casi (305 su 1982) sono stati isolati Pseudomonas aer.

Sono lasciate vuote le caselle corrispondenti ai microrganismi multiresistenti (nell'esempio, MDR Pseudomonas aer. e Stenotrophomonas), le cui informazioni sono riportate nella terza e quarta colonna.

• **terza e quarta colonna (MDR, colonne 'N' e '% su gruppo'):**

Questa metà della tabella riguarda i microrganismi multiresistenti (come si evince dal sottotitolo *MDR*). In particolare, la tipologia di multiresistente considerata per il microrganismo è quella scritta tra parentesi tonde nell'elenco dei microrganismi. Ad esempio, si sono registrati **118** microrganismi Klebsiella produttrice di ESBL, che rappresentano il **49.2%** delle Klebsielle totali isolate nelle polmoniti (che si vedono nella prima colonna della prima metà della tabella: 240). I microrganismi Acinetobacter resistenti ai carbapenemi registrati sono stati **110** su un totale di 143 (ovvero, **76.9%** degli Acinetobacter totali).

Questa seconda metà della tabella è vuota per quei microrganismi accanto al cui nome non c'è il dettaglio della forma multiresistente (nell'esempio, Pseudomonas aer. non MDR, Haemophilus influenzae, Legionella e Neisseria meningitidis).

Tabella dettaglio Gram Negativi (pagina 9, 13, 18 e 22)

| Microrganismi responsabili isolati (MDR) | N | % su gruppo | % su isolati, N=1982 |
|--|------------|-------------|----------------------|
| Gram - | | | |
| Klebsiella | 240 | | 12.1 |
| Klebsiella prod. ESBL | 118 | 49.2* | 6.0 |
| Klebsiella res. carb. | 93 | 38.8* | 4.7 |
| Klebsiella res. Colistina | 20 | 21.7° | 1.0 |
| Klebsiella res. Tigeciclina | 31 | 48.4° | 1.6 |
| Klebsiella res. Gentamicina | 39 | 45.3° | 2.0 |
| Klebsiella res. Col+Tig+Gent | 4 | 4.6° | 0.2 |
| Enterobacter | 65 | | 3.3 |
| Enterobacter prod. ESBL | 11 | 16.9* | 0.6 |
| Enterobacter res. carb. | 3 | 4.7* | 0.2 |
| Enterobacter res. Colistina | 0 | 0.0° | 0.0 |
| Enterobacter res. Tigeciclina | 1 | 33.3° | 0.1 |
| Enterobacter res. Gentamicina | 3 | 100.0° | 0.2 |
| Enterobacter res. Col+Tig+Gent | 0 | 0.0° | 0.0 |

- Tabella Microrganismi responsabili isolati (MDR)

Questa tabella presenta un dettaglio ulteriore rispetto alla tabella descritta precedentemente. Oltre al numero di microrganismi osservati negli episodi selezionati (nell'esempio si sono registrate 240 Klebsielle e 65 Enterobacter), vengono forniti ulteriori dettagli sulle resistenze ad antibiotici specifici. Nell'esempio, delle **240** Klebsielle, **118** sono produttrici di ESBL, che in percentuale corrispondono al **49.2%** (colonna '% su gruppo') delle Klebsielle registrate. Tra le Klebsielle produttrici di ESBL ce ne sono **93** resistenti ai carbapenemi, che corrispondono al **38.8%** (93/240) delle Klebsielle registrate.

Tra le 93 Klebsielle resistenti ai carbapenemi, **20** sono resistenti alla Colistina. La percentuale **21.7%** non è data da 20/93, perchè di alcune Klebsielle può risultare 'non testata' la resistenza all'antibiotico. Il 21.7% sono le Klebsielle resistenti alla Colistina tra quelle per cui la resistenza a tale antibiotico è stata testata. Analogamente, per gli altri antibiotici (Tigeciclina e Gentamicina).

La terza colonna (% **su isolati, N=1982**) rappresenta la percentuale ricoperta dal numero di microrganismi sul totale degli episodi con microrganismi isolati (che sono appunto 1982, come si evince dalla tabella *Polmoniti con microrganismi isolati* alla riga 'Sì'). Quindi, ad esempio, tra i 1982 episodi dove sono stati isolati microrganismi, nel **6%** (118/1982) dei casi è stata isolata una Klebsiella produttrice di ESBL; nell'**1.6%** (31/1982) dei casi è stata isolata una Klebsiella resistente alla Tigeciclina.